

Die Untersuchung der pflanzlichen Organellentranskription
am Beispiel der kernkodierten RNA-Polymerasen in
Arabidopsis thaliana

Dissertation

zur Erlangung des akademischen Grades des Doktors der Naturwissenschaften (Dr. rer. nat.)

eingereicht im Fachbereich Biologie, Chemie, Pharmazie
der Freien Universität Berlin

vorgelegt von

Sarah-Sophia Nicola Hensel

aus Berlin

Berlin, 2004

1. Gutachter: PD Dr. Wolfgang Schuster

2. Gutachter: Prof. Dr. Thomas Schmülling

Tag der Disputation: 16.07.2004

Diese Arbeit wurde von der Deutschen Forschungsgemeinschaft und vom Evangelischen Studienwerk Villigst e.V. gefördert.

Inhalt

Abkürzungen.....	IV
1 Einleitung	1
Ziel der vorliegenden Arbeit	15
2 Material und Methoden	16
2.1 Material	16
2.1.1 Chemikalien.....	16
2.1.2 Stammlösungen	16
2.1.2.1 Antibiotika	16
2.1.2.2 Häufig verwendete Puffer und Stammlösungen	16
2.1.2.3 Nährmedien.....	18
2.1.3 Synthetische Oligonukleotide.....	19
2.1.4 Enzyme	19
2.1.5 Kits	19
2.1.6 Geräte	19
2.1.7 DNA-Marker	20
2.1.8 Verbrauchsmaterialien.....	20
2.1.9 Ausgangsvektoren	20
2.1.10 Pflanzenmaterial	20
2.1.10.1 Pikier/ <i>Arabidopsis</i> -Erde.....	21
2.1.11 Bakterienstämme	21
2.2 Methoden.....	22
2.2.1 Herstellung von <i>Antisense</i> - und <i>Sense</i> -Konstrukten.....	22
2.2.1.1 Amplifizierung von DNA mittels Polymerase-Ketten-Reaktion (PCR)	22
2.2.1.2 <i>Inverse PCR</i>	23
2.2.1.3 Ligation von PCR-Produkten mittels TA-Cloning Kit	23
2.2.1.4 Dephosphorylierung von Vektor-DNA mittels SAP	24
2.2.1.5 Ligation von DNA-Fragmenten.....	24
2.2.1.6 Plasmid-DNA Mini-Präparation nach Birnboim und Doly (1979).....	24
2.2.2 Klonierung von binären Vektoren zur Pflanzentransformation.....	25
2.2.2.1 Herstellung eines binären Klonierungsvektors mit Polylinkersite.....	25
2.2.2.2 Plasmid-DNA-Maxi-Präparation	25
2.2.2.3 DNA-Sequenzierung nach Sanger <i>et al.</i> (1977)	25
2.2.2.4 Herstellung und Transformation kompetenter <i>Escherichia coli</i> -Zellen	26
2.2.2.5 Herstellung und Transformation kompetenter <i>Agrobacterium tumefaciens</i> -Zellen	27

2.2.3	Anzucht von Pflanzen.....	28
2.2.4	Herstellung einer Agrobakterien-Suspension für die <i>in planta</i> -Transformation von <i>Arabidopsis thaliana</i>	28
2.2.5	<i>In planta</i> -Transformation von <i>Arabidopsis thaliana</i>	28
2.2.6	<i>In vitro</i> -Selektion von transgenen Pflanzen.....	29
2.2.7	Analyse der transgenen Pflanzen.....	29
2.2.7.1	Extraktion genomischer Pflanzen-DNA mittels CTAB-Methode	29
2.2.7.2	PCR-Untersuchung auf Markergen-Integration.....	30
2.2.7.3	Southern Blot-Untersuchung auf T-DNA-Integration und Kopienanzahl	30
2.2.7.4	Herstellung einer Dig-markierten Sonde	31
2.2.7.5	Bestimmung der Markierungseffizienz mittels Dot Blot.....	31
2.2.7.6	Hybridisierung, Waschen und Detektion	31
2.2.7.6.1	Rehybridisierung	32
2.2.7.7	Gesamt-RNA-Extraktion	33
2.2.7.8	mRNA-Aufreinigung	33
2.2.7.9	Erst-Strang-cDNA-Synthese.....	34
2.2.7.10	Quantitative RT-PCR.....	34
2.2.7.11	RNA-Editing-Untersuchung mittels Hot-Shot-Sequenzierung.....	35
2.2.8	Wurzellängen-Test	35
2.2.9	Gekoppelte <i>in vitro</i> -Transkription und -Translation von RNA-Polymerase-Proteinen.....	35
2.2.10	Import von <i>in vitro</i> -translatierten RNA-Polymerase-Proteinen in Chloroplasten	36
2.2.11	Import von <i>in vitro</i> -translatierten RNA-Polymerase-Proteinen in Mitochondrien.....	36
3	Ergebnisse	38
3.1	Klonierung kernkodierter RNA-Polymerasen vom Phagentyp aus <i>Arabidopsis thaliana</i> ..	38
3.2	Lokalisierung der Phagentyp-ähnlichen RNA-Polymerasen in der Zelle	43
3.2.1	<i>In Organello</i> -Import von <i>in vitro</i> -translatierten RNA-Polymerase-Proteinen	43
3.2.1.1	Import in Mitochondrien.....	44
3.2.1.2	Import in Chloroplasten	45
3.2.2	Lokalisierung der unterschiedlichen RNA-Polymerasen <i>in vivo</i> mit Hilfe von GFP-Fusionsproteinen	46
3.3	Klonierung von <i>Antisense</i> - und <i>Sense</i> -Konstrukten.....	50
3.3.1	Auswahl der Genabschnitte zur <i>Antisense</i> -/ <i>Sense</i> -Klonierung.....	51
3.3.2	Klonierung in pBinOligo und pBCM20	55
3.3.3	Transformation von <i>Agrobacterium tumefaciens</i> und Pflanzen	55
3.3.4	Selektion von Samen der T ₀ und nachfolgender Generationen	57
3.3.5	Untersuchung der transgenen Linien auf Integration der T-DNA	67

3.3.6	Kopienanzahl der T-DNA in transgenen Linien.....	68
3.4	Semiquantitative RT-PCR zur Untersuchung der Transkriptmengen	72
3.5	Phänotypen und RNA-Editing	79
3.5.1	Untersuchung des plastidären und des mitochondrialen RNA-Editings	80
3.6	Untersuchung von RNA-Polymerasen-Insertionslinien	85
3.6.1	Untersuchung der Aufspaltung der Insertionslinien.....	86
3.6.2	Phänotyp der Insertionslinie Δ -RpoT;3	91
3.7	Bestimmung der Lage der single-copy T-DNA Insertion der transgenen Pflanzenlinie 2-5'-3-x mittels <i>inverser</i> PCR (IPCR)	92
3.7.1	Untersuchung der Aufspaltung der Linie 2-5'-3-x	94
3.8	Untersuchung einer Insertionslinie für das Glutaminsäure-reiche Protein (E-rich protein) 95	95
3.8.1	Untersuchung der Aufspaltung.....	96
4	Diskussion	98
4.1	Struktur Phagentyp-ähnlicher RNA-Polymerasen in <i>Arabidopsis thaliana</i>	98
4.2	Lokalisierung der Genprodukte von <i>rpoT;1</i> , <i>rpoT;2</i> und <i>rpoT;3</i>	99
4.3	Einfluss von <i>Antisense</i> - und <i>Sense</i> -Konstrukten auf den Phänotyp	100
4.3.1	Keimungsraten und Wurzelwachstum.....	102
4.3.2	Pleiotrope Effekte im Phänotyp.....	104
4.4	Zusammenhang von T-DNA-Integration bzw. -Kopienanzahl und phänotypischen Auswirkungen	105
4.5	Bedeutung der Lage der single-copy T-DNA Insertion der transgenen Pflanzenlinie 2-5'-3-x	107
4.6	Eigenschaften einer T-DNA-Insertionslinie für das Glutaminsäure-reiche Protein (E-rich protein).....	107
4.7	Korrelation zwischen RNA-Polymerase-Transkription und phänotypischer Auswirkung	108
4.8	Untersuchung des RNA-Editings in transgenen Linien	110
4.8.1	Untersuchung des plastidären RNA-Editings.....	111
4.8.2	Untersuchung des mitochondrialen RNA-Editings	112
4.9	Charakterisierung von T-DNA-Insertionslinien für die kernkodierten RNA-Polymerasen	113
5	Zusammenfassung	117
6	Summary	118
7	Literaturverzeichnis	119
8	Anhang	131
8.1	Synthetische Oligonukleotide	131
8.2	RNA-Polymerase-Sequenzen	133
8.3	Aminosäuresequenz-Vergleich der Gene At5g27330 und At3g05130	143