

## IX. Anhang

**Anhang 1: Liste der gleich exprimierten Gene im Striatum nach transienter und permanenter MCAO.** Dargestellt sind geordnet nach den sechs Zeitpunkten die 100 am stärksten exprimierten Gene welche sowohl nach transienter als auch nach permanenter MCAO im Striatum differentiell exprimiert werden. Dazu sind die Expressionswerte in den einzelnen Zeitpunkten in beiden Modellen dargestellt.

Gene Name	transiente MCAO						permanente MCAO					
	6h Striatum tMCAO & pMCAO						6h	12h	18h	2d	7d	14d
<i>A kinase (PRKA) anchor protein (gravin) 12</i>	8,6	11,1	8,6	4,3			2,4	2,2				
<i>CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), delta</i>	3,1	9,6	8,6	9,3		5,3	3,4	4,3	5,6	6,1	2,5	1,8
<i>glial fibrillary acidic protein</i>	3,2	5,8	6,4	10,3	7,4	19,1	2,5	3,5	4,6	11,5	10,8	6,4
<i>heat shock protein 1A</i>	24,2	60,2	25,3	8,6			20,9	14,7	15,7			
<i>immediate early response 3</i>	3,6	4,1	5,9	3,7			3,2	2,0	2,2			
<i>Jun oncogene</i>	4,6	5,5	4,6				3,9	3,3	2,2			
<i>neuropilin</i>	2,9						2,8					
<i>neurotensin</i>	6,2	6,3					9,0					
<i>solute carrier family 16 (monocarboxylic acid transporters)</i>	2,9						2,3					
<i>TGFB inducible early growth response 1</i>	3,9						3,4	2,0				
<i>trophoblast specific protein beta</i>	4,6	7,6	5,7	12,7		5,7	2,2	3,4	1,8			
<i>vimentin</i>	3,8	9,5	8,0	16,6	12,3	25,4	2,2	2,3	3,0	11,3	11,7	6,2
<b>12h Striatum tMCAO &amp; pMCAO</b>												
<i>a disintegrin-like and metalloprotease (reprolysin type)</i>	5,4	6,7	6,2	4,8				2,5				
<i>A kinase (PRKA) anchor protein (gravin) 12</i>	8,6	11,1	8,6	4,3			2,4	2,2				
<i>annexin A3</i>		4,2		6,3	11,3	6,4		2,9		2,5	2,5	2,4
<i>CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), delta</i>	3,1	9,6	8,6	9,3		5,3	3,4	4,3	5,6	6,1	2,5	1,8
<i>D site albumin promoter binding protein</i>	0,3	0,3						0,3				
<i>discs, large homolog 4</i>	0,3	0,2						0,5				
<i>gamma-aminobutyric acid (GABA-A) receptor delta</i>		0,3		0,2				0,5				
<i>glial fibrillary acidic protein</i>	3,2	5,8	6,4	10,3	7,4	19,1	2,5	3,5	4,6	11,5	10,8	6,4
<i>heat shock protein 1A</i>	24,2	60,2	25,3	8,6			20,9	14,7	15,7			
<i>immediate early response 3</i>	3,6	4,1	5,9	3,7			3,2	2,0	2,2			
<i>interleukin 1 receptor antagonist</i>		4,3						2,0				
<i>Jun oncogene</i>	4,6	5,5	4,6				3,9	3,3	2,2			
<i>lectin, galactose binding, soluble 1</i>		3,9	5,3	18,1	21,7	19,6		2,1	2,0	11,0	4,4	1,9
<i>membrane metallo endopeptidase</i>	0,2	0,2	0,2	0,2				0,4				
<i>neoplastic progression 3</i>		3,0						2,6	1,9			
<i>oncostatin M receptor</i>		3,7	5,8	8,5	7,2	10,4		2,4	2,9	5,0	2,5	
<i>pleckstrin</i>		4,6	5,4	4,4	19,8	10,2		2,2		2,6	5,1	2,8
<i>transforming growth factor, beta</i>	3,7	5,8	7,3	24,7	22,3	23,9		3,7	3,3	18,7		
<i>transglutaminase 2, C polypeptide</i>		7,5	4,5	11,0	8,0			4,7	2,6	3,1		
<i>trophoblast specific protein beta</i>	4,6	7,6	5,7	12,7		5,7	2,2	3,4	1,8			
<i>betaGal beta-1,3-N-acetylglucosaminyltransferase 1</i>		0,2						0,5				
<i>vimentin</i>	3,8	6,6	6,0	10,5	9,5	19,6		2,1	2,7	12,7	8,3	4,7
<b>18h Striatum tMCAO &amp; pMCAO</b>												
<i>CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), delta</i>	3,1	9,6	8,6	9,3		5,3	3,4	4,3	5,6	6,1	2,5	1,8

Gene Name	transiente MCAO						permanente MCAO					
CD9 antigen		3,0	3,4	3,8	6,1	5,7			1,9	2,7	2,5	1,9
cysteine rich protein 61	6,3	5,3	6,0						2,2			
glial fibrillary acidic protein	3,2	5,8	6,4	10,3	7,4	19,7	2,5	3,5	4,6	11,5	10,8	6,4
heat shock protein 1A	24,2	60,2	25,3	8,6			20,9	14,7	15,7			
immediate early response 3	3,6	4,1	5,9	3,7			3,2	2,0	2,2			
insulin-like growth factor binding protein 7			4,6	6,9	6,3				2,2	3,0		
interferon induced transmembrane protein 3		8,8	11,5	9,4	8,5	13,7	2,2		2,8	4,6	4,4	2,2
Jun oncogene	4,6	5,5	4,6				3,9	3,3	2,2			
Kruppel-like factor 4 (gut)	5,3	6,2	4,2						2,2			
lectin, galactose binding, soluble 1		3,9	5,3	18,1	21,7	19,6		2,1	2,0	11,0	4,4	1,9
oncostatin M receptor		3,7	5,8	8,5	7,2	10,4		2,4	2,9	5,0	2,5	
pentaxin related gene		5,5	8,1						4,1			
S100 calcium binding protein A11 (calizzarin)		4,1	7,5		12,2	9,4			2,1	5,6		
S100 calcium binding protein A6 (calcyclin)		3,2	5,2	9,2		10,8			2,0	6,5	3,7	2,7
serine (or cysteine) proteinase inhibitor, clade A, 3N			3,3	5,7		6,0		2,0	1,9	5,3	2,8	2,9
signal transducer and activator of transcription 3			3,1						2,1	3,1		
transforming growth factor, beta induced	3,7	5,8	7,3	24,7	22,3	23,9		3,7	3,3	18,7		
transglutaminase 2, C polypeptide		7,5	4,5	11,0	8,0			4,7	2,6	3,1		
transthyretin			0,2				3,7	2,1	11,8	9,7	12,8	0,2
trophoblast specific protein beta	4,6	7,6	5,7	12,7		5,7	2,2	3,4	1,8			
vimentin	3,8	9,5	8,0	16,6	12,3	25,4	2,2	2,3	3,0	11,3	11,7	6,2
Von Willebrand factor homolog			3,3	7,5	12,8				2,3			
<b>2d Striatum tMCAO &amp; pMCAO</b>												
annexin A3		4,2		6,3	11,3	6,4		2,9		2,5	2,5	2,4
apoptosis-associated speck-like protein				4,0	11,4	6,7			2,5	5,4	2,3	2,4
calponin 3, acidic				4,3						2,5		
CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), delta	3,1	9,6	8,6	9,3		5,3	3,4	4,3	5,6	6,1	2,5	1,8
CD9 antigen		3,0	3,4	3,8	6,1	5,7			1,9	2,7	2,5	1,9
CDC28 protein kinase 1				3,8						3,3		
cDNA sequence BC032204				3,8	11,8	12,5			1,9	5,1	4,9	2,1
complement component 1, q subcomponent, beta				3,8	13,8				2,1	3,9	8,1	4,7
complement component 1, q subcomponent, gamma				3,7	11,1	19,4			1,8	3,5	6,3	4,9
cyclin D1				6,8					1,8	4,0	2,1	
dehydrogenase/reductase (SDR family) member 1				3,8						2,6		
eukaryotic translation initiation factor 4E binding protein 1				4,6						3,1		
fatty acid binding protein 7, brain				10,2		5,9				4,8	2,9	1,8
glial fibrillary acidic protein	3,2	5,8	6,4	10,3	7,4	19,7	2,5	3,5	4,6	11,5	10,8	6,4
heat shock protein 1	18,1			7,8				2,2	3,4	2,9		
histone 1, H2ae				3,8	6,8					4,5	2,4	
Ia-associated invariant chain				4,4	8,5	14,4			2,6	3,1	3,5	4,5
insulin-like growth factor binding protein 2				4,0						5,7	2,6	
insulin-like growth factor binding protein 7			4,6	6,9	6,3				2,2	3,0		
interferon induced transmembrane protein 2			3,5	5,5	8,0	12,0				3,5	2,2	
interferon induced transmembrane protein 3		8,8	11,5	9,4	8,5	13,7	2,2		2,8	4,6	4,4	2,2
lectin, galactose binding, soluble 1		3,9	5,3	18,1	21,7	19,6		2,1	2,0	11,0	4,4	1,9
lymphocyte antigen 6 complex, locus A		4,7	4,6	6,2						2,5		
macrophage scavenger receptor 2				4,0		6,5				3,3		
membrane-spanning 4-domains, subfamily A, 6B				5,1	5,8					3,0		
oncostatin M receptor		3,7	5,8	8,5	7,2	10,4		2,4	2,9	5,0	2,5	
pleckstrin		4,6	5,4	4,4	19,8	10,2		2,2		2,6	5,1	2,8
procollagen, type IV, alpha 1		4,1	4,6	7,6	15,0					2,4		

Gene Name	transiente MCAO						permanente MCAO					
<i>protein S (alpha)</i>				4,5	6,3						2,5	
<i>S100 calcium binding protein A6 (calcyclin)</i>		3,2	5,2	9,2		10,8			2,0	6,5	3,7	2,7
<i>serine (or cysteine) proteinase inhibitor, clade A, 3N</i>			3,3	5,7		6,0		2,0	1,9	5,3	2,8	2,9
<i>syndecan 4</i>				3,7					1,8	3,2	2,4	
<i>Tax1 binding protein 3</i>			3,3	4,0	6,5					2,5	2,2	
<i>transferrin</i>			3,4	4,5						3,2		
<i>transforming growth factor, beta</i>	3,7	5,8	7,3	24,7	22,3	23,9	3,7	3,3	18,7			
<i>transglutaminase 2, C polypeptide</i>		7,5	4,5	11,0	8,0			4,7	2,6	3,1		
<i>vimentin</i>	3,8	9,5	8,0	16,6	12,3	25,4	2,2	2,3	3,0	11,3	11,7	6,2
<b>7d Striatum tMCAO &amp; pMCAO</b>												
<i>annexin A3</i>		4,2		6,3	11,3	6,4		2,9		2,5	2,5	2,4
<i>apoptosis-associated speck-like protein</i>				4,0	11,4	6,7			2,5	5,4	2,3	2,4
<i>ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1)</i>					6,6	8,9					3,1	2,9
<i>beta-2 microglobulin</i>					6,6	7,1					4,5	2,7
<i>beta-glucuronidase</i>					14,0	14,4				3,9	3,7	2,3
<i>cathepsin E</i>					5,9						2,1	2,0
<i>cathepsin H</i>					9,3	10,4				4,4	3,2	3,0
<i>cathepsin Z</i>					12,6	15,0				2,3	4,2	2,4
<i>CD68 antigen</i>					17,2	15,5				2,4	3,8	2,4
<i>CD9 antigen</i>		3,0	3,4	3,8	6,1	5,7		1,9	2,7	2,5	1,9	
<i>complement component 1, q subcomponent, alpha</i>					10,1					3,1	5,7	4,2
<i>complement component 1, q subcomponent, beta</i>				3,8	13,8				2,1	3,9	8,1	4,7
<i>complement component 1, q subcomponent, gamma</i>				3,7	11,1	19,4			1,8	3,5	6,3	4,9
<i>glial fibrillary acidic protein</i>	3,2	5,8	6,4	10,3	7,4	19,1	2,5	3,5	4,6	11,5	10,8	6,4
<i>granulin</i>					7,4	9,4				2,3	4,1	2,6
<i>hexosaminidase B</i>					7,4	6,2					2,6	2,6
<i>histocompatibility 2, K1, K region</i>					6,1	8,7		2,0			3,8	2,1
<i>histone 1, H2ae</i>				3,8	6,8					4,5	2,4	
<i>Ia-associated invariant chain</i>				4,4	8,5	14,4			2,6	3,1	3,5	4,5
<i>integrin beta 5</i>					7,9	9,5				2,5	2,9	2,4
<i>interferon induced transmembrane protein 2</i>			3,5	5,5	8,0	12,0				3,5	2,2	
<i>interferon induced transmembrane protein 3</i>		8,8	11,5	9,4	8,5	13,1	2,2		2,8	4,6	4,4	2,2
<i>lectin, galactose binding, soluble 1</i>		3,9	5,3	18,1	21,7	19,6		2,1	2,0	11,0	4,4	1,9
<i>lectin, galactose binding, soluble 9</i>					5,9					2,6	2,2	
<i>lysosomal-associated protein transmembrane 5</i>					9,3	15,3				3,5	5,1	2,7
<i>lysozyme</i>					14,5						18,1	
<i>oncostatin M receptor</i>		3,7	5,8	8,5	7,2	10,4		2,4	2,9	5,0	2,5	
<i>pleckstrin</i>		4,6	5,4	4,4	19,8	10,2		2,2		2,6	5,1	2,8
<i>procollagen C-proteinase enhancer protein</i>					15,7						2,2	
<i>protective protein for beta-galactosidase</i>					6,6	8,0					2,4	
<i>protein tyrosine phosphatase, receptor type, C</i>				4,9	9,7	14,6					3,2	
<i>ribonucleotide reductase M2</i>				4,6	7,4						2,4	
<i>secreted phosphoprotein 1</i>					14,5						22,8	
<i>serine (or cysteine) proteinase inhibitor, clade H, 1</i>	5,2	4,7	6,6	4,5	9,8	10,6					2,5	
<i>Tax1 binding protein 3</i>			3,3	4,0	6,5					2,5	2,2	
<i>TYRO protein tyrosine kinase binding protein</i>					16,9	20,9				3,1	6,4	4,4
<i>vesicle amine transport protein 1 homolog (T californica)</i>		3,0			7,6	8,2	2,5				2,4	
<i>vimentin</i>	3,8	9,5	8,0	16,6	12,3	25,4	2,2	2,3	3,0	11,3	11,7	6,2
<b>14d Striatum tMCAO &amp; pMCAO</b>												
<i>alpha-2-macroglobulin</i>				4,5		7,9						2,3

Gene Name	transiente MCAO						permanente MCAO					
<i>annexin A3</i>		4,2		6,3	11,3	6,4		2,9		2,5	2,5	2,4
<i>apoptosis-associated speck-like protein</i>				4,0	11,4	6,7			2,5	5,4	2,3	2,4
<i>ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1)</i>					6,6	8,9					3,1	2,9
<i>beta-2 microglobulin</i>					6,6	7,1					4,5	2,7
<i>beta-glucuronidase</i>					14,0	14,4				3,9	3,7	2,3
<i>cathepsin H</i>					9,3	10,4				4,4	3,2	3,0
<i>cathepsin Z</i>					12,6	15,0				2,3	4,2	2,4
<i>CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), delta</i>	3,1	9,6	8,6	9,3		5,3	3,4	4,3	5,6	6,1	2,5	1,8
<i>CD68 antigen</i>					17,2	15,5				2,4	3,8	2,4
<i>CD9 antigen</i>		3,0	3,4	3,8	6,1	5,7			1,9	2,7	2,5	1,9
<i>cellular repressor of E1A-stimulated genes</i>					8,4	7,5						1,9
<i>coactosin-like 1 (Dictyostelium)</i>						7,6				2,9	3,2	1,9
<i>complement component 1, q subcomponent, beta</i>						8,1				4,8	5,3	3,1
<i>complement component 1, q subcomponent, gamma</i>				3,7	11,1	19,4			1,8	3,5	6,3	4,9
<i>complement component 3a receptor 1</i>					11,1	6,2						2,1
<i>fatty acid binding protein 7, brain</i>				10,2		5,9				4,8	2,9	1,8
<i>glial fibrillary acidic protein</i>	3,2	5,8	6,4	10,3	7,4	19,1	2,5	3,5	4,6	11,5	10,8	6,4
<i>glycoprotein 49 B</i>			6,0	9,4		28,5		2,8				3,0
<i>granulin</i>					7,4	9,4				2,3	4,1	2,6
<i>hexosaminidase B</i>					7,4	6,2					2,6	2,6
<i>histocompatibility 2, K1, K region</i>					6,1	8,7		2,0			3,8	2,1
<i>Ia-associated invariant chain</i>				4,4	8,5	14,4			2,6	3,1	3,5	4,5
<i>insulin-like growth factor binding protein 5</i>						6,0					2,6	2,2
<i>integrin beta 5</i>					7,9	9,5				2,5	2,9	2,4
<i>interferon induced transmembrane protein 3</i>		8,8	11,5	9,4	8,5	13,1	2,2		2,8	4,6	4,4	2,2
<i>lectin, galactose binding, soluble 1</i>		3,9	5,3	18,1	21,7	19,6		2,1	2,0	11,0	4,4	1,9
<i>lysosomal-associated protein transmembrane 5</i>					8,0	9,1					3,0	1,8
<i>pleckstrin</i>		4,6	5,4	4,4	19,8	10,2		2,2		2,6	5,1	2,8
<i>S100 calcium binding protein A6 (calcyclin)</i>		3,2	5,2	9,2		10,8			2,0	6,5	3,7	2,7
<i>serine (or cysteine) proteinase inhibitor, clade A, 3N</i>			3,3	5,7		6,0		2,0	1,9	5,3	2,8	2,9
<i>TYRO protein tyrosine kinase binding protein</i>					16,9	20,9				3,1	6,4	4,4
<i>Vimentin</i>	3,8	9,5	8,0	16,6	12,3	25,4	2,2	2,3	3,0	11,3	11,7	6,2

**Anhang 2: Detaillierte Angaben zu den untersuchten Patienten.** Die verschiedenen Daten wurden den Pathologieberichten der untersuchenden Pathologen entnommen.

	Patient	Alter	Post-mortem Zeit [h]	Geschlecht	Neuropathologische Diagnose	Todes Ursache	Dauer der Demenz
AD	03/213	80	---	M	AD		
	03/480	70	---	M	AD	Melanom	seit 1990
	03/512	65	56.5	M			
	03/653	60	65	M	AD	Akute Obstruktion der oberen Luftwege	
	03/711	91	34	W	AD	Mesotheliom	
	03/858	67	31	M	AD	Resperatorisches Versagen	
	03/891	79	---	M	AD		seit 1991
	04/013	81	24	M	AD		seit 1996
	04/042	78	20	W	AD		
	04/164	76	70	W	AD	Mitralklappeninsuffizienz	
	04/206	84	73	M	AD	Pertonitis	
	04/323	82	25	M	AD	Herzinfarkt	
	04/444	82	15	M	AD		
	04/497	60	14	M	AD		
04/618							
04/639							

Kontrolle	03/481	73	54	W	Lokale hypoxische Veränderungen	Lungenembolie	
	03/515	74	32	M			
	03/833	79	57	M			
	03/964	82	50	M			
	03/965	58	---	W			
	03/983	58	55	W	keine signifikante Neuropathology	asthma	
	04/034	73	37	W			
	04/041	82	22	M	geringe amyloide plaques ohne neutritische Veränderungen	Mitralklappeninsuffizienz	
	04/112	73	22	M			
	04/157	68	72	W			
	04/250	73	79	M	keine signifikante Neuropathology	asistole während Herzchirurgie	
	04/341	79	49	M	keine signifikante Neuropathology	Mesotheliom	
	04/424	75	23	W			

**Anhang 3: Biochemische Charakterisierung der einzelnen untersuchten Proben.** Die Daten wurden von dem Kooperationspartner NSV in Australien erhoben.

		ELISA $\mu\text{g/ml} / \mu\text{g}$ gesamt Protein		ELISA $\mu\text{g/ml} / \mu\text{g}$ gesamt Protein		Western Blot		Western Blot			
		A $\beta$ 1-40		A $\beta$ 1-42		A $\beta$		Total tau		PO4 tau	
		<i>Unlös.</i>	<i>Lös.</i>	<i>Unlös.</i>	<i>Lös.</i>	<i>Unlös.</i>	<i>Lös.</i>	<i>Übers.</i>	<i>Pellet</i>	<i>Übers.</i>	<i>Pellet</i>
<b>Alzheimer erkrankt</b>	<b>03/157</b>	3,48	0,037	19,46	0,17	295	31,1	0,411		0,461	
	<b>03/213</b>	0,21	0,031	7,16	0,06	170	6,4	0,428	2,04	1,195	3,63
	<b>03/480</b>	1,24	0,022	6,70	0,13	260	20,9	0,946	3,85	6,275	13,87
	<b>03/653</b>	10,48	0,016	8,02	0,05	180	12,0	0,655	3,32	2,235	7,78
	<b>03/711</b>	1,96	0,017	12,97	0,06	190	11,5	0,579	3,95	1,419	6,14
	<b>03/858</b>	1,82	0,070	7,30	0,07	175	5,8	1,146	2,84	0,065	6,51
	<b>03/891</b>	15,79	0,049	19,18	0,09	700	45,6	0,475	1,85	1,350	4,74
	<b>04/013</b>	6,50	0,060	14,40	0,06	295	16,7	0,370	3,89	0,063	0,27
	<b>04/076</b>	1,04	0,059	27,80	0,16	405	61,1	0,440	2,87	0,528	1,23
	<b>04/164</b>	1,02	0,037	4,62	0,09	90	10,5	0,327	2,83	0,227	0,45
	<b>04/206</b>	0,12	0,008	4,53	0,03	150	6,0	0,118	0,74	0,770	1,63
	<b>04/323</b>	1,77	0,025	22,09	0,13	315	62,2	0,137	2,49	0,055	0,25

<b>Kontrolle</b>	<b>03/481</b>	0,18	0,018	2,65	0,08	85	5,5	0,271	6,38	0,000	0,14
	<b>03/515</b>	0,94	0,020	21,38	0,12	340	55,5	0,592	4,89	0,000	0,14
	<b>03/833</b>	0,27	0,026	10,58	0,06	195	9,6	0,707	3,48	0,000	0,11
	<b>03/964</b>	0,45	0,046	5,64	0,13	100	5,5	0,714	4,69	2,236	0,13
	<b>03/965</b>	0,13	0,020	0,36	0,16	100	3,6	0,461	8,35	0,054	0,11
	<b>03/983</b>	0,83	0,017	6,95	0,07	145	17,1	0,526	4,79	0,024	0,13
	<b>04/034</b>	0,06	0,015	0,33	0,12	30	3,8	0,438		0,071	
	<b>04/041</b>	0,11	0,021	3,57	0,12	35	4,4	0,397	5,22	0,028	0,27
	<b>04/112</b>	0,07	0,015	0,96	0,08	30	4,2	0,135	3,79	0,015	0,15
	<b>04/157</b>	0,65	0,027	14,92	0,08	155	20,5	0,471	2,51	0,011	0,06
	<b>04/250</b>	0,06	0,011	0,54	0,11	60	4,4	0,202	3,71	0,002	0,17
	<b>04/341</b>	0,10	0,017	7,83	0,08	80	6,2	0,252	4,10	0,016	0,22
<b>04/424</b>	0,13	0,007	11,84	0,04	165	7,1	0,359	4,22	0,034	0,44	

**Anhang 4: Genliste der Genexpressions Analyse des Parenchyms. Zur Auswahl der Liste wurde eine minimale relative Expression von >2 und eine minimale Signifikanz von <0.005 gewählt.**

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Integrin, beta 4	10,19	0,0046
Clone IMAGE:5301781, mrna	8,56	0,0008
FCH and double SH3 domains 2	7,66	0,0001
CD44 antigen (homing function and Indian blood group system)	6,06	0,0015
Major histocompatibility complex, class II, DR beta 4	5,58	0,0029
Tenascin C (hexabrachion)	5,32	0,0038
A disintegrin-like and metalloprotease (reprolysin type) with thrombospondin type 1 motif, 18	5,10	0,0032
Solute carrier family 5 (sodium/glucose cotransporter), member 11	5,08	0,0036
Sapiens, clone IMAGE:4296209, mrna	5,02	0,0043
Chemokine (C-C motif) ligand 2	4,70	0,0037
Collagen, type IV, alpha 5 (Alport syndrome)	4,38	0,0003
Integrin, alpha 2 (CD49B, alpha 2 subunit of VLA-2 receptor)	4,24	0,0005
FERM domain containing 4B	4,19	0,0012
Forkhead box O1A (rhabdomyosarcoma)	4,18	0,0032
G protein-coupled receptor 37 (endothelin receptor type B-like)	4,09	0,0013
Suppression of tumorigenicity 18 (breast carcinoma) (zinc finger protein)	4,08	0,0004
N-acetylneuraminate pyruvate lyase (dihydrodipicolinate synthase)	4,08	0,0045
Leucine rich repeat containing 1	4,01	0,0001
CDC-like kinase 1	3,96	0,0026
Zinc finger homeobox 1b	3,95	0,0042
Dystonin	3,82	0,0048
Similar to RIKEN cdna 1700028P14	3,74	0,0015
Claudin 11 (oligodendrocyte transmembrane protein)	3,66	0,0014
UDP glycosyltransferase 8 (UDP-galactose ceramide galactosyltransferase)	3,65	0,0008
UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide N-acetylgalactosaminyltransferase-like 2	3,59	0,0001
Tight junction protein 2 (zona occludens 2)	3,58	0,0007
Lysophospholipase-like 1	3,56	0,0012
Solute carrier family 31 (copper transporters), member 2	3,53	0,0005
ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 8	3,52	0,0027
Ubiquitin specific protease 40	3,52	0,0029
TPR domain, ankyrin-repeat and coiled-coil-containing	3,46	0,0008
Cadherin 19, type 2	3,44	0,0010
Folate hydrolase (prostate-specific membrane antigen) 1	3,25	0,0003
Cyclin E2	3,24	0,0032
Cadherin 19, type 2	3,23	0,0009
Formin binding protein 1	3,21	0,0016
Wiskott-Aldrich syndrome protein interacting protein	3,17	0,0032
Calmin (calponin-like, transmembrane)	3,13	0,0013
Prostate-specific membrane antigen-like	3,10	0,0008
Family with sequence similarity 38, member B	3,09	0,0000
Loc440682	3,06	0,0046
Proline rich membrane anchor 1	3,06	0,0006
Cytochrome P450, family 39, subfamily A, polypeptide 1	3,02	0,0046

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Pleckstrin homology domain containing, family H (with myth4 domain) member 1	3,01	0,0024
DKFZP564K1964 protein	3,01	0,0005
RAS guanyl releasing protein 3 (calcium and DAG-regulated)	2,98	0,0001
Von Willebrand factor A domain-related protein	2,94	0,0003
Layilin	2,94	0,0002
Septin 10	2,91	0,0000
LIM domain binding 3	2,90	0,0013
Plakophilin 4	2,90	0,0049
Spermatogenesis associated 13	2,90	0,0002
Tweety homolog 2 (Drosophila)	2,88	0,0003
Phosphatidic acid phosphatase type 2C	2,88	0,0012
Mal, T-cell differentiation protein	2,82	0,0014
CDW92 antigen	2,82	0,0016
Solute carrier family 12 (sodium/potassium/chloride transporters), member 2	2,81	0,0022
Adaptor-related protein complex 1, sigma 2 subunit	2,77	0,0000
Bromodomain adjacent to zinc finger domain, 2B	2,74	0,0038
CDW92 antigen	2,74	0,0000
Anillin, actin binding protein (scraps homolog, Drosophila)	2,73	0,0003
Zinc finger, BED domain containing 3	2,71	0,0000
Uveal autoantigen with coiled-coil domains and ankyrin repeats	2,71	0,0033
Solute carrier organic anion transporter family, member 1A2	2,70	0,0010
Bobby sox homolog (Drosophila)	2,69	0,0041
Ras association (ralgds/AF-6) domain family 2	2,69	0,0002
Endothelial differentiation, sphingolipid G-protein-coupled receptor, 8	2,69	0,0003
Phosphodiesterase 8A	2,69	0,0006
LAG1 longevity assurance homolog 2 (S. Cerevisiae)	2,68	0,0001
EF hand domain family, member D1	2,67	0,0025
Quaking homolog, KH domain RNA binding (mouse)	2,67	0,0019
Prostate cancer associated protein 6	2,65	0,0007
LIM domain binding 3	2,64	0,0007
Proprotein convertase subtilisin/kexin type 6	2,64	0,0002
DNA cross-link repair 1C (PSO2 homolog, S. Cerevisiae)	2,63	0,0032
Dedicator of cytokinesis 10	2,63	0,0005
Tripartite motif-containing 59	2,62	0,0028
Cation channel, sperm associated 2	2,62	0,0027
Myelin oligodendrocyte glycoprotein	2,60	0,0021
Chemokine-like factor super family 5	2,60	0,0007
PX domain containing serine/threonine kinase	2,59	0,0039
Vitelliform macular dystrophy (Best disease, bestrophin)	2,58	0,0004
Leucine-rich repeat-containing G protein-coupled receptor 5	2,58	0,0004
Consensus includes gb:AF017336 /DEF=Homo sapiens genomic clone X17P1-68 encoding RNA which may be differentially expressed in individuals with neuropsychiatric diseases /FEA=CDS_2 /DB_XREF=gi:2708 ...	2,56	0,0046
Dedicator of cytokinesis 5	2,56	0,0017
Chromobox homolog 3 (HP1 gamma homolog, Drosophila)	2,56	0,0004
V-erb-b2 erythroblastic leukemia viral oncogene homolog 3 (avian)	2,56	0,0001
RP42 homolog	2,56	0,0038
Pro-oncosis receptor inducing membrane injury gene	2,55	0,0029
Rhotekin	2,55	0,0006
Fatty acid 2-hydroxylase	2,55	0,0017



Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Calpain 3, (p94)	2,52	0,0028
Lectin, galactoside-binding, soluble, 3 binding protein	2,52	0,0001
Myelin-associated oligodendrocyte basic protein	2,51	0,0014
Glycolipid transfer protein	2,51	0,0003
Transmembrane protein 38B	2,50	0,0003
Similar to RIKEN cdna 2610034N24	2,50	0,0046
Cyclin-dependent kinase inhibitor 1C (p57, Kip2)	2,46	0,0006
Niemann-Pick disease, type C1	2,46	0,0003
GRB2-associated binding protein 1	2,46	0,0031
Ras homolog gene family, member U	2,45	0,0013
Transient receptor potential cation channel, subfamily M, member 6	2,45	0,0039
Zinc finger protein 571	2,44	0,0031
Fring	2,44	0,0019
Histone 2, h2be	2,43	0,0046
Chloride intracellular channel 4	2,42	0,0004
Ceroid-lipofuscinosis, neuronal 8 (epilepsy, progressive with mental retardation)	2,41	0,0033
Mannosidase, alpha, class 2A, member 1	2,41	0,0014
Solute carrier family 25, member 13 (citrin)	2,41	0,0011
Septin 8	2,41	0,0001
Ectonucleotide pyrophosphatase/phosphodiesterase 2 (autotaxin)	2,40	0,0003
Ubiquitin-conjugating enzyme E2D 3 (UBC4/5 homolog, yeast)	2,39	0,0039
Solute carrier organic anion transporter family, member 3A1	2,39	0,0017
Acyl-coa synthetase long-chain family member 1	2,39	0,0019
Novel 58.3 KDA protein	2,37	0,0001
Myosin IE	2,34	0,0004
Lipin 1	2,34	0,0006
PR domain containing 2, with ZNF domain	2,34	0,0034
Solute carrier family 35, member D2	2,33	0,0026
Sal-like 1 (Drosophila)	2,33	0,0034
HRAS-like suppressor 3	2,32	0,0002
Soluble liver antigen/liver pancreas antigen	2,32	0,0025
Radixin	2,31	0,0004
Serum/glucocorticoid regulated kinase-like	2,31	0,0003
Collagen, type IX, alpha 2	2,31	0,0025
Aspartoacylase (aminoacylase 2, Canavan disease)	2,29	0,0009
GRB2-associated binding protein 1	2,29	0,0015
Transmembrane and coiled-coil domains 3	2,28	0,0006
Implantation-associated protein	2,28	0,0000
Core 1 UDP-galactose:N-acetylgalactosamine-alpha-R beta 1,3-galactosyltransferase	2,28	0,0048
Ankyrin repeat domain 13	2,28	0,0007
Elongation of very long chain fatty acids (FEN1/Elo2, SUR4/Elo3, yeast)-like 1	2,28	0,0003
Phosphodiesterase 7A	2,27	0,0001
Myosin, heavy polypeptide 11, smooth muscle	2,27	0,0008
Neuron navigator 3	2,27	0,0008
Fibroblast growth factor 1 (acidic)	2,27	0,0003
Gelsolin (amyloidosis, Finnish type)	2,26	0,0007
TPA regulated locus	2,26	0,0011
Cadherin 19, type 2	2,26	0,0036
Histone 1, h2ac	2,26	0,0020

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Wgar9166	2,25	0,0001
Cadherin 11, type 2, OB-cadherin (osteoblast)	2,25	0,0023
Heat shock 70kda protein 2	2,25	0,0005
Rho gtpase activating protein 17	2,25	0,0019
Phospholipase D1, phophatidylcholine-specific	2,24	0,0035
Cytochrome b5 reductase b5r.2	2,23	0,0021
Septin 4	2,22	0,0008
Embryonal Fyn-associated substrate	2,22	0,0014
Pogo transposable element with KRAB domain	2,21	0,0027
Synaptophysin-like protein	2,21	0,0032
Threonyl-trna synthetase-like 2	2,20	0,0016
Lysosomal-associated membrane protein 2	2,20	0,0002
MOB1, Mps One Binder kinase activator-like 2B (yeast)	2,20	0,0023
CD9 antigen (p24)	2,19	0,0011
Loc442530	2,19	0,0000
Kinesin family member 13B	2,19	0,0015
Homo sapiens, clone IMAGE:5163306, mrna	2,18	0,0004
Transcription factor MLR1	2,18	0,0027
2',3'-cyclic nucleotide 3' phosphodiesterase	2,18	0,0006
Vaccinia related kinase 2	2,17	0,0024
Tight junction protein 4 (peripheral)	2,17	0,0029
Ubiquitin specific protease 54	2,17	0,0017
Serine (or cysteine) proteinase inhibitor, clade B (ovalbumin), member 1	2,16	0,0005
Phosphoinositide-3-kinase, class 2, beta polypeptide	2,16	0,0016
ATP-binding cassette, sub-family A (ABC1), member 2	2,16	0,0035
Neural cell adhesion molecule 1	2,14	0,0013
Proline rich Gla (G-carboxyglutamic acid) 1	2,14	0,0015
Glutamate-cysteine ligase, catalytic subunit	2,14	0,0002
Secreted protein, acidic, cysteine-rich (osteonectin)	2,14	0,0020
Integrin, beta 1 (fibronectin receptor, beta polypeptide, antigen CD29 includes MDF2, MSK12)	2,13	0,0002
Phosphoprotein associated with glycosphingolipid-enriched microdomains	2,12	0,0035
Adiponectin receptor 2	2,12	0,0035
Spastic paraplegia 20, spartin (Troyer syndrome)	2,12	0,0038
Thrombospondin 2	2,12	0,0036
UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide N-acetylgalactosaminyltransferase 4 (galnac-T4)	2,12	0,0023
Transforming growth factor, alpha	2,11	0,0007
Ring finger protein 130	2,11	0,0002
Chloride channel 5 (nephrolithiasis 2, X-linked, Dent disease)	2,11	0,0027
Synaptogyrin 2	2,10	0,0011
Formin-like 2	2,10	0,0002
Contactin associated protein-like 4	2,10	0,0003
SP110 nuclear body protein	2,10	0,0007
Brain specific protein	2,09	0,0002
Blood vessel epicardial substance	2,09	0,0001
Ras homolog gene family, member G (rho G)	2,08	0,0017
Carnosine dipeptidase 1 (metallopeptidase M20 family)	2,08	0,0036
Formin binding protein 1	2,07	0,0005
Phosphatidylinositol binding clathrin assembly protein	2,07	0,0011
MEGF10 protein	2,07	0,0019

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Transmembrane protein 10	2,06	0,0003
ST6 (alpha-N-acetyl-neuraminyl-2,3-beta-galactosyl-1,3)-N-acetylgalactosaminide alpha-2,6-sialyltransferase 3	2,06	0,0043
LCCL domain containing cysteine-rich secretory protein 1	2,05	0,0005
Discoidin domain receptor family, member 1	2,05	0,0005
Potassium channel tetramerisation domain containing 3	2,05	0,0049
Lipase A, lysosomal acid, cholesterol esterase (Wolman disease)	2,05	0,0007
Thymidylate synthetase	2,05	0,0027
Alstrom syndrome 1	2,05	0,0019
Selenoprotein P, plasma, 1	2,04	0,0042
Transferrin	2,04	0,0043
Dedicator of cytokinesis 2	2,04	0,0028
Microphthalmia-associated transcription factor	2,03	0,0003
Aspartylglucosaminidase	2,02	0,0023
Far upstream element (FUSE) binding protein 3	2,02	0,0036
Mitogen-activated protein kinase-activated protein kinase 2	2,01	0,0049
F-box and leucine-rich repeat protein 18	0,50	0,0011
Zinc finger protein 169	0,49	0,0020
Zinc finger protein 106 homolog (mouse)	0,49	0,0017
MYC binding protein 2	0,48	0,0007
Microtubule-associated protein 1B	0,47	0,0021
Transmembrane 4 superfamily member 9	0,47	0,0005
PR/SET domain containing protein 8	0,47	0,0004
Potassium channel, subfamily K, member 3	0,46	0,0044
Collagen, type IV, alpha 3 (Goodpasture antigen) binding protein	0,46	0,0018
Transmembrane 7 superfamily member 3	0,46	0,0027
Wingless-type MMTV integration site family, member 10B	0,46	0,0039
Short-chain dehydrogenase/reductase 10	0,46	0,0044
Likely ortholog of mouse metal response element binding transcription factor 2	0,46	0,0004
RAB14, member RAS oncogene family	0,45	0,0020
WIPI49-like protein 2	0,45	0,0001
KH-type splicing regulatory protein (FUSE binding protein 2)	0,45	0,0045
CCR4-NOT transcription complex, subunit 7	0,44	0,0013
Fasciculation and elongation protein zeta 2 (zygin II)	0,44	0,0009
Slingshot homolog 1 (Drosophila)	0,44	0,0006
GLI pathogenesis-related 1 (glioma)	0,44	0,0041
Melanoma associated antigen (mutated) 1-like 1	0,44	0,0037
Zinc finger and BTB domain containing 7	0,43	0,0014
Neurexin 2	0,43	0,0017
Neurobeachin	0,43	0,0026
Bone morphogenetic protein receptor, type II (serine/threonine kinase)	0,42	0,0022
Adrenergic, beta, receptor kinase 2	0,42	0,0045
CD47 antigen (Rh-related antigen, integrin-associated signal transducer)	0,42	0,0008
Calcium channel, voltage-dependent, beta 3 subunit	0,42	0,0047
Neuronal pentraxin II	0,41	0,0016
Syntrophin, gamma 1	0,41	0,0020
Membrane associated DNA binding protein	0,41	0,0044
Spermatogenesis associated, serine-rich 2	0,40	0,0004
Mannose receptor, C type 1	0,40	0,0001
Cocaine- and amphetamine-regulated transcript	0,39	0,0048

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
A kinase (PRKA) anchor protein 13	0,38	0,0010
LIM domain only 4	0,38	0,0000
Calcium/calmodulin-dependent protein kinase II	0,37	0,0044
Solute carrier family 2 (facilitated glucose transporter), member 13	0,37	0,0019
Microtubule-associated protein tau	0,37	0,0011
PDZ domain containing 10	0,37	0,0004
Glutamate receptor, ionotropic, AMPA 2	0,37	0,0035
Discs, large homolog 2, chapsyn-110 (Drosophila)	0,36	0,0006
Bromodomain containing 4	0,36	0,0021
Contactin associated protein-like 2	0,36	0,0010
Phosphatidylinositol-specific phospholipase C, X domain containing 3	0,36	0,0021
Yippee-like 2 (Drosophila)	0,35	0,0000
Vacuolar protein sorting 13A (yeast)	0,35	0,0007
ARG99 protein	0,35	0,0042
Neurexin 1	0,34	0,0001
DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) box polypeptide 24	0,34	0,0019
Phosphoribosyl pyrophosphate synthetase 2	0,34	0,0028
Mitochondrial solute carrier protein	0,33	0,0016
Golgi autoantigen, golgin subfamily a, 1	0,33	0,0031
RNA binding motif protein 9	0,32	0,0001
Nicotinamide nucleotide adenylyltransferase 2	0,32	0,0024
Synuclein, alpha (non A4 component of amyloid precursor)	0,31	0,0022
Met proto-oncogene (hepatocyte growth factor receptor)	0,30	0,0045
Cholinergic receptor, muscarinic 3	0,30	0,0011
Piccolo (presynaptic cytomatrix protein)	0,30	0,0006
Src homology 2 domain containing transforming protein C3	0,29	0,0017
Transmembrane emp24 protein transport domain containing 4	0,29	0,0002
Zinc finger protein 364	0,27	0,0013
Guanylate cyclase 1, soluble, alpha 3	0,24	0,0020
Potassium voltage-gated channel, Shab-related subfamily, member 1	0,24	0,0009
Solute carrier family 30 (zinc transporter), member 3	0,24	0,0003
Calneuron 1	0,24	0,0009
Nuclear receptor interacting protein 3	0,24	0,0012
RAB gtpase activating protein 1-like	0,23	0,0020
Growth arrest-specific 7	0,23	0,0010
Contactin associated protein-like 5	0,23	0,0012
Cholinergic receptor, muscarinic 3	0,21	0,0009
Leucyl/cystinyl aminopeptidase	0,19	0,0000
Calcium/calmodulin-dependent protein kinase ID	0,19	0,0029
Similar to ataxin 2-binding protein 1 isoform 4	0,18	0,0006
RAR-related orphan receptor B	0,17	0,0030
Alanyl-trna synthetase like	0,17	0,0017
Solute carrier family 8 (sodium/calcium exchanger), member 1	0,15	0,0039
TGF-beta induced apoptosis protein 2	0,09	0,0025
Ectodermal-neural cortex (with BTB-like domain)	0,05	0,0000

**Anhang 5: Genliste der in den humanen Gefäßen differenziel exprimierten Genen.** Als Grenzwerte wurden eine relative Expression  $>1.5$  und eine Signifikanz  $P < 0,01$  verwendet.

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Phenylalanine-trna synthetase-like, beta subunit	3,30	0,0031
Similar to tryptophan/serine protease	1,98	0,0017
Polyglutamine binding protein 1	1,92	0,0056
M-phase phosphoprotein, mpp8	1,71	0,0087
DCP2 decapping enzyme homolog (S. Cerevisiae)	1,68	0,0000
Suppressor of hairy wing homolog 2 (Drosophila)	1,66	0,0005
Solute carrier family 26, member 10	1,66	0,0077
PHD finger protein 20-like 1	1,65	0,0052
Excision repair cross-complementing rodent repair deficiency, complementation group 3 (xeroderma pigmentosum group B complementing)	1,64	0,0068
Phosphatidylinositol-specific phospholipase C, X domain containing 2	1,59	0,0026
Trna isopentenyltransferase 1	1,55	0,0010
Solute carrier family 7 (cationic amino acid transporter, y+ system), member 6	1,53	0,0059
Protocadherin 9	1,52	0,0091
Oxysterol binding protein-like 8	1,51	0,0001
Helicase with zinc finger domain	1,50	0,0030
Histone deacetylase 8	0,67	0,0095
Ubiquinol cytochrome c reductase, 6.4kda subunit	0,66	0,0024
NADH dehydrogenase (ubiquinone) 1 beta subcomplex, 8, 19kda	0,66	0,0040
Pre-B-cell colony enhancing factor 1	0,66	0,0074
Glutamate-cysteine ligase, catalytic subunit	0,66	0,0010
Engulfment and cell motility 2 (ced-12 homolog, C. Elegans)	0,66	0,0082
Ribosomal protein S17	0,66	0,0060
Monoglyceride lipase	0,65	0,0027
Vacuolar protein sorting 24 (yeast)	0,65	0,0086
Adaptor-related protein complex 1, sigma 2 subunit	0,64	0,0096
Aldolase C, fructose-bisphosphate	0,64	0,0014
Actin related protein 2/3 complex, subunit 5-like	0,64	0,0040
Low density lipoprotein receptor (familial hypercholesterolemia)	0,64	0,0026
Syndecan 2 (heparan sulfate proteoglycan 1, cell surface-associated, fibroglycan)	0,63	0,0049
Peroxisomal lon protease	0,63	0,0021
Solute carrier family 35, member F2	0,62	0,0031
Ribosomal protein s15a	0,62	0,0047
Pirin (iron-binding nuclear protein)	0,62	0,0030
Interleukin 17D	0,62	0,0089
Itchy homolog E3 ubiquitin protein ligase (mouse)	0,61	0,0068
Zinc finger protein 258	0,61	0,0050
Sorcin	0,60	0,0098
S100 calcium binding protein A13	0,60	0,0075
Putative nuclear protein ORF1-FL49	0,60	0,0034
Mitochondrial carrier protein	0,60	0,0078
Sperm antigen HCMOGT-1	0,59	0,0037
Carboxypeptidase E	0,59	0,0019
Mitochondrial ribosomal protein L34	0,59	0,0048

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Cytochrome b-5	0,59	0,0022
Major histocompatibility complex, class I, A	0,58	0,0037
Fucosyltransferase 10 (alpha (1,3) fucosyltransferase)	0,58	0,0056
Peroxisomal membrane protein 4, 24kda	0,58	0,0025
Ankyrin 3, node of Ranvier (ankyrin G)	0,58	0,0024
NIMA (never in mitosis gene a)-related kinase 6	0,58	0,0007
SH3 domain binding glutamic acid-rich protein	0,58	0,0080
Discoidin domain receptor family, member 1	0,58	0,0010
Sin3-associated polypeptide, 30kda	0,57	0,0005
Ubiquitin specific protease 47	0,57	0,0060
Atpase, Class II, type 9B	0,56	0,0100
Proteasome (prosome, macropain) 26S subunit, non-atpase, 9	0,56	0,0081
ATP synthase, H+ transporting, mitochondrial F0 complex, subunit s (factor B)	0,55	0,0080
WAP four-disulfide core domain 1	0,55	0,0064
Tudor domain containing 9	0,55	0,0070
Ubiquitously-expressed transcript	0,54	0,0051
Lactamase, beta 2	0,54	0,0065
Hermansky-Pudlak syndrome 1	0,54	0,0061
Dicarbonyl/L-xylulose reductase	0,53	0,0064
BMP and activin membrane-bound inhibitor homolog (Xenopus laevis)	0,53	0,0012
CDC14 cell division cycle 14 homolog A (S. Cerevisiae)	0,53	0,0058
Interferon-related developmental regulator 2	0,53	0,0019
Diazepam binding inhibitor (GABA receptor modulator, acyl-Coenzyme A binding protein)	0,52	0,0019
CDC42 effector protein (Rho gtpase binding) 4	0,52	0,0027
Arylsulfatase D	0,52	0,0068
Choline phosphotransferase 1	0,51	0,0022
Sperm specific antigen 2	0,51	0,0010
LIM domain only 2 (rhombotin-like 1)	0,51	0,0037
Guanine nucleotide binding protein (G protein) alpha 12	0,50	0,0098
Interleukin 13 receptor, alpha 1	0,50	0,0021
Cortactin	0,50	0,0076
Myosin X	0,50	0,0006
Zinc finger, A20 domain containing 2	0,50	0,0022
Solute carrier family 25, member 27	0,49	0,0073
Vimentin	0,48	0,0005
Prohibitin	0,48	0,0085
Loc132671	0,48	0,0081
Transmembrane 7 superfamily member 1 (upregulated in kidney)	0,46	0,0041
Aldo-keto reductase family 1, member C3 (3-alpha hydroxysteroid dehydrogenase, type II)	0,46	0,0007
Dual specificity phosphatase 24 (putative)	0,46	0,0029
Myeloid cell leukemia sequence 1 (BCL2-related)	0,46	0,0004
Zinc finger protein 655	0,45	0,0041
Stomatin	0,45	0,0081
Integrin, beta 1 (fibronectin receptor, beta polypeptide, antigen CD29 includes MDF2, MSK12)	0,45	0,0071
Chromodomain helicase DNA binding protein 4	0,43	0,0023
Regucalcin (senescence marker protein-30)	0,42	0,0007
SWAP-70 protein	0,42	0,0030
Metallothionein 1K	0,41	0,0080

Genname	Relative Expression	Signifikanz P
Scrapie responsive protein 1	0,40	0,0064
Adaptor-related protein complex 1, sigma 1 subunit	0,40	0,0061
HCV F-transactivated protein 1	0,39	0,0096
Ras homolog gene family, member Q	0,39	0,0012
FYVE, rhogef and PH domain containing 4	0,37	0,0067
ATP-binding cassette, sub-family G (WHITE), member 1	0,33	0,0045
5'-nucleotidase, ecto (CD73)	0,31	0,0053
Transcription repressor p66 beta component of the mecp1 complex	0,29	0,0041
Dnaj (Hsp40) homolog, subfamily C, member 12	0,28	0,0083
Forkhead box H1	0,26	0,0060
Erythrocyte membrane protein band 4.1-like 2	0,21	0,0062

## XI. Abkürzungen

AD:	Alzheimers Disease
ADDL:	Engl.: Amyloid-derived diffusable Ligand/ lösliche Amyloid Liganden
AICD:	Engl.: APP-intracellular domain/ APP-intrazelluläre Domäne
AK:	Antikörper
APP:	engl.: Amyloid Precursor Protein
Aβ:	APP-Fragment
BSA:	<i>Bovine serum albumin</i>
CDS:	Engl: Coding sequence/ Kodierende Sequenz
EDTA:	Ethylendiamin-Tetraessigsäure
F:	Relative Expression
fAD:	familiar Alzheimers Disease
FTD:	Engl.: Fronto-temporale dementia
GO:	Gene Ontology
GPCR:	G-Protein gekoppelte Rezeptoren
HD:	Engl.: Huntingtons Disease
HRP:	<i>Horse raddish peroxidase</i>
ICH:	Immunhistochemie
IF:	Immunfluoreszenz
LBD:	Engl.: Demenz with Lewy Bodies/ Demenz mit Lewy Körperchen
MAPKKK:	Engl.: Mitogen activated protein kinase
MCAO:	Engl.: Middle cerebral artery occlusion/ Mittel zerebrale Arterien Okklusion
MG:	Mikroglia
ND:	Neurodegeneration
NFT:	Engl.: Neurofibrillar Tangles/ Neurofibrilläre Bündel
NI:	Neuroinflammation
NP:	Engl.: Neurofibrillar Plaques/ Neurofibrilläre Ablagerungen
P:	Signifikanz
PCR:	Engl.: Polymerase Chainreaction/ Polymerase Kettenreacion
PD:	Engl.: Parkinson Dementia
PET:	Positronen-Emissions-Tomography
PS:	Presenilin
qRT-PCR:	Engl.: Qualitative real-time PCR/ Quantitative PCR