

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Anzahl der Keimidentifizierungen (Summe aller Häufigkeiten): 22.774
 Summe aller Identifizierten Keime (Summe der Anzahl): 135.220

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Micrococcus luteus	Micrococcaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	K+	6447	65312	1
Staphylococcus spp.	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	3410	5492	2
Corynebacterium spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	1693	3650	3
Staphylococcus epidermidis	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1424	5861	4
Staphylococcus hominis	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1098	3855	5
Staphylococcus haemolyticus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	989	5282	6
Corynebacterium jeikeium	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	532	1711	7
Acinetobacter lwoffii	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	469	2251	8
Staphylococcus warneri	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	431	2091	9
Pilz nicht klassifiziert	unbekannt	obligat aerob	Umwelt	P	413	2513	10
Micrococcus spp.	Micrococcaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	K+	360	1113	11
Staphylococcus capitis	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	304	1303	12
gramnegative Stäbchen	unbekannt	unbekannt	unbekannt	S-	223	2085	13
Corynebacterium group G	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	213	645	14
Staphylococcus saprophyticus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	200	940	15
Bacillus sphaericus	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	192	567	16
Staphylococcus cohnii cohnii	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	191	1230	17
Corynebacterium macginleyi	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	176	1071	18
Bacillus spp.	Bacillaceae	obligat aerob	Luft	S+	174	634	19
Corynebacterium propinquum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	161	766	20
Bacillus pumilus	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	143	402	21
Brevundimonas vesicularis	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	126	495	22
Sphingomonas paucimobilis	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	108	2129	23
nicht subkultivierbar	unbekannt	unbekannt	unbekannt	P	107	1086	24
Staphylococcus aureus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	102	493	25
Moraxella spp.	Neisseriaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	95	251	26
Pseudomonas stutzeri	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	90	289	27

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Rhodococcus spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	86	260	28
Corynebacterium striatum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	83	169	29
Brevibacterium sp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	80	279	30
Staphylococcus simulans	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	76	208	31
Ochrobactrum anthropi	Pseudomonaceae	mikroaerophil	Wasser	S-	71	303	32
Schimmelpilz spp.	unbekannt	obligat aerob	Luft	P	68	388	33
Acinetobacter junii	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	67	632	34
Staphylococcus lugdunensis	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	66	351	35
Corynebacterium striatum/amycolatum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	66	335	35
CDC group EO-2	unbekannt	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	65	180	37
Bacillus licheniformis	Bacillaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S+	64	304	38
Corynebacterium afermentans	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	61	171	39
Staphylococcus xylosus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	60	277	40
Bacillus circulans	Bacillaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S+	53	483	41
Kocuria rosea	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	53	213	41
Penicillium spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	51	750	43
Staphylococcus cohnii	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	50	263	44
Ralstonia pickettii	Pseudomonaceae	obligat aerob	Wasser	S-	50	366	44
Co.aferm./coyleae	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	47	195	46
Micrococcus kristinae	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	42	733	47
Staphylococcus cohnii urealyt.	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	42	339	47
Bacillus subtilis	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	41	133	49
Kocuria kristinae	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	39	91	50
Dermabacter hominis	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	38	180	51
Flavimonas oryzihabitans	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	38	303	51
Burkholderia cepacia	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	37	171	53
Staphylococcus auricularis	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	37	295	53
Bacillus cereus	Bacillaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S+	36	1601	55
Corynebacterium accolens	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	36	95	55
Staphylococcus kloosii	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	34	268	57

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Bacillus thuringiensis	Bacillaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S+	33	192	58
Corynebacterium urealyticum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	31	876	59
Absidia spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	28	65	60
Bacillus megaterium	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	28	40	60
Staphylococcus caprae	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	27	109	62
Corynebacterium gr. ANF	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	26	231	63
Corynebacterium minutissimum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	25	62	64
Pasteurella multocida	Pasteurellaceae	mikroaerophil	Haut/Schleimhaut	S-	25	29	64
Micrococcus lylae	Micrococcaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	K+	24	116	66
Stenotrophomonas maltophilia	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	24	233	66
Acinetobacter spp.	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	24	120	66
Aspergillus spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	24	105	66
Chryseomonas luteola	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	24	44	66
Burkholderia pickettii	Pseudomonaceae	obligat aerob	Wasser	S-	23	768	71
nichtfermentierende, gramnegative Stäbchen	unbekannt	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	21	2446	72
Aerococcus	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	K+	21	71	72
Agrobacterium radiobacter	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden	S-	21	175	72
Staphylococcus equorum	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	20	105	75
Kocuria varians	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	18	58	76
Zygomycet	Schimmelpilze	obligat aerob	Luft	P	17	37	77
Staphylococcus schleiferi	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	17	77	77
Corynebacterium gr. G2	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	17	36	77
Methylo. Mesophilicum	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	16	950	80
Aerococcus viridans	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	K+	16	62	80
Cellulomonas spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	16	196	80
Arthrobacter spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	16	22	80
Staphylococcus chromogenes	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	15	107	84
Actinobacillus ureae	Pasteurellaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	S-	15	17	84
Pasteurella haemolytica	Pasteurellaceae	mikroaerophil	Haut/Schleimhaut	S-	15	48	84
Corynebacterium gluc.-semin.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	14	69	87

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
<i>Candida guilliermondii</i>	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	14	47	87
<i>Staphylococcus sciuri</i>	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	13	33	89
<i>Acinetobacter calcoaceticus</i>	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	13	71	89
<i>Stomatococcus mucilaginosus</i>	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	12	196	91
<i>Comamonas acidovorans</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	12	75	91
<i>Chrys. Indologenes</i>	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	12	24	91
<i>Pseudomons putida</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	12	42	91
<i>Micrococcus roseus</i>	Micrococcaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	K+	12	27	91
<i>Pseudomonas spp.</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	12	25	91
<i>Ac.calcoaceticus-baumannii complex</i>	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	12	18	91
<i>Comamonas testosteroni</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	12	35	91
Keim von Pilz überwachsen	unbekannt	unbekannt	unbekannt	P	11	157	99
<i>Shewanella putrefaciens</i>	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S-	11	22	99
<i>Corynebacterium argentoratium</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	11	21	99
<i>Vibrio metschnikovii</i>	Vibronaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	11	24	99
<i>Weeksella virosa</i>	Nonfermenter	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	10	23	103
<i>Brevundimonas diminuta</i>	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	10	628	103
<i>Listeria grayi</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	10	34	103
<i>Corynebacterium renale group</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	9	13	106
<i>Corynebacterium gr. B</i>	Corynebacteriaceae	obligat anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	9	85	106
<i>Acinetobacter radioresistens</i>	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	9	41	106
<i>Coryne pseudodiphtheriticum</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	9	331	106
<i>Corynebacterium pseudotuberculosis</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	9	21	106
<i>Geotrichum candidum</i>	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	9	22	106
<i>Cladosporium spp.</i>	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	8	15	112
<i>Coryne group G1</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	8	9	112
<i>Pseudomas fluorescens</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	8	54	112
<i>Aspergillus terreus</i>	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	7	16	115
<i>Corynebacterium xerosis</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	7	63	115

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Bacillus lentus	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	7	47	115
Corynebacterium bovis	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	7	62	115
Corynebacterium group F1	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	7	28	115
Aeromonas salmonicida masoucida/achromogenes	Aeromonadaceae	aerotolerant	Boden/Wasser	S-	7	8	115
Fusarium spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	6	53	121
Hefe spp.	Hefepilze	fakultativ anaerob	Umwelt	P	6	6	121
Corynebacterium gr. A	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	6	6	121
Streptococcus spp.	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	6	8	121
Staphylococcus arletta	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	6	11	121
Staphylococcus carnosus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	6	18	121
Staphylococcus intermedius	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	5	47	127
Psychro.phenylpyruvicus	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Genital- /Intestinaltrakt	K-	5	12	127
Aureobacterium sp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	5	553	127
Acremonium spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	5	5	127
Aspergillus flavus	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	5	6	127
Pseudomonas aeruginosa	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	5	4	127
Vibrio alginolyticus	Vibrionaceae	fakultativ anaerob	Wasser	S-	5	8	127
Eikenella corrodens	Pasteurellaceae	fakultativ anaerob	Wasser	S-	5	7	127
Acinetobacter baumannii	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	5	11	127
Alternaria spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	5	5	127
Pasteurella spp.	Pasteurellaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	5	15	127
Bacillus macerans	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	5	30	127
Pantoea agglomerans	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	4	6	139
Actino. neuui neuui	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	4	31	139
Dermabacter nishinomiyae	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	4	5	139
CDC group IV C-2	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	4	22	139
Streptococcus agalactiae	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	4	4	139
grampositive Stäbchen	unbekannt	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	4	4	139
Listeria spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S+	4	16	139

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
<i>Acinetobacter johnsonii</i>	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	4	4	139
<i>Bacillus coagulans</i>	Bacillaceae	obligat aerob	Luft	S+	4	4	139
<i>Microbacterium</i> spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	4	35	139
<i>Pasteurella pneumotropica</i>	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	3	2	149
<i>Aeromonas</i> species	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	3	19	149
<i>Alcaligenes faecalis</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	3	3	149
<i>Candida albicans</i>	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	3	4	149
<i>Bacillus firmus</i>	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	3	5	149
<i>Bacillus polymyxa</i>	Bacillaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S+	3	8	149
<i>Pseudomonas cepacia</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	3	23	149
<i>Rothia dentocariosa</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	3	3	149
<i>Aspergillus niger</i>	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	3	3	149
<i>Scopulariopsis</i> spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	3	30	149
<i>Gardnerella vaginalis</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	3	4	149
<i>Aeromonas salmonicida</i>	Aeromonadaceae	fakultativ anaerob	Wasser	S-	3	5	149
<i>Syncephalastrum</i> spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	3	7	149
<i>Micrococcus varians</i>	Micrococcaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	K+	3	2	149
<i>Cryptococcus humicolus</i>	unbekannt	obligat aerob	Umwelt	P	3	4	149
<i>Acinetobacter haemolyticus</i>	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	3	61	149
<i>Oerskovia</i> spp.	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	3	3	149
<i>Ulocladium</i> spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	3	3	149
<i>Aureobasidium pullulans</i>	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	2	2	167
<i>Pseudomonas vesicularis</i>	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S-	2	2	167
<i>Streptococcus intermedius</i>	Streptococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	2	4	167
<i>Rhodococcus equi</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	41	167
<i>Oligella urethralis</i>	Neisseriaceae	obligat anaerob	Fäkalien	S-	2	3	167
<i>Listeria monocytogenes/innocua</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	3	167
<i>Oligella ureolytica</i>	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	2	2	167
<i>Oerskovia xanthineolytica</i>	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	8	167
<i>Pseudomonas mendocina</i>	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	2	2	167

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Moraxella lacunata	Neisseriaceae		Schleimhaut/Atemwege	S-	2	2	167
Serratia marcescens	Enterobacteriaceae	mikroaerophil	Boden/Wasser	S-	2	3	167
Micrococcus nishinomiensis	Micrococcaceae	obligat aerob	Haut/Schleimhaut	K+	2	2	167
Yarrowia lipolytica	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	2	4	167
Vibrio hollisae	Vibrionaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	2	3	167
Corynebacterium gr.G1	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	29	167
Actinomyces neuii anitratus	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	2	167
Corynebacterium pseudodiphtheriticum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	2	167
Chryseobacterium meningosepticum	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	2	3	167
Stachybotrys sp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	2	2	167
Alcaligenes xylooxidans ssp.xylooxidans	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	2	3	167
Bacillus alvei	Bacillaceae	obligat aerob	Luft	S+	2	111	167
Paenibacillus macerans	Bacillaceae	obligat aerob	Luft	S+	2	2	167
Epicoccum spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	2	3	167
Corynebacterium gr. D2	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	2	167
Arcanobacterium haemolyticum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	2	2	167
Streptococcus sanguis	Streptococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	2	3	167
Pseudomonas diminuta	Pseudomonaceae	obligat aerob	Wasser	S-	2	2	167
Enterobacter cloacae	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	2	2	167
Enterococcus faecalis	Streptococcaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	K+	2	2	167
Staphylococcus lentus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1	1	196
Bipolaris spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	1	196
Streptococcus uberis	Streptococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1	1	196
Aeromonas sobria	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	1	2	196
Aspergillus fumigatus	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	3	196
anerobe Kokke	unbekannt	obligat anaerob	unbekannt	K+	1	8	196
Vibrio parahaemolyticus	Vibrionaceae	fakultativ anaerob	Wasser	S-	1	1	196

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Acinetobacter neuui anitratus	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	1	1	196
Trichoderma spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	2	196
Agrobacterium tumefaciens	unbekannt	fakultativ anaerob	Wasser	S-	1	1	196
Verticillium spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Boden	P	1	1	196
Streptococcus mitis	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1	2	196
Actino.neuui.anit.	Neisseriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	1	1	196
Bacillus stearothermophilus	Bacillaceae	obligat aerob	Umwelt	S+	1	1	196
Photobact. Damsela	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	1	3	196
Paenibacillus polymyxa	Bacillaceae	fakultativ anaerob	Luft	S+	1	2	196
Enterococcus faecium	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	K+	1	1	196
Corynebacterium aquaticum	Corynebacteriaceae	obligat aerob	Wasser	S+	1	1	196
Corynebacterium diptheriae mitis	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	1	1	196
Pseudomonas alcaligenes	Pseudomonaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	1	2	196
Enterococcus avium	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1	1	196
Corynebacterium afermentans/coyleae	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	1	1	196
Chaetomium sp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	1	196
Pseudomonas mesophilica	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	1	1	196
Phialophora spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	1	196
Cunninghamella spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	1	196
Penicillium expansum	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	13	196
Corynebakterium pseudodiphtheriticum	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	1	1	196
Pasteurella trehalosi	Pasteurellaceae	mikroaerophil	Haut/Schleimhaut	S-	1	1	196
Pasteurella pneumo./haemol.	Pasteurellaceae	mikroaerophil	Haut/Schleimhaut	S-	1	1	196
Pantoea sp.	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Umwelt	S-	1	1	196
Sphingomonas multivorum	Pseudomonaceae	mikroaerophil	Boden/Wasser	S-	1	15	196
Mucor spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	1	196
Sphingobacterium spiritivorum	Pseudomonaceae	mikroaerophil	Boden/Wasser	S-	1	1	196
Rhizomucor spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	1	196
Flavimonas indologenes	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	1	92	196

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Citrobacter freundii	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	1	1	196
Flavobacterium indologenes	Pseudomonaceae	obligat aerob	Boden/Wasser	S-	1	1	196
Serratia rubidaea	Pseudomonaceae	mikroaerophil	Wasser	S-	1	0	196
Rhodotorula rubra	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	2	196
Burkholderia mallei	Pseudomonaceae	mikroaerophil	Haut/Schleimhaut	S-	1	3	196
Propionibacterium acnes	Corynebacteriaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	S+	1	5	196
Kocuria spp.	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	1	1	196
Escherichia coli	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	1	2	196
Candida sp.	unbekannt	obligat aerob	Luft	P	1	1	196
Candida parapsilosis	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	1	22	196
kein MO, Fussel					1	1	196
Enterobacter agglomerans	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	0	0	243
Gemella morbillorum	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	0	0	243
Gemella haemolysans	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	0	0	243
Exophiala spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243
Morganella morganii	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	0	0	243
Pseudomonas paucimobilis	Pseudomonaceae	obligat aerob	Umwelt	S-	0	0	243
Candida krusei	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243
Staphylococcus hyicus	Micrococcaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	0	0	243
Candida tropicalis	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243
Stemphylium spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243
Saccharomyces cerevisiae	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243
Streptococcus equi	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	0	0	243
Platte fehlt	unbekannt	unbekannt	unbekannt	P	0	0	243
Rhizopus spp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Boden	P	0	0	243
Torulopsis glabrata	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243
Streptococcus mutans	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	0	0	243
Streptococcus pyogenes	Streptococaceae	fakultativ anaerob	Haut/Schleimhaut	K+	0	0	243
Proteus vulgaris	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	0	0	243
Proteus mirabilis	Enterobacteriaceae	fakultativ anaerob	Fäkalien	S-	0	0	243
Phialophora sp.	Schimmelpilze	obligat aerob	Boden	P	0	0	243

Anhang 4: Tabelle der Identifizierbaren Mikroorganismen

Name des Keims	Familie	Sauerstofftoleranz	Vorkommen	Merkmal	Häufigkeit	Anzahl	Rang Häufigkeit
Pasteurelle spp.	Pasteurellaceae	fakultativ anaerob	Boden/Wasser	S-	0	0	243
Rhodotorula glutinis	Hefepilze	obligat aerob	Umwelt	P	0	0	243