

## 10 TABELLENVERZEICHNIS

Tabelle 3.1: Verwendete cDNS-Klone zur Generierung von Elementen.....	25
Tabelle 3.2: Gesamt-RNS des ganzen Auges von ND-Knockout und Wildtyp Mäusen .....	26
Tabelle 3.3: Vollständige cDNS und Angabe der Länge .....	27
Tabelle 3.4: Aus Gesamt-RNS des ganzen Auges amplifizierte SMART-cDNS.....	27
Tabelle 3.5: cDNS-Pools und darin enthaltene Kloninserts.....	28
Tabelle 3.6: Subtraktionsprodukte und deren Orientierung .....	28
Tabelle 3.7: Verwendete Enzyme, Bezugsquelle und Artikelnummern.....	29
Tabelle 3.8: Verwendete Kits, Bezugsquelle und Artikelnummern.....	29
Tabelle 3.9: Verwendete Längenstandards, Bezugsquelle und Artikelnummer.....	30
Tabelle 3.10: Sequenzen der verwendeten Primer .....	31
Tabelle 3.11: Verwendete Fein- und Biochemikalien.....	31
Tabelle 3.12: Verwendete Lösungen und Puffer.....	33
Tabelle 3.13: Eingesetzte Verbrauchsmaterialien und Bezugsquelle.....	36
Tabelle 3.14: Verwendete EDV-Programme, Version und Herstellerangabe.....	37
Tabelle 3.15: Genutzte Geräte und Herstellerangabe.....	37
Tabelle 4.1: Mastermix für eine Kolonie-PCR (96 PCR-Ansätze á 50 µl):.....	39
Tabelle 4.2: Mastermix für eine Nested-PCR (96 PCR-Ansätze á 50 µl).....	39
Tabelle 4.3: Reverse Transkription mit Superscript II .....	43
Tabelle 4.4: Ansatz für die Anlagerung der Primer an die RNS .....	43
Tabelle 4.5: CyScribe-Reaktionsansatz.....	43
Tabelle 4.6: Ansatz für die Anlagerung der Primer .....	44
Tabelle 4.7: Reaktionsansatz für Aminoallyl-Modifikation.....	44
Tabelle 4.8: Ansatz zur Anlagerung der Primer .....	45
Tabelle 4.9: Reaktionsansatz zur Erststrang-Synthese .....	45
Tabelle 4.10: Präzipitationsansatz.....	45
Tabelle 4.11: Hybridisierungs-Ansatz.....	45
Tabelle 4.12: Anlagerungs-Mix .....	47
Tabelle 4.13: Reaktionsansatz zur Erststrang-Synthese.....	47
Tabelle 4.14: Zweitstrang-Synthese der in vitro Transkription nach Eberwine.....	47
Tabelle 4.15 Ansatz zur Primer-Anlagerung.....	48
Tabelle 4.16: Reaktionsansatz zur Erststrang-Synthese in Kombination mit SMART.....	48
Tabelle 4.17: Zweitstrang-Synthese in Kombination mit SMART .....	48
Tabelle 4.18: Reaktionsansatz für Nicktranslation.....	49
Tabelle 4.19: Ansatz zur Anlagerung der Dekanukleotide.....	49
Tabelle 4.20: Reaktionsansatz für das Random Priming.....	49
Tabelle 4.21: Ansatz mit Reaktionsmix .....	50
Tabelle 4.22: Reaktionsansatz für die reverse Transkription .....	50
Tabelle 4.23: Inkubationen zur enzymatischen Signalamplifikation .....	50
Tabelle 4.24: Kompetitoren für die Hybridisierung.....	51
Tabelle 4.25: Temperaturen der verschiedenen Hybridisierungslösungen .....	52
Tabelle 5.1: Set von Kontrollen zur Beurteilung des Experimentes .....	59
Tabelle 5.2: Verfahren zur Markierung von minimalen Mengen an Gesamt-RNS.....	74
Tabelle 11.1: Auflistung der Gene, die durch ESTs repräsentiert werden.....	117
Tabelle 11.2: Zusammensetzung der Pools und Anzahl der detektierten Elemente.....	120
Tabelle 11.3: Komplette cDNS für das Redundanz-Screening.....	121