

10. Anhang

Anhang 1: Aminosäureabgleich von Serpinen von *Brugia malayi* (Bm), *Trichinella spiralis* (TS), *Caenorhabditis elegans* (ce) und *Ascaris suum* (As) im Bereich von Serpin-Motiv, Reactive-site loop (RSL) und Serpin-Signature. Identische oder ähnliche Aminosäuren sind grau unterlegt.

Bm-SPN-1	343	E	K	G	T	E	S	A	A	A	T	I	I	E	L	E	D	R	M	G	S	S	R	N	-	-	-	-	-	-	F	N	A	D	Q	P	F	F	L	F	A	I
Bm-SPN-2	353	E	K	G	I	N	N	E	N	S	S	M	P	V	R	N	D	M	V	M	D	K	-	-	G	E	-	-	-	-	A	F	R	A	N	H	P	F	L	Y	A	I
TS 11-1	319	E	E	G	T	E	A	A	A	A	T	A	V	R	I	V	P	M	S	G	V	M	Y	E	D	S	-	-	F	E	F	V	A	D	H	P	F	L	F	F	I	
ce-srp-1	317	Q	V	G	T	F	A	A	A	A	T	E	A	K	I	F	F	T	S	A	S	S	-	-	D	E	P	-	L	H	I	R	V	D	H	P	F	L	F	A	I	
ce-srp-2	310	E	D	G	T	T	A	A	A	A	S	A	F	K	V	Q	L	E	M	M	I	M	-	-	A	E	P	-	T	Q	F	V	A	D	H	P	F	L	F	A	V	
ce-srp-3	312	E	E	G	T	T	A	A	A	V	I	M	M	K	A	V	P	-	-	M	S	A	R	M	E	Q	P	-	V	N	F	I	A	D	H	P	F	F	T	I		
ce-srp-5	279	E	D	G	T	V	A	A	A	A	T	T	I	S	S	S	V	G	S	V	Q	R	-	T	E	K	P	-	I	E	F	T	A	D	H	P	F	L	F	I	L	
ce-srp-6	324	E	D	G	T	V	A	A	A	A	T	T	I	S	F	S	L	T	S	V	F	I	P	A	E	E	P	-	I	E	F	T	A	D	H	P	F	L	F	I	L	
ce-srp-7	315	E	E	G	T	F	A	A	A	A	T	T	V	S	I	S	L	K	S	A	M	F	V	M	E	E	P	-	K	D	E	T	A	D	H	P	F	F	V	L		
ce-srp-8	242	T	L	G	T	S	T	I	Q	E	L	K	S	N	V	S	N	Y	L	V	N	V	Q	I	P	I	W	R	N	E	T	E	I	D	L	N	S	T	L	Q	A	
ce-srp-9	307	K	M	G	T	T	A	A	A	V	T	S	L	M	Y	T	D	-	-	G	V	P	Q	L	P	E	H	-	V	E	F	W	A	D	H	P	F	M	F	V	L	
ce-srp-10	295	K	M	G	T	T	A	A	A	V	T	S	H	N	Y	V	T	L	C	G	A	P	Q	L	P	D	H	-	V	E	F	W	A	D	H	P	F	M	F	V	L	
AsC/E-1	51	E	K	G	T	E	A	A	A	A	T	A	V	L	M	V	E	A	A	S	V	H	V	K	P	Q	E	-	I	E	F	T	A	D	H	P	F	L	F	A	I	

Serpine motif

Reactive-site loop

Serpine signature