

3. Materialien

E. coli Stämme

K-12 Stamm SCS1(PMS51-n) abgeleitet von DH1 [Balzer et al., 1992]

n -siehe Kap. 5

Kulturmedien

5 g/l	Hefeextrakt (Difco)	
10 g/l	Trypton (Difco)	
5 g/l	NaCl	
25mM	Mops pH 8,0	separat autoklaviert
0,1 %	Glukose	separat autoklaviert
25 mg/l	Thiamin HCl (Sigma)	
100 mg/l	Ampicillin	
1 mM	IPTG	Steril filtriert, unter sterilen Bedingungen gemixt (zur Induktion)

Spermidinmix

2 mM	EDTA
200 mM	NaCl
2 mM	Spermidin-trishydrochlorid

Lysepuffer

64 mM	Tris-HCl pH 7,6
50 mM	NaCl
1 mM	EDTA
64 g/l	Sucrose
2,8 g/l	Brij 58 (Sigma)
400 mg/l	Lysozym (Roth)

Puffer A

20 mM	Tris-HCl pH 7,6
50 mM	NaCl

Puffer B

20 mM	Tris-HCl pH 7,6
1 M	NaCl

3. Materialien

Proteasememmer (bei Bedarf, siehe Ergebnisse, in Lysepuffer und Puffer A/B)

- 1 mM EDTA
- 1 mM PMSF (Roth)
- 1 mM Pefabloc (Boehringer Mannheim)

Schwermetallsalzlösungen

- gesättigt cis-Platin-(II)-Diamminchlorid (Sigma)
- gesättigt PtCl₄ (Sigma)

Proteasen

- Endoprotease V8 (Boehringer Mannheim)
- Elastase (Boehringer Mannheim)
- Subtilisin (Boehringer Mannheim)

Programme/Programmpakete

- HKL-Programmpaket [Otwinowski & Minor, 1997]
- CCP4 [CCP4, 1994]
- RAVE [Kleywegt, 1996; Kleywegt & Jones, 1996, 1997, 1999]
- SOLVE [Terwilliger & Berendzen, 1999]
- EPMR [Kissinger et al., 1999]
- SHELXL97 [Sheldrik & Schneider, 1997]
- XPLOR 3.8 [Brünger, 1992a]
- MEAD [Bashford & Karplus, 1990, Demcuk et al., 2000]
- DELPHI [Nicholls et al., 1991]
- GRASP [Nicholls et al., 1991]
- Whatcheck [Hooft et al., 1996]
- Procheck [Laskowski et al., 1993]
- O [Jones et al., 1991]
- Swiss-PdbViewer [Guex & Peitsch, 1997]