

Inhaltsverzeichnis

	Seite
1. Einleitung	1
1.1 Nosokomiale Infektionen	1
1.2 Stenotrophomonas maltophilia (SMA)	4
<hr/>	
2. Fragestellungen	7
2.1 Erregerspektrum auf einer medizinischen Intensivstation	9
2.2 Epidemiologie von Stenotrophomonas maltophilia auf einer Intensivstation	9
2.3 Resistenzlage von Stenotrophomonas maltophilia	9
2.4 Genotypisierung der Stenotrophomonas-maltophilia-Isolate	9
2.5 Antibiotikagaben auf einer medizinischen Intensivstation	9
<hr/>	
3. Patienten und Methoden	10
3.1 Prospektiver Erfassungsbogen	10
3.2 Mikrobiologische Datenerfassung	11
3.3 Computergestützte Datenverwaltung	13
3.4 Statistische Berechnungen	15
3.5 Genotypisierung	17
<hr/>	
4. Ergebnisse	18
4.1 Erregerspektrum auf der pneumologischen Intensivstation	19
4.2 Antibiotische Therapie	22
4.3 Epidemiologie von Stenotrophomonas maltophilia auf der Intensivstation	26
4.3.1 Häufigkeit von Stenotrophomonas maltophilia und klinische Manifestation	26
4.3.2 Disponierende Faktoren	26
4.3.3 Therapie von Stenotrophomonas-maltophilia-Infektionen	31
4.3.4 Letalität der Stenotrophomonas-maltophilia-Patienten	32
4.3.5 Resistenzlage und – änderung von Stenotrophomonas maltophilia	34
4.3.6 Genotypisierung	36
<hr/>	
5. Diskussion	39
5.1 Erregerspektrum auf der pneumologischen Intensivstation	39
5.2 Epidemiologie von Stenotrophomonas maltophilia	41
5.2.1 SMA-Häufigkeit und klinische Manifestation	42
5.2.2 Disponierende Faktoren	45
5.2.2.1 Grunderkrankungen als Risikofaktor	45
5.2.2.2 Aufnahme auf eine Intensivstation als Risikofaktor	46

5.2.2.3 Dauer des Krankenhausaufenthaltes als Risikofaktor	47
5.2.2.4 Invasive Maßnahmen als Risikofaktor	48
5.2.2.5 Antibiotika als Risikofaktor	51
5.2.3 SMA-Therapie	55
5.2.4 Verlauf und Letalität	57
5.2.5 Resistenzlage und –änderung von SMA	58
5.2.6 Genotypisierung der SMA-Isolate	61
6. Zusammenfassung	65
7. Literaturangaben	67
8. Anhang	78
8.1 Patientenerfassungsbogen	78
8.2 Beispielhafte Datenbankabfragen mit SQL	80
9. Lebenslauf	82
10. Danksagung	83
