

# A Anhang

## A.1 Plasmidvektoren und DNA-Konstrukte

Tabelle A.1: Liste der verwendeten Plasmidkonstrukte.

Name	Datenbank #	Beschreibung
rCIC-7 in pTLN	641	CIC-7 aus Ratte in pTLN
CIC-7	647	CIC-7 aus Ratte in pFrog (S. Brandt)
Ostm1_mycCT-p(EGFP)-N3	3027	Ostm1 (Eco RI/SaI I) aus Maus mit C-terminalem Myc-Epitop (Sal I/Not I) in pEGFP mit deletiertem GFP
Ostm1_GFP-pEGFP-N3	3028	Ostm1 (Eco RI/SaI I) aus Maus mit C-terminalem GFP in pEGFP
CIC-7-GFP	3049	CIC-7 aus Ratte mit C-terminaler EGFP-Fusion im Vektor pEGFP-N1 (Jens Fuhrmann)
Ostm1_p(EGFP)-N3	3050	Ostm1 (Eco RI/SaI I) aus Maus in pEGFP mit deletiertem GFP
Ostm1_myc110-p(EGFP)-N3	3051	Ostm1 (Eco RI/SaI I) aus Maus Myc-Epitop hinter AS 110 in pEGFP mit deletiertem GFP
mgl_mycNT_HANT_p(EGFP)-N3	3142	SacI Schnittstelle silent eingeführt
mgl_mycNT_SacIsilent_p(EGFP)-N3	3143	Ostm1 mit ER Retentionssignalmutante (Jens Fuhrmann)
mgl_mycNT_2KR-4A_p(EGFP)-N3	3145	Ostm1 mit ER Retentionssignalmutante (Jens Fuhrmann)
mgl_mycNT_2KR-2NQ_p(EGFP)-N3	3146	Ostm1 mit ER Retentionssignalmutante (Jens Fuhrmann)
gl-FRGRSWTY	3332	Ostm1 in p(EGFP) mit SWTY Forwardssignal
CD4-gl-gl-MycCT	3343	Ostm1-Chimäre mit N-Terminus von CD4
Ostm1-d327-Myc110	3344	Deletion von 327-338 in Ostm1
Ostm1-d333-Myc110	3345	Deletion von 333-338 in Ostm1
rCIC-7-HAext	3346	CIC-7 in pFrog mit eingefügtem HA-Epitop in einem extrazellulären Abschnitt
Ostm1_pTLB	3384	Ostm1 aus Maus in pTLB
Ostm1-Myc44-p(EGFP)-N3	3385	Ostm1 (Eco RI/SaI I) aus Maus Myc-Epitop hinter AS 44 in pEGFP mit deletiertem GFP
Ostm1-Myc282_p(EGFP)-N3	3386	Ostm1 (Eco RI/SaI I) aus Maus Myc-Epitop hinter AS 282 in pEGFP mit deletiertem GFP
CD4-CD4-gl-MycCT	3387	Ostm1-Chimäre mit N-Terminus und Transmembrandomäne von CD4
glMyc110-CD4-gl	3388	Ostm1-Chimäre mit Transmembrandomäne von CD4
glMyc110-gl-CD4	3389	Ostm1-Chimäre mit C-Terminus von CD4
glMyc110-gl-Lamp1	3390	Ostm1-Chimäre mit C-Terminus von Lamp1
Ostm1-CTlong-pGBKT7	3391	Ostm1-C-Terminus für Y2H in pGBKT7
Ostm1-CTlong-pACTII	3394	Ostm1-C-Terminus für Y2H in pActII
p(EGFP)-N3_mgl-HACT	3426	Ostm1 mit C-terminalem HA-Epitop
p(EGFP)-N3_mgl(1-143)-HACT	3427	Ostm1 Trunkation nach AS 143 mit C-terminalem HA-Epitop
p(EGFP)-N3_mgl(1-265)-HACT	3428	Ostm1 Trunkation nach AS 265 mit C-terminalem HA-Epitop
p(EGFP)-N3-mgl-HANT	3436	Ostm2 mit N-Terminalem HA-Epitop (vor dem Signalpeptid)
pEGFP-N		Expression als EGFP-Fusionsprotein (enhanced green fluorescent protein) in eukaryotischen Zellen, Clontech (Heidelberg). Kanamycinresistenz, SV40-Replikationsursprung, EGFP C-terminal, CMV-Promotor.
pCIneo		Expression in eukaryotischen Zellen, PROMEGA (Mannheim). SV40-Replikationsursprung, CMV-Promotor und Enhancer, Ampicillinresistenz.
pCDNA3		Expression in eukaryotischen Zellen, Invitrogen (Karlsruhe). Ampicillin- und Neomycinresistenz, T7- und CMV-Promotor, SV40-Replikationsursprung.

Fortsetzung auf der folgenden Seite...

## A Anhang

Tabelle A.1 – Fortsetzung

Name	Datenbank #	Beschreibung
pFrog		pFrog
CIC-7-HA		CIC-7 aus Ratte mit C-terminaler HA-Fusion in pCIneo (AG Jentsch)
CIC-7-Myc		CIC-7 aus Ratte mit C-terminaler Myc-Fusion im Vektor p(EGFP)-N1. Ausgehend von dem Konstrukt CIC-7-GFP wurde durch Verdau mit den Enzymen XmaI und NotI die kodierende Sequenz für das EGFP-Protein entfernt. Durch Ligation mit den Oligonukleotiden myc_s und myc_as wurden die Sequenzen für ein Myc-Epitop (EQKLISEEDL) und ein anschließendes Stoppcodon unter Erhalt des Leserasters eingeführt.
hCIC-6		humanes CIC-6 in pCDNA3 (AG Jentsch)
hCIC-3l		Humanes CIC-3 lange Splicevariante (AG Jentsch)

## A.2 Oligonukleotide

Sämtliche für diese Arbeit verwendeten Oligonukleotide wurden von den Firmen (MWG Biotech AG, München, Deutschland) oder (Biomers, Ulm, Deutschland) bezogen.

Tabelle A.2: Oligonukleotide

Bezeichnung	Sequenz
00001_m_gl_RtPCR_7as	GAGAACCCCTTATTCAG
00002-cmv_s	CAAAATGTCGTAACAACCTCCG
00040_mgl_3s	CCAATAGCAGCGCCGAGCTGAC
00041_mgl_4as	CAGGCTCAGCCTTGTCTCAAGCC
00042_mgl_8s	GAGTCGAACCTTC
00043_mgl_9s	GGAGGTGCAGGACTTGACCC
00044_mgl_10as	CGCCTCCTGCCACGTGC
00045_mgl_11s	CGATGTGGAGGATGCAATGAAC
00046_sal-myc-stop-not-s	TCGACGAGGAGCAGAAGCTGATCTCAGAGGAGGACCTGTAAGC
00047_sal-myc-stop-not-as	GGCCGCTTACAGGTCTCTCTGAGATCAGCTTCTGCTCCTCG
00048_pl30_hgl-gen1-s	GCGGCTGTCCGCGGTG
00049_pl31_hgl-gen2-as	CCAGCGCTGACCATCATTACACC
00050_pl32_hgl-gen3-s	CTTCCTTTGCAAGTGAACCTAGTACC
00051_pl33_hgl-gen4as	CTGACAGCTAGTAGGTTAGGGCTAG
00052_pl34_hgl-gen5-s	GATATTCCGTGATTATGACCTTGTGCC
00053_pl35_hgl-gen6-as	GCAGAAATCCAGGTCCACTAACTCC
00054_pl36_hgl-gen7-s	TCACATACCGGGTCTCTAATCCTTCG
00056_pl38_hgl-gen9-s	CCTGGCAGAAGAAGTTGTCTCTCAAC
00057_pl39_hgl-gen10-as	GCATGAGCCACTGCACCTAGCC
00058_pl40_hgl-gen11-s	TGCTTCTAACAAAGTCATGTGCAATTC
00060_pl41_hgl-gen12-as	GTGATATGTCAATTCTCCATTTGTAGG
00061_pl42_hgl-gen13-as	TGTTCCTTGCAATGTTCTGTATTGTGAC
00062_pl43_hgl-14-s	TGGACTTCGCCAACAGCAGC
00063_pl45_hgl-16-s	CTCTGAGTAGTCTGTACAGTG
00064_pl46-hgl-17-as	TGCATCTTCCACATCAATGC
00080_pl51_hgl-gen18-s	CGCTCGCGGAAACCGGAAGC
00081_pl52-hgl-gen19-as	AACTCTCCTGAGCCACAGTCCCAGG
00111_pl53-mgl-wt-s	CCTCTGGAAGACTAATACTTGCTG
00112_pl54-mgl-wt-as	GCCTGGAACAGAGCAAAGC
00113_pl55-mgl-ko-s	GCTACATCTGGGTCTTTFCG
00114_pl56-mgl-ko-as	CGTTGTCTTTGTCTGTACCTTTGTGTTT
00115_pl57-LampCT-as	TACAGCGGCC GCCTAGATGG TCTGATAGCC CGCGTGACTC CTCTTCCTGA AGCTACTGAG GTAGAGACGAC
00116_pl58-AgeI-mgl-s	AGTAACCGGTACGGTGTCCGTGGTTGCTG

Fortsetzung auf der folgenden Seite...

Tabelle A.2 – Fortsetzung

Bezeichnung	Sequenz
00117_pl59-SacII-mgl-s	AGTACCGCGGCTTCACTCAGAGCAAAGAA
00118_pl60-mgl-SacII-as	TACTCCGCGGGAAGCTACTGAGGTAGAAG
00119_pl61-mgl-AgeI-as	TACTACCGGTGTGCTGCTGCAGGTGACCG
00120_pl62-pEGFP-as	CTACAAATGTGGTATGGCTG
00191_pl64_mgl-AgeI-p2-mgl-s	AGTAACCGGTGACGGTGTCCGTGGTTGCTG
00192_pl65_AgeI-p2-mgl-as	TACTACCGGTGTGCTGCTGCAGGTGACCG
00193_pl66_mgl-probe1-s	GCCCACGGTGTCACTCAGTG
00194_pl67_mgl-probe1-as	CTGTGTGTAACGCTCCCAGG
00195_pl68-LampCT2-as	TTCTTTTTT GCGGCCCGCT AGATGGTCTG ATAGCCCCGCG TGA
00196_pl69_mgl_C6HAKozak-s	ACTATAGGCTAGCGCCGCCATGTTATATCCATACGACGTACCAGATTAC
00197_hC7_1sframe2	CATGACATGTGGGAGGCCCGGTACC
00198_hC7_2sframe2	CATGACATGTCAACACCAGTGACCTGCCTGAGGC
00221-edar_s	CTCAGCCCCACCGAGTTG
00222-edar_as	CACTCACAGCTGTCGGTCCG
00227-gl-sal-s	CTACCTCAGTAGCTTCCCTTACGTCGACCAAAAG
00228-gl-sal-as	GTTTGCCTTTCTTTTGGTGCAGCTGAAGG
00232_gl-d333_as	TTCTTTTTT GCGGCCCGCTTAGTTGGCAAAACTGGTGGCTCG
00233_gl-d327_as	TTCTTTTTT GCGGCCCGCTTACGACTTGAGACGTTTGGGTA
00234_gl-d321_as	TTCTTTTTT GCGGCCCGCAATTAGAATGAGTTTGCCTTTCTTTGCTC
00446_gl-d333_as-2	TTCTTTTTT GCGGCCCGCTTAGTTGGCAAAACTGGTGGCTCG
00480-hgl-gen-20as	TCCACCCTGCAGGAGGGACAG
00481-hgl-gen-21s	GCAGTTGCTGGAGGTGGAGGAC
00482-hgl-gen-22s	CCTCAAGTTGTTTGCAAAGCTGAAAATAC
00483-hgl-gen-23as	CTGACATCTGTACTACTGAACCATAACTGC
00484-hgl-gen-24s	ATGACAACATAGAATTGTTCTTGAG
00485-hgl-gen-25as	CATTATTCCTTTGTACAAGGCAGC
00486-hgl-gen-26s	ATAATGTTTATTGTATATATTACATGTGCC
00487-hgl-gen-27as	CATTCAATAACACTCTAAAATATGTATCAC
00488-hgl-gen-28s	TTGAAGACAAGTTAAATATAAAATAGAAAG
00489-hgl-gen-29as	GCCTGTATTTTAAAAATTAGGCC
00490-hgl-gen-30s	GATTACATAAAAATAGTAAATAATCATGTTTG
00491-hgl-gen-31as	CTGAAACCAAGTTGTGTCTTCCAC
01646_mgl-gen-ko2-s	CAATGGTGTCTAGAGAAGAAGG
01647_mgl-gen-ko2-as	GTGCAGGCCAGAGGACAG
01671-mgl-gen-ko3-s	GTCAGAGAAGAAGGGGATGAG
03099-ccgg-myc_s	CCGGAGCAGAAGCTGATCTCGGAGGAGGACCTG
03100-myc-ggcc_as	GGCCGTCCAGGAGGAGGCTCTAGTCGAAGACGA
03101-c5myc-PCR1_s	TAGCCCGGGGCTATGGAGCAAAGC
03102-c5myc-PCR2_as	TATCCCGGGCATTCAAGTCTCTTTCAG
03103-t3seq	ATTAACCTCACTAAAG
03104-mgl-mut-xma771_s	CGGCACCCGGGCTTTGC
03105-mgl-mut-xma771_as	GCAAAGCCCGGGTGCCG
03628-Sal-SWTY-Not_s	TCGACTTCCGGGGCCGCTCCTGGACCTACTAAGC
03629-Sal-SWTY-Not_as	GGCCGCTTAGTAGGTCCAGGAGCGCCCCGGAAG
03749-gl_mycInt_as	CTCCGAGATCAGCTTCTGCTCAGCGCTGCGCACCATACAGG
03750-mgl_stop_not_as-2	GTGTGCGGCCGCTTAGGTGGCATTCTTGAATGTTGG
03751-mgl_Stopp_not_as	GTGTGCGGCCGCTTAGGTGGC
03752-nhe_ha_eco-s	CTAGCGCCGCCATGGCATAACATACGACGTACCAGATTACGTATCTGGAG
03753_pl44_hgl-15-as	CGGCTGATGTTGTCCATCTTGC
03754-m_gl_PCR_5s	GCATGAATTCGCCACCATGGCTCGGGACGCGGAGC
03755-m_a3_1s	CACGCCGATCTC
03756-myc_s	CCGGGAGCAGAAGCTGATCTCAGAGGAGGACCTGTAAGC
03757-m_a3-2s	GAGAGATCGGCCGTGGCAGC
03758-eco-ha-sal_s	AATTCGCCACCATGTACCCATACGATGTTCCAGATTACGCTCTTAC
03759-m_gl_PCR_6as	GATTGTGACGGTGGCATTCTTGAATGTTGGC
03760-m_gl_PCR_2as	GATCGTGCACGGTGGCATTCTTGAATGTTGGC
03761-eco-ha-sal_as	CATGGTAAGAGCGTAATCTGGAACATCGTATGGGTACATGGTGGCCG
03762-nhe_ha_eco_as	AATTCTCCAGATACGTAATCTGGTACGTCGTATGGATATGCCATGGCCGCGC

Fortsetzung auf der folgenden Seite...

## A Anhang

Tabelle A.2 – Fortsetzung

Bezeichnung	Sequenz
03763-mgl_MycInt2_s	GAAGCTGATCTCGGAGGAGGACCTGGGCTTTGCGGACTGC
03764-mgl_MycInt2_as	CCTCCTCCGAGATCAGCTTCTGCTCTGGGTGCCGACTGC
03765-gl_mycInt_s	GCTGATCTCGGAGGAGGACCTGCCGCCCGTGCSCCTCTGC
03773-eco-mglCT1_s	TAAGAATTCAGCTTCCTTCACTCAGAGC
03774-eco-mglCT2_s	TAAGAATTCATTCTACCCAAACGTCTCAAG
03775-mglCT1-sal_as	TAAGTCGACTTAGGTGGCATTCTTGAATG
03776-mglCT2-sal_as	TAAGTCGACTTAGGTGCTCGACTTGAGACG
03777-bstII-myc-s	GTCACCGAGCAGAAGCTGATCTCGGAGGAGGACCTG
03778-myc-bstII_as	GTGACCAGGTCCCTCCGAGATCAGCTTCTGCTCG
04027-Eco-rC7NT_s	ATAGAATTCATGGCCAACGTTTCTAAGAAAG
04028-rC7NT-Sal_as	TATGTCGACGATCTCCACTGTCCGGAAAG
04029-Eco-rC7CT_s	ATAGAATTCCTACTGGGAAGCCCCGGTC
04030-rC7CT-Sal_as	TATGTCGACTCACGTCTGGGCCAGTGAAAG
04484-mgl-myc44-s	CACCAGCAGTCGGCACCCAGAGCAGAAGCTGATCTCGGAGGAG
04485-mgl-myc44-as	CAGCAGGTCCGCAAAGCCCAGGTCCCTCCGAGATCAGC
04486-mgl-myc282-s	CCTTCAACTGTTCCGGTACCAGCAGAAGCTGATCTCGGAGGAG
04487-mgl-myc282-as	CGTGTGCTGCACAGGTCCCTCCGAGATCAGC
04709_mgl-myc43-2_s	GCTGATCTCGGAGGAGGACCTGGGCTTTGCGGACTGCTG
04710_mgl-myc43-2_as	CTCCTCCGAGATCAGCTTCTGCTCTGGGTGCCGACTGCTGGTG
04711_mgl-myc282-2_s	GCTGATCTCGGAGGAGGACCTGTGACGACACGGTGTCC
04712_mgl-myc282-2_as	CTCCTCCGAGATCAGCTTCTGCTCGGTGACCGAACAGTTGAAG
06485_pl-C7lib-fr1-s	aattcagtttaaac
06486_pl-C7lib-fr1-as	tcgaggtttaaacg
06487_pl-C7lib-fr2-s	aattcaggtttaaac
06488_pl-C7lib-fr2-as	tcgaggtttaaacg
06489_pl-C7lib-fr3-s	aattcaggtttaaac
06490_pl-C7lib-fr3-as	tcgaggtttaaacg
06659_left-linker_s	gtcaccCTGCAGCGACACGGTGTCCGTGGTTGCTGTGTCTGTG
06660_left-linker_as	GACACAGCAACCACGGACACCGTGTGCTGCAg
06663_51Ks	gtcaccGCCGCAGCGACGGTGTCCGTGGTTGCTGTGTCTGTG
06664_51Kas	TGAACACAGACACAGCAACCACGGACACCGTTCGCTGCCGcg
06665_52Ks	gtcaccTGCAGCGACGCCGACGGTGGTTGCTGTGTCTGTG
06666_52Kas	TGAACACAGACACAGCAACCACCGCTGCGGCGTCCGTCGCAg
06667_53Ks	gtcaccTGCAGCGACACGGTGTCCGCCGACCGGTGTCTGTG
06668_53Kas	TGAACACAGACACCGCTGCGGCGACACCGTGTGCTGCAg
06669_54Ks	gtcaccTGCAGCGACACGGTGTCCGTGGTTGCTGCCGACGCG
06670_54Kas	TGAACGCTGCGGCAGCAACCACGGACACCGTGTGCTGCAg
06671_55Ks	GCCGCAGCGTTCCTGCCTGTGCTTCTTACCTgagct
06672_55Kas	cAGGTAGAAGACGACAGGCAGGAACGCTGCCGCCACA
06673_56Ks	TTCATTCTCGCCGACGGTGTCTTCTTACCTgagct
06674_56Kas	cAGGTAGAAGACGACCGCTGCGGCGAGAATGAACACA
06675_57Ks	TTCATTCTTCTCCTGCCTGCCGCAGCGTACCTgagct
06676_57Kas	cAGGTACGCTGCGGCAGGCAGGAAGAGAATGAACACA
06677_58Ks	TTCATTCTTCTCCTGCCTGTGCTTCTCGCCGAagct
06678_58Kas	TGCGGCGAAGACGACAGGCAGGAAGAGAATGAACACA
06681_C7_G240R_s	gtctgtgtaAggggactgg
06682_C7_G240R_as	ccagtccccTtaccacagac
06683_C7_M332V_s	ctttgttccGtgatttcgac
06684_C7_M332V_as	gtcgaatcaCggaagcaaag
06685_C7_L490F_s	ccatgactTcggcctgttc
06686_C7_L490F_as	gaacagggccaAagtcattgg
06687_C7_R526Q_s	gcctggggcccAactctttgg
06688_C7_R526Q_as	ccaaagagtTggccccagcg
06689_C7_R526W_s	gcctggggcTgGctctttgg
06690_C7_R526W_as	ccaaagagCcAgccccagcg
06691_C7_L614P_s	gcccttccCacactgggaag
06692_C7_L614P_as	cttccaggtGggaaggcc
06693_c7-1290_s	gaggagaaagacaatc
06694_c7-2009_as	caaaattatgagggccagggc

Fortsetzung auf der folgenden Seite...

Tabelle A.2 – Fortsetzung

<b>Bezeichnung</b>	<b>Sequenz</b>
<b>06695_c7-2254_s</b>	gtcttgattactcgtctc
<b>06696_c7-2864_as</b>	caaccttctctctctcc
<b>06670_59Ks</b>	attatatgagctcCTTCegatgctggcaccgaaggcgccaagc
<b>06671_59Kas</b>	atataatGTCGACaatgggctacatgtctctg