

Gene Rank	p-value	DASI	DASI Exon	ENSEMBL ID	Gene symbol	chr	Strand	start(genomic)	end(genomic)	Support from alternative splice junction
1	1.39e-319	-8,88	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19122491	19122573	yes,JnId_b_33338;JnId_b_33346;JnId_b_33341	
1	1.39e-319	-8,71	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19121035	19121238	yes,JnId_b_33333;JnId_b_33338	
1	1.39e-319	-9,16	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19119507	19119641	yes,JnId_b_33333;JnId_b_33338	
1	1.39e-319	-9,88	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19118845	19118992	yes,JnId_b_33333;JnId_b_33338;JnId_b_33337	
1	1.39e-319	-9,22	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19118551	19118684	yes,JnId_b_33333;JnId_b_33336;JnId_b_33338	
1	1.39e-319	-7,34	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19118364	19118457	yes,JnId_b_33333;JnId_b_33336	
1	1.39e-319	-8,74	ENSG00000064489	MEF2B	chr19	-	19117379	19117831	yes,JnId_b_33333	
2	1,13E-136	-9,87	ENSG00000172725	PTPRCAP	chr11	-	66959557	66962548	yes,JnId_b_11376	
3	1,31E-70	33,71	ENSG00000184640	09. Sep	chr17	+	72909732	72910380	no	
3	1,31E-70	-4,43	ENSG00000184640	09. Sep	chr17	+	72995917	72995998	yes,JnId_b_29523;JnId_b_29525	
4	3,43E-62	12,2	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57285845	57286167	no	
4	3,43E-62	10,3	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57313085	57313203	no	
4	3,43E-62	14,22	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57315433	57315721	yes,JnId_h_13514	
4	3,43E-62	8,62	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57318058	57318129	no	
4	3,43E-62	13,8	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57319625	57319777	no	
4	3,43E-62	13,41	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57320505	57321040	no	
4	3,43E-62	14,95	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57325781	57326244	no	
4	3,43E-62	16,2	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57327669	57327852	no	
4	3,43E-62	10,63	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57328711	57328828	no	
4	3,43E-62	8,49	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57329930	57330083	no	
4	3,43E-62	9,11	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57330963	57331031	no	
4	3,43E-62	12,8	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57332213	57332340	no	
4	3,43E-62	15,06	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57332438	57332588	no	
4	3,43E-62	14,72	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57333322	57333514	no	
4	3,43E-62	11,22	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57334157	57334271	no	
4	3,43E-62	8,62	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57335447	57335534	yes,JnId_h_13528	
4	3,43E-62	6,68	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57338359	57338421	yes,JnId_h_13528	
4	3,43E-62	11,74	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57339442	57339548	yes,JnId_h_13529	
4	3,43E-62	12,79	ENSG00000198561	CTNND1	chr11	+	57340345	57343226	no	
5	1,30E-47	2,66	ENSG00000099956	SMARCB1	chr22	+	22463943	22464081	yes,JnId_h_53651	
5	1,30E-47	2,01	ENSG00000099956	SMARCB1	chr22	+	22465746	22465875	no	
5	1,30E-47	2,45	ENSG00000099956	SMARCB1	chr22	+	22473131	22473320	no	
6	2,98E-45	2,88	ENSG00000145592	RPL37	chr5	-	40861121	40868432	yes,JnId_h_63848	
7	7,32E-40	-5,05	ENSG00000140988	RPS2	chr16	-	1954451	1954630	yes,JnId_b_22569	
7	7,32E-40	-14,21	ENSG00000140988	RPS2	chr16	-	1954278	1954367	yes,JnId_b_22567;JnId_b_22569;JnId_b_22568	
8	3,07E-35	10,16	ENSG00000132780	NASP	chr1	+	45845580	45846596	yes,JnId_h_2994	
8	3,07E-35	2,62	ENSG00000132780	NASP	chr1	+	45852355	45852440	no	
9	1,72E-30	2,43	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66034653	66034753	no	
9	1,72E-30	4,01	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66035060	66035136	no	
9	1,72E-30	3,88	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66038453	66038725	no	
9	1,72E-30	3,33	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66039587	66039633	no	
9	1,72E-30	4,01	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66039908	66039980	no	
9	1,72E-30	4,63	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66043664	66043795	no	
9	1,72E-30	3,33	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66045317	66045423	no	
9	1,72E-30	3,81	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66047503	66047623	no	
9	1,72E-30	4,35	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66047771	66047929	no	
9	1,72E-30	2,43	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66050170	66050239	no	
9	1,72E-30	4,75	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66050696	66050854	yes,JnId_h_14605	
9	1,72E-30	4,35	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66053866	66053999	yes,JnId_h_14605	
9	1,72E-30	4,19	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66054941	66055075	yes,JnId_h_14605	
9	1,72E-30	5,15	ENSG00000174483	BBS1	chr11	+	66055703	66057660	yes,JnId_h_14607	
10	3,32E-26	-12,69	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3545912	3546398	no	
10	3,32E-26	-12,69	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3541687	3541837	no	
10	3,32E-26	-10,69	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3540648	3540723	no	
10	3,32E-26	-11,29	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3539535	3539673	no	
10	3,32E-26	-11,29	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3538669	3538802	no	
10	3,32E-26	-11,29	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3538055	3538148	no	
10	3,32E-26	-15,39	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3529633	3529827	no	
10	3,32E-26	-17,1	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3523270	3523920	no	
10	3,32E-26	5,3	ENSG00000083454	P2RX5	chr17	-	3514238	3514315	no	
11	1,95E-23	-3,07	ENSG00000204632	HLA-G	chr6	+	29905174	29905449	no	
11	1,95E-23	-5,89	ENSG00000204632	HLA-G	chr6	+	29963711	29963980	yes,JnId_b_53789	
11	1,95E-23	-3,63	ENSG00000204632	HLA-G	chr6	+	30019878	30020153	yes,JnId_b_53791;JnId_b_53792	

11	1,95E-23	-2,51	ENSG00000204632	HLA-G	chr6	+	30020815	30020847	yes,JnId_b_53795
12	8,44E-22	2,19	ENSG00000198034	RPS4X	chrX	-	71413768	71413875	no
12	8,44E-22	-3,88	ENSG00000198034	RPS4X	chrX	-	71412732	71412809	no
12	8,44E-22	-4,04	ENSG00000198034	RPS4X	chrX	-	71410830	71411010	no
13	1,12E-21	-3,53	ENSG00000103495	MAZ	chr16	+	29725359	29725715	no
14	2,86E-20	2,34	ENSG00000164053	TREX1	chr3	+	48475762	48475857	no
14	2,86E-20	2,76	ENSG00000164053	TREX1	chr3	+	48480148	48480284	no
14	2,86E-20	-2,91	ENSG00000164053	TREX1	chr3	+	48483033	48484045	no
15	1,01E-19	2,21	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95031799	95031971	no
15	1,01E-19	3,37	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95036911	95037068	no
15	1,01E-19	2,7	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95041860	95042079	no
15	1,01E-19	2,24	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95061034	95061717	no
15	1,01E-19	3,25	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95063917	95064210	no
15	1,01E-19	2,97	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95065669	95065837	no
15	1,01E-19	3,19	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95066020	95066136	no
15	1,01E-19	-2,62	ENSG00000165238	WNK2	chr9	+	95070730	95070849	no
16	5,69E-19	4,14	ENSG00000138326	RPS24	chr10	+	79484295	79485198	no
17	1,17E-18	-2,64	ENSG00000134333	LDHA	chr11	+	18372683	18372759	no
17	1,17E-18	5,8	ENSG00000134333	LDHA	chr11	+	18380963	18381136	yes,JnId_h_12785
18	3,37E-17	-4,38	ENSG00000099194	SCD	chr10	+	102096762	102097278	no
19	9,04E-16	14,73	ENSG00000147889	CDKN2A	chr9	-	21964403	21965097	yes,JnId_h_77181;JnId_h_77182
20	1,58E-15	-4,94	ENSG00000078369	GNB1	chr1	-	1812119 1812355	yes,JnId_h_256	
20	1,58E-15	2,29	ENSG00000078369	GNB1	chr1	-	1760489 1760537	yes,JnId_h_255	
20	1,58E-15	3,47	ENSG00000078369	GNB1	chr1	-	1739136 1739174	no	
21	3,77E-15	27,02	ENSG00000125691	RPL23	chr17	-	34260141	34260254	yes,JnId_h_34676
21	3,77E-15	22,07	ENSG00000125691	RPL23	chr17	-	34259020	34259993	no
22	8,00E-15	2,36	ENSG00000168000	HNRPUL2	chr11	-	62226516	62226597	no
22	8,00E-15	2,05	ENSG00000168000	HNRPUL2	chr11	-	62218616	62218759	no
23	8,94E-14	-3,59	ENSG00000009307	NRAS	chr1	-	115081615	115081707	yes,JnId_h_4828;JnId_h_4833
23	8,94E-14	-3,96	ENSG00000009307	NRAS	chr1	-	115060194	115060321	no
23	8,94E-14	-2,99	ENSG00000009307	NRAS	chr1	-	115052675	115052798	no
23	8,94E-14	2,4	ENSG00000009307	NRAS	chr1	-	115052298	115052336	no
23	8,94E-14	-2,59	ENSG00000009307	NRAS	chr1	-	115048613	115052194	no
24	1,02E-13	5,59	ENSG00000106153	CHCHD2	chr7	-	56141551	56141681	no
25	2,38E-13	3,92	ENSG00000142168	SOD1	chr21	+	31953954	31954047	no
26	3,25E-13	-2,88	ENSG00000104408	EIF3S6	chr8	-	109330018	109330170	yes,JnId_h_76081
26	3,25E-13	2,39	ENSG00000104408	EIF3S6	chr8	-	109296012	109296121	no
27	1,60E-12	-6,4	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53847682	53848322	no
27	1,60E-12	-5,53	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53795635	53795766	no
27	1,60E-12	-6,4	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53794904	53795008	no
27	1,60E-12	-7,87	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53793143	53793304	no
27	1,60E-12	-6,36	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53789828	53791183	no
27	1,60E-12	-3,65	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53784427	53787346	yes,JnId_b_28724
27	1,60E-12	-3,17	ENSG00000108375	SUPT4H1	chr17	-	53779889	53779944	yes,JnId_b_28719
28	1,98E-12	2,03	ENSG00000083845	RPS5	chr19	+	63591316	63591424	yes,JnId_h_44109
29	3,50E-12	4,37	ENSG00000186676	EEF1G	chr11	-	62090854	62091058	yes,JnId_h_13763;JnId_h_13765
30	3,85E-12	6,04	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130832910	130833018	no
30	3,85E-12	6,04	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130833440	130833535	no
30	3,85E-12	10,18	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130844091	130844233	no
30	3,85E-12	12,31	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130844600	130844666	no
30	3,85E-12	5,34	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130844918	130845007	no
30	3,85E-12	11,84	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130845242	130845330	no
30	3,85E-12	2,28	ENSG00000072135	PTPN18	chr2	+	130846916	130846990	yes,JnId_b_38389
31	4,80E-12	5,2	ENSG00000084693	AGBL5	chr2	+	27128018	27128165	no
31	4,80E-12	2,2	ENSG00000084693	AGBL5	chr2	+	27133675	27133810	no
31	4,80E-12	4,53	ENSG00000084693	AGBL5	chr2	+	27145004	27145116	no
31	4,80E-12	-7,24	ENSG00000084693	AGBL5	chr2	+	27146464	27146994	no
32	3,27E-11	-3,27	ENSG00000161960	EIF4A1	chr17	+	7418588 7418720	yes,JnId_h_33117;JnId_h_33119	
32	3,27E-11	2,38	ENSG00000161960	EIF4A1	chr17	+	7421098 7421207	yes,JnId_h_33117;JnId_h_33120	
33	4,21E-11	2,18	ENSG00000204523	HLA-B	chr6	-	31432842	31433001	no
33	4,21E-11	2,54	ENSG00000204523	HLA-B	chr6	-	31432444	31432713	yes,JnId_b_53987
34	4,72E-11	-3,77	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	10932606	10932850	no
34	4,72E-11	-2,03	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	10955797	10956049	yes,JnId_b_32350
34	4,72E-11	-2,25	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	10957865	10958269	no

34	4,72E-11	-2,42	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	10958581	10958679	no
34	4,72E-11	-2,69	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	10959342	10959600	no
34	4,72E-11	3,08	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	10975016	10975073	yes,JnId_b_32361
34	4,72E-11	-4,92	ENSG00000127616	SMARCA4	chr19	+	11005443	11005541	yes,JnId_h_40702;JnId_h_40711
35	1,56E-10	3,59	ENSG00000154723	ATP5J	chr21	-	26029035	26029836	yes,JnId_b_41998
36	2,53E-10	-4,78	ENSG00000149925	ALDOA	chr16	+	29982551	29983070	no
36	2,53E-10	-2,53	ENSG00000149925	ALDOA	chr16	+	29988939	29989235	yes,JnId_b_23910
37	3,43E-10	3,71	ENSG00000115163	CENPA	chr2	+	26852744	26852854	no
37	3,43E-10	-3,1	ENSG00000115163	CENPA	chr2	+	26862369	26862668	no
38	3,68E-10	-2,46	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39525545	39525821	no
38	3,68E-10	-4,37	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39533305	39533409	no
38	3,68E-10	-4,75	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39534046	39534141	no
38	3,68E-10	-2,46	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39535879	39536010	no
38	3,68E-10	-3,63	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39538469	39538621	no
38	3,68E-10	2,71	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39548504	39548687	no
38	3,68E-10	-4,37	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39556712	39556874	no
38	3,68E-10	-4,37	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39565477	39565612	no
38	3,68E-10	-6,01	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39569397	39574912	no
38	3,68E-10	-2,08	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39589044	39589277	no
38	3,68E-10	-2,21	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39595634	39596152	no
38	3,68E-10	-2,93	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39596956	39597132	no
38	3,68E-10	-2,93	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39608289	39608445	no
38	3,68E-10	-2,93	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39618503	39618632	no
38	3,68E-10	-3,01	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39620212	39620411	no
38	3,68E-10	3,77	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39671307	39671414	no
38	3,68E-10	2,82	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39680671	39680826	no
38	3,68E-10	2,46	ENSG00000127603	MACF1	chr1	+	39696629	39696749	yes,JnId_h_2441
39	8,35E-10	2,19	ENSG00000122566	HNRPA2B1	chr7	-	26201992	26202054	yes,JnId_h_71344
39	8,35E-10	2,13	ENSG00000122566	HNRPA2B1	chr7	-	26199396	26199518	yes,JnId_h_71344
40	1,22E-09	2,04	ENSG00000130985	UBE1	chrX	+	46945619	46945709	yes,JnId_h_81002;JnId_h_81004
41	3,17E-09	13,01	ENSG00000157654	PALM2	chr9	+	111744787	111753577	no
41	3,17E-09	-4,61	ENSG00000157654	PALM2	chr9	+	111850797	111850956	no
42	4,68E-09	-6,72	ENSG00000171603	CLSTN1	chr1	-	9806288	9807171	no
42	4,68E-09	-3,23	ENSG00000171603	CLSTN1	chr1	-	9755917	9756039	yes,JnId_h_532
42	4,68E-09	9,5	ENSG00000171603	CLSTN1	chr1	-	9720143	9720199	yes,JnId_h_517;JnId_h_522;JnId_h_524
42	4,68E-09	-2,03	ENSG00000171603	CLSTN1	chr1	-	9714406	9714541	yes,JnId_b_425
43	6,38E-09	-2,1	ENSG00000112081	SFRS3	chr6	+	36670123	36670236	no
44	1,54E-08	8,11	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72181568	72182344	no
44	1,54E-08	11,15	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72169668	72169964	no
44	1,54E-08	10,04	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72147927	72148074	no
44	1,54E-08	8,64	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72147223	72147326	no
44	1,54E-08	6,24	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72146460	72146577	no
44	1,54E-08	7,59	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72143423	72143835	no
44	1,54E-08	-2,87	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72115313	72115865	no
44	1,54E-08	2,38	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72090342	72090476	no
44	1,54E-08	-2,24	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72083673	72083790	no
44	1,54E-08	2,69	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72076381	72076431	no
44	1,54E-08	-2,87	ENSG00000186635	STARD10	chr11	-	72073763	72074374	no
45	1,76E-08	-3,22	ENSG00000197958	RPL12	chr9	-	129250437	129250523	yes,JnId_h_79105;JnId_h_79106
46	1,97E-08	2,76	ENSG00000204628	GNB2L1	chr5	-	180596532	180596648	yes,JnId_h_66801;JnId_h_66802
47	2,01E-08	2,14	ENSG00000129351	ILF3	chr19	+	10652022	10652119	yes,JnId_h_40598;JnId_h_40599;JnId_h_40605
47	2,01E-08	-2,43	ENSG00000129351	ILF3	chr19	+	10655593	10655650	yes,JnId_h_40610;JnId_h_40618;JnId_h_40619
47	2,01E-08	4,45	ENSG00000129351	ILF3	chr19	+	10656092	10656152	yes,JnId_h_40610;JnId_h_40617;JnId_h_40618;JnId_h_40619
48	2,49E-08	-2,26	ENSG00000149485	FADS1	chr11	-	61404089	61404202	no
48	2,49E-08	-2,38	ENSG00000149485	FADS1	chr11	-	61401559	61401635	yes,JnId_h_13724
48	2,49E-08	-2,95	ENSG00000149485	FADS1	chr11	-	61399899	61400024	no
48	2,49E-08	2,02	ENSG00000149485	FADS1	chr11	-	61330712	61330772	no
48	2,49E-08	2,6	ENSG00000149485	FADS1	chr11	-	61327718	61327815	no
49	7,08E-08	-2,57	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	49029451	49029559	no
49	7,08E-08	2,11	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	48932270	48932413	yes,JnId_b_60269;JnId_b_60270
49	7,08E-08	2,09	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	48873351	48873511	yes,JnId_h_75181
49	7,08E-08	2,11	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	48858856	48858923	yes,JnId_h_75181
49	7,08E-08	2,27	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	48857276	48857368	yes,JnId_h_75181
49	7,08E-08	2,89	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	48854118	48854207	yes,JnId_h_75181

49	7,08E-08	2,62	ENSG00000121031	PRKDC	chr8	-	48853842	48853913	yes,JnId_h_75181
50	7,88E-08	2,48	ENSG00000108312	UBTF	chr17	-	39648800	39648883	yes,JnId_b_28144
50	7,88E-08	-2,06	ENSG00000108312	UBTF	chr17	-	39637928	39640261	no
51	1,23E-07	-16,16	ENSG00000116649	SRM	chr1	-	11042421	11042678	no
51	1,23E-07	4,16	ENSG00000116649	SRM	chr1	-	11039248	11039401	yes,JnId_b_501
51	1,23E-07	3,03	ENSG00000116649	SRM	chr1	-	11038655	11038738	yes,JnId_b_501;JnId_b_499;JnId_b_500
52	2,42E-07	3,29	ENSG00000112294	ALDH5A1	chr6	+	24610730	24610813	no
53	3,64E-07	-2,24	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53691880	53691978	yes,JnId_h_81476
53	3,64E-07	-5,43	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53677913	53677975	no
53	3,64E-07	5,78	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53676164	53676241	no
53	3,64E-07	2,62	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53675244	53675291	no
53	3,64E-07	-2,99	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53675091	53675159	no
53	3,64E-07	-2,27	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53668843	53668944	yes,JnId_h_81443;JnId_h_81446
53	3,64E-07	-3,13	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53652538	53652595	yes,JnId_h_81443;JnId_h_81446
53	3,64E-07	5,46	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53634089	53634184	yes,JnId_h_81395;JnId_h_81443;JnId_h_81446
53	3,64E-07	3,3	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53630175	53630256	yes,JnId_h_81395;JnId_h_81438
53	3,64E-07	2,07	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53602657	53602746	yes,JnId_h_81387;JnId_h_81395;JnId_h_81406;JnId_h_81416
53	3,64E-07	2,05	ENSG00000086758	HUWE1	chrX	-	53590122	53590278	yes,JnId_h_81387;JnId_h_81395
54	4,53E-07	33,17	ENSG00000183741	CBX6	chr22	-	37598073	37598156	no
54	4,53E-07	84,99	ENSG00000183741	CBX6	chr22	-	37597431	37597497	no
54	4,53E-07	487,96	ENSG00000183741	CBX6	chr22	-	37544403	37548784	no
55	7,42E-07	-2,65	ENSG00000108424	KPNB1	chr17	+	43082274	43082649	no
55	7,42E-07	-2,65	ENSG00000108424	KPNB1	chr17	+	43082751	43082809	no
56	7,91E-07	-3,76	ENSG00000135486	HNRPA1	chr12	+	52960755	52960873	no
57	1,11E-06	2,66	ENSG00000112695	COX7A2	chr6	-	76007612	76007701	no
58	1,29E-06	-5,37	ENSG00000065150	RANBP5	chr13	+	97426948	97427041	no
58	1,29E-06	2,1	ENSG00000065150	RANBP5	chr13	+	97440381	97440477	no
59	1,56E-06	-3,98	ENSG00000112531	QKI	chr6	+	163755665	163756357	yes,JnId_h_70648
59	1,56E-06	-2,01	ENSG00000112531	QKI	chr6	+	163876004	163876147	yes,JnId_h_70648;JnId_h_70652
60	1,67E-06	-2,07	ENSG00000136942	RPL35	chr9	-	126663519	126663655	yes,JnId_h_78987
61	1,74E-06	4,1	ENSG00000188428	TXNDC5	chr6	-	7986371 7986500	no	
61	1,74E-06	3,6	ENSG00000188428	TXNDC5	chr6	-	7958799 7961060	yes,JnId_b_53513	
61	1,74E-06	-5,19	ENSG00000188428	TXNDC5	chr6	-	7855746 7856014	yes,JnId_b_53513	
61	1,74E-06	2,07	ENSG00000188428	TXNDC5	chr6	-	7834727 7834813	no	
62	1,78E-06	12,67	ENSG00000115935	WIPF1	chr2	-	175255748	175255873	no
62	1,78E-06	-9,14	ENSG00000115935	WIPF1	chr2	-	175170575	175170728	yes,JnId_b_38848
62	1,78E-06	-8,21	ENSG00000115935	WIPF1	chr2	-	175158497	175158585	no
62	1,78E-06	-2,13	ENSG00000115935	WIPF1	chr2	-	175140835	175141047	no
62	1,78E-06	2,85	ENSG00000115935	WIPF1	chr2	-	175135155	175135576	no
63	1,89E-06	-4,75	ENSG00000116560	SFPQ	chr1	-	35430410	35431336	no
63	1,89E-06	3,5	ENSG00000116560	SFPQ	chr1	-	35425391	35425439	no
63	1,89E-06	6,47	ENSG00000116560	SFPQ	chr1	-	35414571	35414659	no
64	2,25E-06	-4,63	ENSG00000104529	EEF1D	chr8	-	144733041	144733143	no
65	2,91E-06	-2,44	ENSG00000177600	RPLP2	chr11	+	802760 802876	no	
66	3,25E-06	-2,64	ENSG00000197111	PCBP2	chr12	+	52132153	52132427	no
67	3,83E-06	-5,2	ENSG00000148773	MKI67	chr10	-	129811135	129811250	no
67	3,83E-06	-5,47	ENSG00000148773	MKI67	chr10	-	129807507	129807573	no
67	3,83E-06	5,24	ENSG00000148773	MKI67	chr10	-	129803182	129804261	yes,JnId_b_8762
68	3,95E-06	-2,74	ENSG00000123933	MXD4	chr4	-	2233442 2233819	no	
69	4,09E-06	-2,28	ENSG00000146963	LUC7L2	chr7	+	138695167	138695608	yes,JnId_b_59107
69	4,09E-06	3,85	ENSG00000146963	LUC7L2	chr7	+	138709687	138709757	yes,JnId_h_73728
70	4,57E-06	-3,53	ENSG00000119335	SET	chr9	+	130485844	130486107	no
70	4,57E-06	2,28	ENSG00000119335	SET	chr9	+	130495996	130496142	no
70	4,57E-06	34,82	ENSG00000168028	RPSAP15	chr3	+	39423208	39423259	no
70	4,57E-06	-169,27	ENSG00000168028	RPSAP15	chr3	+	39424116	39424281	no
72	5,40E-06	2,31	ENSG00000204418	CLIC1	chr6	-	31812018	31812323	no
72	5,40E-06	5,28	ENSG00000204418	CLIC1	chr6	-	31804621	31805548	no
73	7,00E-06	2,51	ENSG00000099991	Q8IVX9	chr22	+	22782655	22782823	no
73	7,00E-06	-2,08	ENSG00000099991	Q8IVX9	chr22	+	22903472	22903785	yes,JnId_b_43060
74	7,23E-06	-2,69	ENSG00000080824	HSP90AA1	chr14	-	101675340	101675776	no
75	7,34E-06	2,01	ENSG00000135506	Q9BR60	chr12	+	56374800	56374976	no
75	7,34E-06	-2,09	ENSG00000135506	Q9BR60	chr12	+	56400149	56400313	yes,JnId_h_18776;JnId_h_18782
76	7,91E-06	3,73	ENSG00000166508	MCM7	chr7	-	99536823	99537363	no
76	7,91E-06	-2,33	ENSG00000166508	MCM7	chr7	-	99532860	99532943	yes,JnId_h_72672

76	7,91E-06	-4,04	ENSG00000166508	MCM7	chr7	-	99528340	99528692	no
77	8,04E-06	-3,89	ENSG00000102572	STK24	chr13	-	98027000	98027353	no
77	8,04E-06	-2,09	ENSG00000102572	STK24	chr13	-	97907423	97907559	no
78	8,97E-06	-3,14	ENSG00000070669	ASNS	chr7	-	97338967	97339244	yes,JnId_h_72488;JnId_h_72489
79	9,24E-06	-3,88	ENSG00000068885	IFT80	chr3	-	161649208	161649277	no
79	9,24E-06	-3,24	ENSG00000068885	IFT80	chr3	-	161638201	161639668	no
80	1,17E-05	-3,44	ENSG00000113649	TCERG1	chr5	+	145807087	145807164	no
80	1,17E-05	3,37	ENSG00000113649	TCERG1	chr5	+	145828097	145828159	yes,JnId_h_65819
80	1,17E-05	5,15	ENSG00000113649	TCERG1	chr5	+	145839611	145839667	yes,JnId_b_52498
80	1,17E-05	2,65	ENSG00000113649	TCERG1	chr5	+	145852676	145852794	yes,JnId_b_52498
81	1,40E-05	-3,1	ENSG00000103342	GSPT1	chr16	-	11916727	11917309	yes,JnId_b_23196;JnId_b_23195
81	1,40E-05	2,38	ENSG00000103342	GSPT1	chr16	-	11899198	11899239	yes,JnId_b_23188
81	1,40E-05	-8,81	ENSG00000103342	GSPT1	chr16	-	11896312	11896345	yes,JnId_b_23188
81	1,40E-05	-2,48	ENSG00000103342	GSPT1	chr16	-	11884373	11884453	no
82	1,46E-05	2,48	ENSG00000156504	FAM122B	chrX	-	133751276	133751332	yes,JnId_b_65901
83	1,54E-05	-5,65	ENSG00000067225	PKM2	chr15	-	70282417	70282583	yes,JnId_h_27197
84	1,75E-05	3,48	ENSG00000011052	NME1	chr17	+	46585919	46586022	yes,JnId_h_35992
84	1,75E-05	-12,28	ENSG00000011052	NME1	chr17	+	46586585	46586804	yes,JnId_h_35992
84	1,75E-05	4,38	ENSG00000011052	NME1	chr17	+	46600602	46600703	yes,JnId_h_36001
85	1,85E-05	-3,25	ENSG00000055163	CYFIP2	chr5	+	156644927	156645066	no
85	1,85E-05	-2,6	ENSG00000055163	CYFIP2	chr5	+	156752419	156755184	no
86	2,11E-05	-7,92	ENSG00000091527	CDV3	chr3	+	134775264	134775818	no
86	2,11E-05	-3,72	ENSG00000091527	CDV3	chr3	+	134788097	134788256	no
87	2,13E-05	-18,74	ENSG00000143321	HDGF	chr1	-	154988454	154988864	no
87	2,13E-05	-2,82	ENSG00000143321	HDGF	chr1	-	154987759	154988160	yes,JnId_b_4532
87	2,13E-05	2,04	ENSG00000143321	HDGF	chr1	-	154981713	154981789	yes,JnId_b_4533
88	2,22E-05	-2,07	ENSG00000196118	Q569G2	chr16	-	30679428	30679490	no
88	2,22E-05	-2,07	ENSG00000196118	Q569G2	chr16	-	30679106	30679275	yes,JnId_b_24089;JnId_b_24091
89	2,30E-05	-2,76	ENSG00000110321	EIF4G2	chr11	-	10786828	10787078	no
89	2,30E-05	3,13	ENSG00000110321	EIF4G2	chr11	-	10784030	10784170	yes,JnId_h_12552
89	2,30E-05	2,15	ENSG00000110321	EIF4G2	chr11	-	10782260	10782326	yes,JnId_h_12538
89	2,30E-05	-2,26	ENSG00000110321	EIF4G2	chr11	-	10779784	10779897	yes,JnId_h_12538;JnId_h_12542
89	2,30E-05	-2,03	ENSG00000110321	EIF4G2	chr11	-	10777675	10777879	yes,JnId_b_9379
90	2,32E-05	-2,04	ENSG00000168003	SLC3A2	chr11	+	62380094	62380429	yes,JnId_h_13956
90	2,32E-05	-2,19	ENSG00000168003	SLC3A2	chr11	+	62394793	62394885	yes,JnId_h_13956
90	2,32E-05	-4,63	ENSG00000168003	SLC3A2	chr11	+	62395625	62395717	yes,JnId_h_13960;JnId_h_13957
91	2,66E-05	-2,75	ENSG00000184575	XPOT	chr12	+	63090009	63090142	yes,JnId_h_18885
91	2,66E-05	-3,51	ENSG00000184575	XPOT	chr12	+	63096745	63096801	no
91	2,66E-05	2,35	ENSG00000184575	XPOT	chr12	+	63100400	63100568	no
91	2,66E-05	-4,68	ENSG00000184575	XPOT	chr12	+	63103229	63103291	no
91	2,66E-05	2,4	ENSG00000184575	XPOT	chr12	+	63114841	63114956	yes,JnId_h_18893
92	3,10E-05	-18,87	ENSG00000171858	RPS21	chr20	+	60395748	60395839	yes,JnId_h_51973
93	4,40E-05	-2,41	ENSG00000188529	FUSIP1	chr1	-	24177790	24177894	no
93	4,40E-05	2,22	ENSG00000188529	FUSIP1	chr1	-	24168154	24170516	yes,JnId_h_1470;JnId_h_1471
94	5,66E-05	2,57	ENSG00000186480	INSIG1	chr7	+	154726470	154726540	yes,JnId_h_74170
94	5,66E-05	-2,87	ENSG00000172809	RPL38	chr17	+	69711390	69711479	yes,JnId_h_36802;JnId_h_36803;JnId_h_36804
94	5,66E-05	-5,01	ENSG00000172809	RPL38	chr17	+	69711652	69711692	yes,JnId_h_36803;JnId_h_36804
96	6,70E-05	2,1	ENSG00000110025	SNX15	chr11	+	64544467	64544547	no
97	9,13E-05	2,61	ENSG00000102103	PQBP1	chrX	+	48639531	48640320	no
98	0,000101	2,61	ENSG00000090621	PABPC4	chr1	-	39806010	39806105	no
98	0,000101	-2,27	ENSG00000090621	PABPC4	chr1	-	39802945	39803032	yes,JnId_h_2462
98	0,000101	-2,32	ENSG00000090621	PABPC4	chr1	-	39801873	39802000	no
98	0,000101	2,23	ENSG00000114867	EIF4G1	chr3	+	185528068	185528186	yes,JnId_h_60136
100	0,000104	3,13	ENSG00000100297	MCM5	chr22	+	34126128	34126201	no
101	0,000115	2,64	ENSG00000167978	SRRM2	chr16	+	2748987 2749049	yes,JnId_h_29028	
101	0,000115	-2,05	ENSG00000167978	SRRM2	chr16	+	2758483 2758943	yes,JnId_h_29033;JnId_h_29037	
102	0,000126	-8,92	ENSG00000123080	CDKN2C	chr1	+	51206196	51208159	no
103	0,000129	-21,5	ENSG00000143384	MCL1	chr1	-	148817943	148818760	no
104	0,000149	-4,32	ENSG00000107341	UBE2R2	chr9	+	33807182	33807932	no
104	0,000149	-2,3	ENSG00000087269	NOL14	chr4	-	2910337 2910455	no	
106	0,000219	-4,86	ENSG00000086232	EIF2AK1	chr7	-	6065123 6065311	no	
106	0,000219	7,84	ENSG00000086232	EIF2AK1	chr7	-	6054964 6055001	yes,JnId_h_71120	
106	0,000219	-2,25	ENSG00000086232	EIF2AK1	chr7	-	6053149 6053248	no	
106	0,000219	5,49	ENSG00000086232	EIF2AK1	chr7	-	6052228 6052308	no	

106	0,000219	-2,83	ENSG00000086232	EIF2AK1	chr7	-	6035075	6035189	no	
107	0,000222	-2,88	ENSG00000115758	ODC1	chr2	-	10505698		10506081	no
108	0,000222	2,25	ENSG00000196642	C9orf86	chr9	+	138805984		138806050	yes,JnId_h_80165
108	0,000222	-3,01	ENSG00000196642	C9orf86	chr9	+	138818775		138818900	no
109	0,000237	-4,3	ENSG00000114735	HEMK1	chr3	+	50592551		50592664	no
109	0,000237	2,71	ENSG00000114735	HEMK1	chr3	+	50592816		50597426	no
110	3,00E-04	-2,73	ENSG00000123416	TUBA1B	chr12	-	47807836		47808988	yes,JnId_b_13850
111	0,000335	-2,57	ENSG00000082898	XPO1	chr2	-	61618201		61618922	no
111	0,000335	2,38	ENSG00000082898	XPO1	chr2	-	61603250		61603322	yes,JnId_h_45930
111	0,000335	9,81	ENSG00000082898	XPO1	chr2	-	61582635		61582679	yes,JnId_h_45930
111	0,000335	6,06	ENSG00000082898	XPO1	chr2	-	61579504		61579552	yes,JnId_h_45930
111	0,000335	-2,22	ENSG00000082898	XPO1	chr2	-	61579312		61579431	yes,JnId_h_45930
111	0,000335	3,19	ENSG00000082898	XPO1	chr2	-	61563019		61563178	no
112	0,000342	-6,64	ENSG00000089157	RPLP0	chr12	-	119122916		119123077	yes,JnId_h_20418;JnId_h_20420
112	0,000342	-4,76	ENSG00000089157	RPLP0	chr12	-	119118893		119119120	no
113	0,000394	-8,66	ENSG00000117632	STMN1	chr1	-	26105467		26105544	no
113	0,000394	-3,79	ENSG00000117632	STMN1	chr1	-	26103742		26103816	yes,JnId_h_1565
114	0,000415	-3,33	ENSG00000101144	BMP7	chr20	-	55274168		55275091	no
115	0,000433	2,5	ENSG00000137337	MDC1	chr6	-	30787423		30787482	no
115	0,000433	-2,61	ENSG00000137337	MDC1	chr6	-	30783322		30784113	no
116	0,000514	-17,1	ENSG00000172270	BSG	chr19	+	522325	522579	no	
116	0,000514	-2,17	ENSG00000172270	BSG	chr19	+	531379	531461	no	
116	0,000514	-2,38	ENSG00000172270	BSG	chr19	+	533514	533582	no	
117	0,000527	-2,22	ENSG00000107581	EIF3S10	chr10	-	120830130		120830306	no
117	0,000527	2,32	ENSG00000107581	EIF3S10	chr10	-	120822943		120823079	no
117	0,000527	-2,39	ENSG00000107581	EIF3S10	chr10	-	120784346		120785770	yes,JnId_b_8536
118	0,000543	-4,23	ENSG00000137076	TLN1	chr9	-	35722072		35722369	no
118	0,000543	-3,39	ENSG00000137076	TLN1	chr9	-	35715562		35715724	no
118	0,000543	-2,3	ENSG00000137076	TLN1	chr9	-	35714827		35714956	no
118	0,000543	-4,23	ENSG00000137076	TLN1	chr9	-	35712858		35712918	no
118	0,000543	2,07	ENSG00000137076	TLN1	chr9	-	35711645		35711800	no
118	0,000543	2,69	ENSG00000137076	TLN1	chr9	-	35693557		35693673	no
119	0,000567	-3,36	ENSG00000108848	Q86Y74	chr17	+	46172666		46172705	no
120	0,000615	-3,01	ENSG00000183684	THOC4	chr17	-	77442495		77442758	no
121	0,000669	-4,03	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131845052		131845267	no
121	0,000669	-4,62	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131760591		131760653	no
121	0,000669	-2,36	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131759460		131759564	no
121	0,000669	-2,98	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131710990		131711099	yes,JnId_b_63860
121	0,000669	-4,03	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131704969		131705101	no
121	0,000669	-3,13	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131702526		131702647	no
121	0,000669	-2,78	ENSG00000187239	FNBP1	chr9	-	131689287		131692646	no
122	0,000673	5,15	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1880156	1880274	no	
122	0,000673	7,17	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1883549	1883701	no	
122	0,000673	3,25	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1886014	1886135	no	
122	0,000673	2,77	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1886573	1886730	yes,JnId_h_32440	
122	0,000673	3,87	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1886879	1887000	yes,JnId_h_32442	
122	0,000673	5,39	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1889799	1889867	yes,JnId_h_32442	
122	0,000673	3,12	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1890262	1890418	yes,JnId_h_32442;JnId_h_32445	
122	0,000673	5,15	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1890549	1890649	yes,JnId_h_32442	
122	0,000673	4,42	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1891147	1891225	yes,JnId_h_32442	
122	0,000673	4,88	ENSG00000108963	DPH1	chr17	+	1891525	1891665	yes,JnId_h_32447	
123	0,000679	-2,49	ENSG00000119318	RAD23B	chr9	+	109113784		109113839	no
124	0,00073	4,27	ENSG00000181222	POLR2A	chr17	+	7345332	7345426	yes,JnId_h_33082	
124	0,00073	2,05	ENSG00000181222	POLR2A	chr17	+	7345569	7345772	yes,JnId_h_33082	
124	0,00073	2,17	ENSG00000181222	POLR2A	chr17	+	7353575	7353675	yes,JnId_h_33082;JnId_h_33096	
124	0,00073	-2,3	ENSG00000181222	POLR2A	chr17	+	7356201	7356387	no	
124	0,00073	-2,16	ENSG00000181222	POLR2A	chr17	+	7356817	7356966	no	
125	0,000767	4,63	ENSG00000130811	EIF3S4	chr19	-	10091516		10091585	no
125	0,000767	-2,1	ENSG00000130811	EIF3S4	chr19	-	10090344		10090403	no
126	0,000769	5,53	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88256980		88257118	no
126	0,000769	5,53	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88254980		88255055	no
126	0,000769	7,82	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88252516		88252648	no
126	0,000769	7,82	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88248013		88248219	no
126	0,000769	7,63	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88247452		88247615	no

126	0,000769	2,41	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88238117	88238233	yes,JnId_h_27943
126	0,000769	3,12	ENSG00000157823	AP3S2	chr15	-	88232757	88232868	no
127	0,000924	-4,51	ENSG00000160194	NDUFV3	chr21	+	43196361	43197455	yes,JnId_h_52698
128	0,000944	-5,22	ENSG00000168488	ATXN2L	chr16	+	28744188	28744224	no
128	0,000944	3,16	ENSG00000168488	ATXN2L	chr16	+	28744592	28744663	no
128	0,000944	3,12	ENSG00000168488	ATXN2L	chr16	+	28748223	28748314	yes,JnId_b_23742
128	0,000944	-3,55	ENSG00000168385	02. Sep	chr2	+	241905587	241905687	yes,JnId_h_49899;JnId_h_49901
130	0,00109	2,81	ENSG00000074800	ENO1	chr1	-	8853098	8853156	yes,JnId_b_379
130	0,00109	7,55	ENSG00000074800	ENO1	chr1	-	8850634	8850703	yes,JnId_b_375
131	0,00122	-4,43	ENSG00000105176	C19orf2	chr19	+	35125265	35125411	yes,JnId_h_41827
132	0,00129	-5,18	ENSG00000153551	CMTM7	chr3	+	32408167	32408561	no
132	0,00129	-2,96	ENSG00000152558	TMEM123	chr11	-	101828465	101828780	no
134	0,0015	3,15	ENSG00000174669	SLC29A2	chr11	-	65891511	65891595	no
135	0,0015	-2,64	ENSG00000198900	TOP1	chr20	+	39090876	39091154	no
135	0,0015	2,56	ENSG00000198900	TOP1	chr20	+	39177425	39177493	no
135	0,0015	-2,05	ENSG00000134758	RNF138	chr18	+	27925835	27926196	no
135	0,0015	-2,3	ENSG00000134758	RNF138	chr18	+	27958695	27958806	no
137	0,00151	4,91	ENSG00000173726	TOMM20	chr1	-	233339274	233342046	no
138	0,00151	-2,38	ENSG00000169045	HNRPH1	chr5	-	178978876	178979014	yes,JnId_h_66637;JnId_h_66644;JnId_h_66646
138	0,00151	4,15	ENSG00000169045	HNRPH1	chr5	-	178977596	178977667	yes,JnId_h_66637;JnId_h_66643;JnId_h_66644
138	0,00151	2,03	ENSG00000169045	HNRPH1	chr5	-	178976658	178976717	yes,JnId_h_66637;JnId_h_66641
138	0,00151	3,14	ENSG00000169045	HNRPH1	chr5	-	178975153	178975202	yes,JnId_h_66635;JnId_h_66637
138	0,00151	2,29	ENSG00000055130	CUL1	chr7	+	148087329	148087379	yes,JnId_b_59181
138	0,00151	2,75	ENSG00000055130	CUL1	chr7	+	148087573	148087663	yes,JnId_h_73856
138	0,00151	3,42	ENSG00000055130	CUL1	chr7	+	148088358	148088521	yes,JnId_h_73856
138	0,00151	-4,4	ENSG00000055130	CUL1	chr7	+	148114576	148114624	no
138	0,00151	2,75	ENSG00000055130	CUL1	chr7	+	148125837	148125884	yes,JnId_h_73866
140	0,00155	-2,07	ENSG00000105063	SAPS1	chr19	-	60461615	60462175	no
140	0,00155	2,23	ENSG00000105063	SAPS1	chr19	-	60444125	60444259	no
140	0,00155	-2,69	ENSG00000105063	SAPS1	chr19	-	60434982	60435162	yes,JnId_h_43965
140	0,00155	-2,57	ENSG00000105063	SAPS1	chr19	-	60434778	60434848	yes,JnId_h_43965
140	0,00155	-2,51	ENSG00000105063	SAPS1	chr19	-	60433793	60433864	no
141	0,00156	6,07	ENSG00000163527	STT3B	chr3	+	31613294	31613359	no
141	0,00156	5,3	ENSG00000163527	STT3B	chr3	+	31634436	31634484	no
142	0,00159	2,74	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139808980	139809074	yes,JnId_b_52274
142	0,00159	5,54	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139842349	139842436	yes,JnId_h_65567
142	0,00159	2,47	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139844890	139845017	yes,JnId_b_52274
142	0,00159	3,14	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139845358	139845501	yes,JnId_b_52274
142	0,00159	5,54	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139864891	139865002	no
142	0,00159	2,14	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139865493	139865638	no
142	0,00159	2,16	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139866604	139866746	no
142	0,00159	2,28	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139869406	139869581	no
142	0,00159	-8,6	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139907435	139907609	yes,JnId_h_65594
142	0,00159	-3,58	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139908675	139908845	no
142	0,00159	-4,84	ENSG00000131503	ANKHD1	chr5	+	139909003	139909347	no
143	0,00162	4,74	ENSG00000112306	RPS12	chr6	+	133177374	133177445	yes,JnId_h_69997;JnId_h_69998
143	0,00162	-3,2	ENSG00000112306	RPS12	chr6	+	133177804	133178056	yes,JnId_h_69997;JnId_h_69998;JnId_h_70001
144	0,00184	-2,51	ENSG00000117713	ARID1A	chr1	+	26895111	26896618	no
144	0,00184	-2,01	ENSG00000117713	ARID1A	chr1	+	26928729	26928941	no
144	0,00184	-4,92	ENSG00000117713	ARID1A	chr1	+	26972424	26972574	no
145	0,00201	4,07	ENSG00000108946	PRKAR1A	chr17	+	64032648	64032694	no
145	0,00201	5,98	ENSG00000108946	PRKAR1A	chr17	+	64036606	64036727	no
145	0,00201	2,17	ENSG00000108946	PRKAR1A	chr17	+	64037656	64037737	no
146	0,00204	-10,76	ENSG00000101126	ADNP	chr20	-	48980770	48980919	no
146	0,00204	-3,99	ENSG00000101126	ADNP	chr20	-	48978595	48978769	no
147	0,00205	-4,54	ENSG00000167513	CDT1	chr16	+	87397687	87397968	no
148	0,00218	2,62	ENSG00000004478	FKBP4	chr12	+	2779819	2780004	no
149	0,00225	3,02	ENSG00000144028	ASCC3L1	chr2	-	96322437	96322560	yes,JnId_h_46775
149	0,00225	2,22	ENSG00000144028	ASCC3L1	chr2	-	96304722	96304814	no
150	0,00231	-5,81	ENSG00000176407	KCMF1	chr2	+	85051758	85052101	no
150	0,00231	4,26	ENSG00000176407	KCMF1	chr2	+	85115650	85115789	no
151	0,0025	-5,01	ENSG00000105323	HNRPUL1	chr19	+	46460264	46460327	no
152	0,00258	-3,22	ENSG00000092098	ISGF3G	chr14	+	23702427	23702557	no
152	0,00258	-2,05	ENSG00000092098	ISGF3G	chr14	+	23703663	23704004	no

153	0,00265	-3,41	ENSG00000146457	WTAP	chr6	+	160068610	160068725	yes,JnId_h_70556
153	0,00265	2,08	ENSG00000146457	WTAP	chr6	+	160083110	160083168	no
154	0,0027	7,36	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52030429	52030559	no
154	0,0027	10,62	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52034071	52034271	no
154	0,0027	2,48	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52043116	52043244	no
154	0,0027	4,68	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52045118	52045182	no
154	0,0027	3,61	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52046069	52046255	no
154	0,0027	-3,05	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52070567	52070638	no
154	0,0027	3,98	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52071299	52071404	no
154	0,0027	3,29	ENSG00000103479	RBL2	chr16	+	52073084	52073248	no
155	0,00273	-2,27	ENSG00000163811	WDR43	chr2	+	28978357	28978494	yes,JnId_h_45043
156	0,00285	3,02	ENSG00000064419	TNPO3	chr7	-	128411458	128411549	yes,JnId_b_58845
157	0,00307	-4,2	ENSG00000159335	PTMS	chr12	+	6745802	6746177	no
157	0,00307	2,66	ENSG00000159335	PTMS	chr12	+	6749584	6749645	no
158	0,00319	-7,46	ENSG00000170233	Q96AM0	chr17	-	5428168	5428548	no
159	0,00335	6,94	ENSG00000102054	RBBP7	chrX	-	16797538	16797896	yes,JnId_h_80566
159	0,00335	5,67	ENSG00000102054	RBBP7	chrX	-	16780595	16780672	yes,JnId_h_80559
159	0,00335	-2,26	ENSG00000102054	RBBP7	chrX	-	16777288	16777345	no
160	0,00349	-2,74	ENSG00000117500	TMED5	chr1	-	93418199	93418873	no
161	0,00349	2,7	ENSG00000110442	COMMD9	chr11	-	36267488	36267547	no
161	0,00349	3,14	ENSG00000110442	COMMD9	chr11	-	36256603	36256742	no
162	0,00362	-3,74	ENSG00000134884	Q9NWB6	chr13	-	106017922	106018513	no
163	0,0037	-2,08	ENSG00000166598	HSP90B1	chr12	+	102850734	102850850	no
164	0,00371	-4,27	ENSG00000101412	E2F1	chr20	-	31737471	31737871	yes,JnId_b_40770
165	0,00377	2,6	ENSG00000113108	SRA1	chr5	-	139923966	139924373	no
165	0,00377	3,9	ENSG00000113108	SRA1	chr5	-	139923521	139923684	no
165	0,00377	4,62	ENSG00000113108	SRA1	chr5	-	139921356	139921491	no
165	0,00377	2,51	ENSG00000113108	SRA1	chr5	-	139917197	139918590	no
166	0,00387	3,35	ENSG00000152601	MBNL1	chr3	+	153468519	153469571	no
167	0,00392	4,01	ENSG00000104824	HNRPL	chr19	-	44020074	44020131	no
168	0,0043	2,03	ENSG00000100316	RPL3	chr22	-	38043412	38043580	yes,JnId_h_54579;JnId_h_54581
168	0,0043	2,62	ENSG00000100316	RPL3	chr22	-	38040058	38040159	yes,JnId_h_54577
169	0,00433	22,35	ENSG00000160113	NR2F6	chr19	-	17212480	17212574	no
169	0,00433	-5,53	ENSG00000160113	NR2F6	chr19	-	17207308	17207874	no
170	0,00453	2,48	ENSG00000170889	RPS9	chr19	+	59396840	59396961	no
171	0,00459	9,11	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44354637	44354815	no
171	0,00459	3,02	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44377861	44378014	yes,JnId_h_56467;JnId_h_56468
171	0,00459	5,36	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44409351	44409473	no
171	0,00459	6,74	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44412896	44412993	no
171	0,00459	4,78	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44416851	44417083	yes,JnId_b_45417
171	0,00459	7,12	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44417699	44417830	no
171	0,00459	3,56	ENSG00000179152	C3orf23	chr3	+	44423938	44425941	no
172	0,00461	2,72	ENSG00000132182	NUP210	chr3	-	13402775	13402907	yes,JnId_h_55743
172	0,00461	-2,38	ENSG00000132182	NUP210	chr3	-	13351954	13352112	yes,JnId_h_55742;JnId_h_55743
172	0,00461	-2,29	ENSG00000132182	NUP210	chr3	-	13336263	13336479	no
172	0,00461	-8,09	ENSG00000142208	AKT1	chr14	-	104332866	104333125	no
172	0,00461	2,53	ENSG00000115268	RPS15	chr19	+	1389363	1389427	no
175	0,00467	23,17	ENSG00000164897	TMUB1	chr7	-	150411454	150411553	no
176	0,00478	-2,23	ENSG00000187109	NAP1L1	chr12	-	74729247	74729297	no
177	0,00481	-2,37	ENSG00000116906	GNPAT	chr1	+	229443579	229443825	no
177	0,00481	5,03	ENSG00000116906	GNPAT	chr1	+	229468081	229468156	no
177	0,00481	2,37	ENSG00000116906	GNPAT	chr1	+	229476291	229476431	no
177	0,00481	2,02	ENSG00000116906	GNPAT	chr1	+	229477774	229477867	no
177	0,00481	4,77	ENSG00000116906	GNPAT	chr1	+	229478504	229478565	no
177	0,00481	-2,89	ENSG00000113810	SMC4	chr3	+	161601304	161601447	no
177	0,00481	-2,08	ENSG00000113810	SMC4	chr3	+	161613955	161614095	no
177	0,00481	-2,22	ENSG00000113810	SMC4	chr3	+	161632765	161632997	no
179	0,00482	-2,17	ENSG00000198911	SREBF2	chr22	+	40592781	40593230	no
179	0,00482	2,09	ENSG00000198911	SREBF2	chr22	+	40601493	40601674	yes,JnId_h_54820;JnId_h_54823
180	0,00493	-6,86	ENSG00000182979	MTA1	chr14	+	104957393	104957445	no
180	0,00493	4,05	ENSG00000182979	MTA1	chr14	+	104986741	104986791	yes,JnId_h_25537;JnId_h_25539
180	0,00493	-2,17	ENSG00000182979	MTA1	chr14	+	105007447	105008050	no
181	0,00523	-3,83	ENSG00000116731	PRDM2	chr1	+	13930082	13930199	no
181	0,00523	5,13	ENSG00000116731	PRDM2	chr1	+	14022241	14024162	no

182	0,00541	-3,1	ENSG000000117523	BAT2D1	chr1	+	169815591	169815727	yes,JnId_h_6515
183	0,00551	-3,09	ENSG000000159217	IGF2BP1	chr17	+	44458827	44458878	no
184	0,00555	3,37	ENSG000000090924	PLEKHG2	chr19	+	44595590	44595892	no
184	0,00555	4,56	ENSG000000090924	PLEKHG2	chr19	+	44599330	44599480	no
184	0,00555	-3,83	ENSG000000090924	PLEKHG2	chr19	+	44601214	44601306	no
185	0,00559	2,8	ENSG000000181163	NPM1	chr5	+	170749660	170749739	yes,JnId_h_66269;JnId_h_66270
185	0,00559	6,05	ENSG000000181163	NPM1	chr5	+	170770136	170770492	no
186	0,00571	2,07	ENSG000000149532	CPSF7_HUMAN	chr11	-	60934986	60935153	no
187	0,00573	-5,65	ENSG000000182196	ARL6IP4	chr12	+	122033120	122033407	no
188	0,0058	-2,26	ENSG000000144354	CDCA7	chr2	+	173927794	173927958	no
188	0,0058	2,75	ENSG000000139746	RBM26	chr13	-	78813259	78813363	no
190	0,00584	2,46	ENSG000000173120	FBXL11	chr11	+	66739387	66739493	no
190	0,00584	3,07	ENSG000000173120	FBXL11	chr11	+	66739903	66739996	no
190	0,00584	-3,82	ENSG000000156858	PRR14	chr16	+	30572187	30572230	no
190	0,00584	2,33	ENSG000000156858	PRR14	chr16	+	30574690	30574761	no
190	0,00584	3,36	ENSG000000119596	YLPM1	chr14	+	74352659	74352721	no
190	0,00584	-2,14	ENSG000000119596	YLPM1	chr14	+	74353650	74353733	no
190	0,00584	2,24	ENSG000000119596	YLPM1	chr14	+	74357513	74358568	no
193	0,00623	-2,91	ENSG000000169682	LAT	chr16	+	28903027	28904339	no
194	0,00624	-5,26	ENSG000000183785	PEX26	chr22	+	16940689	16941372	no
194	0,00624	3,88	ENSG000000183785	PEX26	chr22	+	16989121	16989801	no
194	0,00624	2,3	ENSG000000169727	GPS1	chr17	+	77606063	77606140	yes,JnId_b_29900
196	0,00624	2,08	ENSG000000143621	ILF2	chr1	-	151909271	151909332	no
197	0,00638	3,11	ENSG000000170515	PA2G4	chr12	+	54791527	54791580	no
197	0,00638	12,63	ENSG000000138821	SLC39A8	chr4	-	103485525	103485654	no
197	0,00638	-3,82	ENSG000000138821	SLC39A8	chr4	-	103484624	103485095	no
197	0,00638	3,12	ENSG000000138821	SLC39A8	chr4	-	103407670	103407854	no
197	0,00638	13,64	ENSG000000135390	ATP5G2	chr12	-	52356227	52357449	no
197	0,00638	-4,14	ENSG000000106462	EZH2	chr7	-	148212189	148212347	yes,JnId_b_59215
197	0,00638	2,02	ENSG000000106462	EZH2	chr7	-	148137335	148137415	no
201	0,007	5,52	ENSG000000130733	YIPF2	chr19	-	10899306	10899392	no
201	0,007	-5,64	ENSG000000130733	YIPF2	chr19	-	10897362	10897449	no
201	0,007	4,78	ENSG000000130733	YIPF2	chr19	-	10895752	10895868	no
201	0,007	-11,98	ENSG000000130733	YIPF2	chr19	-	10894446	10894850	no
202	0,00711	15,7	ENSG000000180198	RCC1	chr1	+	28705143	28705183	no
202	0,00711	18,26	ENSG000000180198	RCC1	chr1	+	28707929	28708004	no
202	0,00711	16,49	ENSG000000180198	RCC1	chr1	+	28715824	28715966	no
202	0,00711	25,08	ENSG000000180198	RCC1	chr1	+	28729622	28729714	yes,JnId_h_1788
203	0,00715	-3,52	ENSG000000144895	EIF2A	chr3	+	151752833	151752902	no
203	0,00715	2,45	ENSG000000144895	EIF2A	chr3	+	151776126	151776239	no
204	0,00723	-9,55	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74925569	74925765	no
204	0,00723	-2,8	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74908263	74908387	no
204	0,00723	2,87	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74900651	74900728	no
204	0,00723	6,06	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74900451	74900545	no
204	0,00723	-3,88	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74897317	74897442	no
204	0,00723	3,45	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74884176	74884253	no
204	0,00723	4,54	ENSG000000107758	PPP3CB	chr10	-	74876256	74876337	no
205	0,00748	5,78	ENSG000000122741	WDR32	chr9	+	37809285	37809398	no
205	0,00748	3,65	ENSG000000122741	WDR32	chr9	+	37832086	37832283	no
205	0,00748	2,71	ENSG000000122741	WDR32	chr9	+	37844777	37844979	yes,JnId_b_62322
205	0,00748	7,13	ENSG000000143373	ZNF687	chr1	+	149521367	149521495	no
207	0,00779	-2,34	ENSG000000141568	FOXK2	chr17	+	78070883	78071472	no
208	0,00786	2,66	ENSG000000089597	GANAB	chr11	-	62170610	62170680	yes,JnId_h_13838
209	0,00804	-4,13	ENSG000000107929	LARP5	chr10	-	967368	967564	no
209	0,00804	-3,17	ENSG000000107929	LARP5	chr10	-	866807	866917	no
209	0,00804	2,61	ENSG000000107929	LARP5	chr10	-	861689	861810	no
209	0,00804	2,94	ENSG000000107929	LARP5	chr10	-	856740	856785	no
210	0,00805	4,82	ENSG000000153487	ING1	chr13	+	110165330	110166356	yes,JnId_b_17818
211	0,00809	4,81	ENSG00000005007	UPF1	chr19	+	18819553	18819642	no
212	0,0083	2,13	ENSG000000131236	CAP1	chr1	+	40278492	40279060	yes,JnId_h_2502
213	0,00852	2,66	ENSG000000080603	Q6P4A2	chr16	+	30618730	30618803	no
213	0,00852	-2,22	ENSG000000080603	Q6P4A2	chr16	+	30639535	30639800	yes,JnId_h_30300
213	0,00852	-2,4	ENSG000000080603	Q6P4A2	chr16	+	30640944	30641108	yes,JnId_h_30303;JnId_h_30301
213	0,00852	-4,14	ENSG000000080603	Q6P4A2	chr16	+	30652716	30652830	no

214	0,00942	4,3	ENSG000000138869	C22orf16	chr22	-	22438024	22438213	no
214	0,00942	2,17	ENSG000000088247	KHSRP	chr19	-	6366256	6366312	yes,JnId_h_40126
214	0,00942	2,09	ENSG000000088247	KHSRP	chr19	-	6364457	6364528	no
216	0,00955	-3,54	ENSG000000196233	LCOR	chr10	+	98582029	98582146	no
216	0,00955	-2,08	ENSG000000196233	LCOR	chr10	+	98701850	98701943	no
216	0,00955	-2,69	ENSG000000117408	IPO13	chr1	+	44204198	44204900	no
218	0,00983	-2,37	ENSG000000198604	BAZ1A	chr14	-	34414095	34414604	no
218	0,00983	2,47	ENSG000000198604	BAZ1A	chr14	-	34312529	34312683	no
219	0,00986	-2,47	ENSG000000044574	HSPA5	chr9	-	127043105	127043430	no
219	0,00986	3,15	ENSG000000044574	HSPA5	chr9	-	127042272	127042409	yes,JnId_h_79024
219	0,00986	2,49	ENSG000000044574	HSPA5	chr9	-	127040690	127040927	yes,JnId_h_79022
220	0,0103	3,03	ENSG000000173020	ADRBK1	chr11	+	66803886	66803947	yes,JnId_b_11302
220	0,0103	-2,45	ENSG000000198837	DENND4B	chr1	-	152180969	152181192	yes,JnId_h_5510
220	0,0103	4,62	ENSG000000198837	DENND4B	chr1	-	152180474	152180540	yes,JnId_h_5510
220	0,0103	2,52	ENSG000000198837	DENND4B	chr1	-	152179256	152179356	yes,JnId_h_5510
220	0,0103	2,29	ENSG000000198837	DENND4B	chr1	-	152178000	152178145	yes,JnId_h_5510
220	0,0103	4,15	ENSG000000198837	DENND4B	chr1	-	152176588	152176714	yes,JnId_h_5510
220	0,0103	-3,25	ENSG000000198837	DENND4B	chr1	-	152169639	152169703	no
222	0,0104	-2,4	ENSG000000031698	SARS	chr1	+	109558063	109558277	yes,JnId_h_4511
222	0,0104	-4,99	ENSG000000031698	SARS	chr1	+	109568123	109568193	yes,JnId_h_4510
222	0,0104	2,2	ENSG000000031698	SARS	chr1	+	109575023	109575166	no
223	0,0106	-3,17	ENSG000000196531	NACA	chr12	-	55392484	55392603	no
224	0,0106	7,39	ENSG000000179051	RCC2	chr1	-	17638628	17638807	no
224	0,0106	-2,68	ENSG000000179051	RCC2	chr1	-	17637313	17637644	no
224	0,0106	-2,63	ENSG000000179051	RCC2	chr1	-	17612620	17612800	yes,JnId_b_817;JnId_b_819
225	0,0107	3,83	ENSG000000146670	CDCA5	chr11	-	64607412	64607447	no
226	0,0112	-2,35	ENSG000000136111	TBC1D4	chr13	-	74953407	74954251	no
226	0,0112	2,54	ENSG000000136111	TBC1D4	chr13	-	74828284	74828388	yes,JnId_h_22069
226	0,0112	-3,46	ENSG000000136111	TBC1D4	chr13	-	74764239	74764408	no
227	0,0115	-2,87	ENSG000000100523	DDHD1	chr14	-	52688729	52689750	no
227	0,0115	-2,29	ENSG000000100523	DDHD1	chr14	-	52592128	52592380	no
228	0,0117	-7,78	ENSG000000118816	CCNI	chr4	-	78215649	78216152	no
228	0,0117	2,32	ENSG000000118816	CCNI	chr4	-	78196426	78196500	no
228	0,0117	5,77	ENSG000000118816	CCNI	chr4	-	78196139	78196279	no
229	0,0126	-2,42	ENSG000000130024	PHF10	chr6	-	169865866	169866026	no
230	0,0128	-2,24	ENSG000000068745	IHPK2	chr3	-	48703744	48703919	no
231	0,0129	-3,27	ENSG000000166986	MARS	chr12	+	56169069	56169159	yes,JnId_b_14581
231	0,0129	2,04	ENSG000000166986	MARS	chr12	+	56192058	56192153	no
231	0,0129	2,11	ENSG000000166986	MARS	chr12	+	56195970	56196041	no
232	0,0131	3,43	ENSG000000047849	MAP4	chr3	-	48105267	48105318	no
233	0,0134	5,37	ENSG000000131051	RBM39	chr20	-	33791861	33791933	no
233	0,0134	2,27	ENSG000000131051	RBM39	chr20	-	33768076	33768141	no
234	0,0137	2,52	ENSG000000109689	STIM2	chr4	+	26612937	26613114	no
235	0,0137	-5,03	ENSG000000062822	POLD1	chr19	+	55579408	55579459	yes,JnId_h_43752
235	0,0137	2,04	ENSG000000062822	POLD1	chr19	+	55610507	55610659	yes,JnId_h_43771
235	0,0137	-5,03	ENSG000000062822	POLD1	chr19	+	55612114	55612166	no
235	0,0137	-2,31	ENSG000000062822	POLD1	chr19	+	55612241	55612338	no
235	0,0137	-3,13	ENSG000000062822	POLD1	chr19	+	55612911	55613082	no
236	0,0145	-6,07	ENSG000000155380	SLC16A1	chr1	-	113300180	113300498	no
236	0,0145	-2,05	ENSG000000155380	SLC16A1	chr1	-	113266135	113266278	no
236	0,0145	-3,02	ENSG000000115953	PPP3R1	chr2	-	68332761	68333155	no
236	0,0145	-5,26	ENSG000000115953	PPP3R1	chr2	-	68297728	68297767	no
236	0,0145	-2,82	ENSG000000115953	PPP3R1	chr2	-	68222330	68222431	no
236	0,0145	5,52	ENSG000000115953	PPP3R1	chr2	-	68217935	68218069	no
236	0,0145	-2,82	ENSG000000115953	PPP3R1	chr2	-	68211874	68212081	no
236	0,0145	3,41	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45797148	45797302	no
236	0,0145	3,41	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45797814	45797923	no
236	0,0145	3,41	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45802781	45802972	no
236	0,0145	3,75	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45803151	45803398	no
236	0,0145	4,8	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45803475	45803577	no
236	0,0145	3,01	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45803979	45804053	no
236	0,0145	5,37	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45805111	45805275	no
236	0,0145	2,37	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45805966	45806115	no
236	0,0145	2,79	ENSG000000090006	LTBP4	chr19	+	45806230	45806349	no

236	0,0145	4,57	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45807276	45807407	no
236	0,0145	5,37	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45808278	45808403	no
236	0,0145	2,67	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45808898	45809140	no
236	0,0145	2,55	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45809605	45809730	no
236	0,0145	2,55	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45809819	45809938	no
236	0,0145	5,19	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45810811	45810942	no
236	0,0145	4,33	ENSG00000090006	LTBP4	chr19	+	45820695	45820766	yes,JnId_h_42614
239	0,0148	2,49	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88410446	88410566	no
239	0,0148	2,75	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88408429	88408522	no
239	0,0148	3,01	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88404616	88404711	yes,JnId_b_25761
239	0,0148	2,21	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88369651	88369729	yes,JnId_b_25725;JnId_b_25734;JnId_b_25744
239	0,0148	3,57	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88355858	88355931	yes,JnId_h_32133
239	0,0148	-2	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88338855	88338980	yes,JnId_b_25725
239	0,0148	-2,8	ENSG00000187741	FANCA	chr16	-	88331460	88332617	no
240	0,015	2,14	ENSG00000133112	TPT1	chr13	-	44811632	44811737	yes,JnId_h_21720
240	0,015	3,54	ENSG00000143799	PARP1	chr1	-	224633897	224633965	yes,JnId_h_7938
242	0,0153	2,7	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227703126	227703233	no
242	0,0153	4,63	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227697865	227697935	no
242	0,0153	3,51	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227688741	227688898	no
242	0,0153	3,59	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227678008	227678102	no
242	0,0153	3,24	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227662981	227663139	no
242	0,0153	4,35	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227654895	227655013	no
242	0,0153	2,11	ENSG00000069248	NUP133	chr1	-	227652895	227652975	no
243	0,0153	-7,62	ENSG00000162607	USP1	chr1	+	62674563	62674821	no
243	0,0153	-2,29	ENSG00000141425	Q7Z5G8	chr18	-	31901215	31901518	yes,JnId_h_38691
243	0,0153	-2,94	ENSG00000141425	Q7Z5G8	chr18	-	31861145	31861271	no
243	0,0153	2,42	ENSG00000141425	Q7Z5G8	chr18	-	31823785	31824556	no
245	0,0156	5,64	ENSG00000187147	C1orf164	chr1	+	44643453	44643789	no
245	0,0156	9,33	ENSG00000187147	C1orf164	chr1	+	44650240	44650981	no
245	0,0156	-2,69	ENSG00000187147	C1orf164	chr1	+	44870239	44870467	yes,JnId_h_2865;JnId_h_2867
246	0,0157	-3,6	ENSG00000160193	WDR4	chr21	-	43166730	43166870	no
246	0,0157	-5,53	ENSG00000160193	WDR4	chr21	-	43148861	43148959	no
246	0,0157	5,8	ENSG00000160193	WDR4	chr21	-	43145434	43145503	no
246	0,0157	3,84	ENSG00000160193	WDR4	chr21	-	43143220	43143421	no
246	0,0157	6,25	ENSG00000160193	WDR4	chr21	-	43136275	43136460	no
247	0,0164	2,15	ENSG00000079805	DNM2	chr19	+	10673106	10673379	no
247	0,0164	3,62	ENSG00000079805	DNM2	chr19	+	10684229	10684304	no
247	0,0164	-2,29	ENSG00000079805	DNM2	chr19	+	10684629	10684716	no
247	0,0164	-2,79	ENSG00000079805	DNM2	chr19	+	10731414	10731487	no
247	0,0164	2,95	ENSG00000079805	DNM2	chr19	+	10769056	10769194	yes,JnId_h_40644;JnId_h_40643
247	0,0164	3,53	ENSG00000079805	DNM2	chr19	+	10773964	10776400	no
248	0,0165	4,69	ENSG00000107902	Q5T1Z0	chr10	+	126140393	126140546	no
248	0,0165	3,6	ENSG00000107902	Q5T1Z0	chr10	+	126166981	126167134	no
248	0,0165	6,74	ENSG00000107902	Q5T1Z0	chr10	+	126175520	126175583	no
248	0,0165	6,74	ENSG00000107902	Q5T1Z0	chr10	+	126176595	126176687	no
249	0,0167	-2,61	ENSG00000132361	KIAA0664	chr17	-	2546474	2546579	yes,JnId_h_32536
249	0,0167	3,53	ENSG00000132361	KIAA0664	chr17	-	2541653	2541726	no
250	0,017	-10,55	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96057245	96057367	no
250	0,017	6,63	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96064261	96064375	yes,JnId_h_64723
250	0,017	2,07	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96091072	96091185	yes,JnId_h_64728
250	0,017	-3,13	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96092240	96092320	no
250	0,017	4,89	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96101498	96101578	yes,JnId_h_64733
250	0,017	6,13	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96108805	96108852	no
250	0,017	2,68	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96115520	96115621	no
250	0,017	2,79	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96119043	96119114	no
250	0,017	3,57	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96129367	96129459	no
250	0,017	-2,38	ENSG00000153113	CAST	chr5	+	96131991	96132062	no
250	0,017	-4,22	ENSG00000136527	SFRS10	chr3	-	187132242	187132334	yes,JnId_h_60221;JnId_h_60222
250	0,017	2,01	ENSG00000136527	SFRS10	chr3	-	187121586	187121669	yes,JnId_h_60215
250	0,017	2,23	ENSG00000060339	CCAR1	chr10	+	70200969	70201208	no
250	0,017	6,2	ENSG00000060339	CCAR1	chr10	+	70219473	70219678	no
250	0,017	-4,43	ENSG00000060339	CCAR1	chr10	+	70220970	70222140	no
253	0,0171	2,29	ENSG00000104738	MCM4	chr8	+	49037877	49037972	yes,JnId_h_75265
254	0,0177	-2,18	ENSG00000185896	LAMP1	chr13	+	112999557	112999795	no

255	0,0181	-2,04	ENSG00000142453	CARM1	chr19	+	10843253	10843598	no
256	0,0181	-2,13	ENSG00000158435	C2orf29	chr2	+	101235810	101236372	yes,JnId_h_47009
257	0,0181	-2,61	ENSG00000132819	RBM38	chr20	+	55399870	55400280	no
258	0,0186	4,21	ENSG00000135624	CCT7	chr2	+	73323640	73323765	no
258	0,0186	4,16	ENSG00000135624	CCT7	chr2	+	73324633	73324685	no
258	0,0186	2,23	ENSG00000135624	CCT7	chr2	+	73328398	73328562	no
258	0,0186	-3,44	ENSG00000185624	P4HB	chr17	-	77411492	77411680	yes,JnId_h_37666
260	0,019	-6,43	ENSG00000107521	HPS1	chr10	-	100195047	100195160	no
260	0,019	-2,29	ENSG00000107521	HPS1	chr10	-	100192871	100192987	no
260	0,019	2,14	ENSG00000107521	HPS1	chr10	-	100185019	100185161	yes,JnId_b_7983
260	0,019	-2,84	ENSG00000107521	HPS1	chr10	-	100173350	100173415	no
260	0,019	2,61	ENSG00000107521	HPS1	chr10	-	100169792	100169905	no
261	0,0193	5,28	ENSG00000189339	SLC35E2	chr1	-	1660221	1660356	no
261	0,0193	5,64	ENSG00000189339	SLC35E2	chr1	-	1590966	1591038	no
262	0,0193	-2,03	ENSG00000156508	EEF1A1	chr6	-	74286327	74288165	yes,JnId_h_68935;JnId_h_68928;JnId_h_68929;JnId_h_68932
263	0,0198	-6,59	ENSG00000160710	ADAR	chr1	-	152866955	152867098	yes,JnId_b_4176
263	0,0198	2,72	ENSG00000160710	ADAR	chr1	-	152824853	152824965	no
264	0,02	3,52	ENSG00000198211	MC1R	chr16	+	88513168	88514117	no
264	0,02	-2,9	ENSG00000198211	MC1R	chr16	+	88527377	88527487	no
264	0,02	-2,16	ENSG00000178035	IMPDH2	chr3	-	49037096	49037239	yes,JnId_h_56997
266	0,0202	3,47	ENSG00000065526	SPEN	chr1	+	16073197	16073477	yes,JnId_b_730
266	0,0202	3,08	ENSG00000065526	SPEN	chr1	+	16118008	16118133	no
266	0,0202	6	ENSG00000065526	SPEN	chr1	+	16121331	16121431	no
267	0,0203	-7,96	ENSG00000198176	TFDP1	chr13	+	113287056	113287204	no
267	0,0203	-8,35	ENSG00000198176	TFDP1	chr13	+	113313312	113313378	yes,JnId_h_22680;JnId_h_22682
268	0,0203	-4,35	ENSG00000197771	C10orf119	chr10	-	121622029	121622351	no
268	0,0203	3,12	ENSG00000146540	Q9BRJ6	chr7	-	1133419	1133548	no
268	0,0203	-2,16	ENSG00000164924	YWHAZ	chr8	-	102034673	102034745	no
268	0,0203	2,16	ENSG00000164924	YWHAZ	chr8	-	102005359	102005454	no
271	0,0204	4,74	ENSG00000130816	DNMT1	chr19	-	10145547	10145581	yes,JnId_b_32096;JnId_b_32100;JnId_b_32112
271	0,0204	3,83	ENSG00000130816	DNMT1	chr19	-	10131694	10131739	yes,JnId_h_40442
271	0,0204	2	ENSG00000130816	DNMT1	chr19	-	10112781	10112865	yes,JnId_h_40441;JnId_h_40442
272	0,0204	-2,55	ENSG00000169180	XPO6	chr16	-	28130188	28130691	no
272	0,0204	3,9	ENSG00000169180	XPO6	chr16	-	28085330	28085407	no
272	0,0204	6,01	ENSG00000169180	XPO6	chr16	-	28051156	28051225	no
272	0,0204	-2,49	ENSG00000169180	XPO6	chr16	-	28044511	28044670	no
273	0,0208	-2,15	ENSG00000177425	PAWR	chr12	-	78607640	78608302	no
274	0,0208	-2,86	ENSG00000171055	FEZ2	chr2	-	36678524	36678827	no
274	0,0208	2,65	ENSG00000171055	FEZ2	chr2	-	36661937	36662078	no
274	0,0208	-4,35	ENSG00000065978	YBX1	chr1	+	42920659	42920989	no
274	0,0208	2,28	ENSG00000113013	HSPA9	chr5	-	137921457	137921574	no
277	0,0212	2,65	ENSG00000186792	IFRD2	chr3	-	50311648	50311903	yes,JnId_b_46063
277	0,0212	-2,55	ENSG00000186792	IFRD2	chr3	-	50302995	50303114	yes,JnId_h_57322;JnId_h_57328
277	0,0212	-2,47	ENSG00000186792	IFRD2	chr3	-	50302147	50302197	yes,JnId_h_57322
278	0,0214	-4,93	ENSG00000144554	FANCD2	chr3	+	10049516	10049656	no
278	0,0214	2,13	ENSG00000144554	FANCD2	chr3	+	10110973	10111047	no
279	0,0218	-3,2	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	5972200	5972315	yes,JnId_h_8806
279	0,0218	4,03	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	5990894	5991024	yes,JnId_h_8806
279	0,0218	2,78	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	5991128	5991263	yes,JnId_h_8806
279	0,0218	5,01	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	5995716	5995808	yes,JnId_h_8806;JnId_h_8815
279	0,0218	2,29	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	5999389	5999476	yes,JnId_h_8806
279	0,0218	2,25	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	6003417	6003538	yes,JnId_h_8806
279	0,0218	10,21	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	6005590	6005665	yes,JnId_h_8806
279	0,0218	6,52	ENSG00000134452	FBXO18	chr10	+	6009404	6009510	yes,JnId_h_8806
280	0,0222	-2,24	ENSG00000196262	PPIA	chr7	+	44805826	44805998	yes,JnId_b_57321
281	0,0225	2,3	ENSG00000163399	ATP1A1	chr1	+	116732276	116732389	no
282	0,0231	-4,12	ENSG00000115825	PRKD3	chr2	-	37398434	37398541	no
282	0,0231	-2,34	ENSG00000115825	PRKD3	chr2	-	37355068	37355344	yes,JnId_b_36458
283	0,0233	-4,79	ENSG00000159692	CTBP1	chr4	-	1232704	1232925	yes,JnId_h_60568
283	0,0233	2,12	ENSG00000159692	CTBP1	chr4	-	1211987	1212131	yes,JnId_b_48510;JnId_b_48508
283	0,0233	2,82	ENSG00000074319	TSG101	chr11	-	18494222	18494287	yes,JnId_h_12796
283	0,0233	-2,33	ENSG00000074319	TSG101	chr11	-	18458438	18458758	no
285	0,024	-3,19	ENSG00000126602	TRAP1	chr16	-	3707423	3707521	no
286	0,0242	-3,02	ENSG00000159461	AMFR	chr16	-	55016486	55016804	no

286	0,0242	2,6	ENSG000000159461	AMFR	chr16	-	55005665	55005757	no
286	0,0242	-2,83	ENSG000000159461	AMFR	chr16	-	54958857	54958940	no
287	0,0246	3,35	ENSG000000182287	AP1S2	chrX	-	15773423	15773560	no
287	0,0246	2,55	ENSG000000182287	AP1S2	chrX	-	15753850	15755416	no
287	0,0246	-2,67	ENSG000000122085	MTERFD2	chr2	-	241682365	241682520	no
287	0,0246	-3,37	ENSG000000122085	MTERFD2	chr2	-	241675180	241677453	no
287	0,0246	-4	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131425975	131426058	yes,JnId_h_69933
287	0,0246	2,14	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131317938	131318150	no
287	0,0246	4,02	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131289438	131289542	no
287	0,0246	3,29	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131267298	131267373	no
287	0,0246	4,81	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131257177	131257274	no
287	0,0246	5,31	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131243434	131245927	yes,JnId_h_69919;JnId_h_69921
287	0,0246	7,04	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131240937	131241083	yes,JnId_h_69919
287	0,0246	4,12	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131232396	131232959	yes,JnId_h_69918;JnId_h_69919
287	0,0246	2,28	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131230292	131231740	no
287	0,0246	-2,38	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131228369	131228467	no
287	0,0246	2,39	ENSG000000079819	EPB41L2	chr6	-	131226471	131226551	yes,JnId_h_69913
290	0,0251	2,78	ENSG000000197530	MIB2	chr1	+	1552317	1552459	no
291	0,0256	2,98	ENSG000000158805	ZNF276	chr16	+	88317169	88317618	no
291	0,0256	3,05	ENSG000000158805	ZNF276	chr16	+	88327391	88327466	no
292	0,0258	-8,9	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34867835	34868049	no
292	0,0258	-12,11	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34897408	34897570	no
292	0,0258	-3,81	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34909972	34910161	no
292	0,0258	-3,81	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34910476	34910616	no
292	0,0258	-15,07	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34911049	34911219	no
292	0,0258	7,95	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34911911	34912103	no
292	0,0258	5,64	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34931994	34932164	no
292	0,0258	6,9	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34933479	34933672	no
292	0,0258	6,3	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34942980	34943134	no
292	0,0258	4,06	ENSG000000065060	C6orf107	chr6	+	34943221	34943371	no
293	0,0258	-2,71	ENSG000000174238	PITPNA	chr17	-	1412585	1412835	yes,JnId_h_32337
293	0,0258	2	ENSG000000174238	PITPNA	chr17	-	1391610	1391684	yes,JnId_h_32331
293	0,0258	4,9	ENSG000000174238	PITPNA	chr17	-	1371623	1371689	no
294	0,0258	-2,9	ENSG000000198833	UBE2J1	chr6	-	90118977	90119338	no
294	0,0258	2,02	ENSG000000198833	UBE2J1	chr6	-	90099524	90099643	yes,JnId_h_69242
295	0,0263	-2,68	ENSG00000009954	BAZ1B	chr7	-	72574093	72574551	no
295	0,0263	2,49	ENSG00000009954	BAZ1B	chr7	-	72518562	72518667	no
296	0,0265	-4,47	ENSG000000105229	PIAS4	chr19	+	3975034	3975118	no
296	0,0265	-4,47	ENSG000000105229	PIAS4	chr19	+	3979144	3979185	no
296	0,0265	-2,14	ENSG000000105229	PIAS4	chr19	+	3984098	3984171	no
297	0,0271	-4,89	ENSG000000086062	B4GALT1	chr9	-	33103772	33103876	no
298	0,0278	2,45	ENSG000000075790	BCAP29	chr7	+	107023548	107023683	no
298	0,0278	4,9	ENSG000000075790	BCAP29	chr7	+	107028078	107028186	no
298	0,0278	-4,01	ENSG000000075790	BCAP29	chr7	+	107049311	107050998	no
298	0,0278	-4,97	ENSG000000075790	BCAP29	chr7	+	107056503	107058401	no
299	0,0282	-2,4	ENSG000000174444	RPL4	chr15	-	64582750	64582921	yes,JnId_h_27017;JnId_h_27021
300	0,0284	-2,16	ENSG000000165637	VDAC2	chr10	+	76650507	76650734	no
300	0,0284	5,87	ENSG000000070770	CSNK2A2	chr16	-	56775665	56775715	yes,JnId_b_24595
300	0,0284	6,1	ENSG000000070770	CSNK2A2	chr16	-	56760015	56760098	yes,JnId_b_24594
300	0,0284	2,41	ENSG000000070770	CSNK2A2	chr16	-	56757989	56758089	no
300	0,0284	2,86	ENSG000000070770	CSNK2A2	chr16	-	56749320	56749758	no
302	0,0285	2,96	ENSG000000164818	HEATR2	chr7	+	781169	781325	no
303	0,0292	2,44	ENSG000000198860	C1orf19	chr1	+	182308584	182309969	no
304	0,0296	-2,1	ENSG000000090520	DNAJB11	chr3	+	187770646	187771448	no
305	0,0301	130,35	ENSG000000206062	Q4G0T4	chr22	+	24236596	24237583	no
306	0,0304	-2,79	ENSG000000105723	GSK3A	chr19	-	47438175	47438591	no
306	0,0304	4,02	ENSG000000105723	GSK3A	chr19	-	47432850	47432933	no
307	0,0304	-2,93	ENSG000000084754	HADHA	chr2	-	26315306	26315376	no
308	0,0305	-4,12	ENSG000000165209	STRBP	chr9	-	125070536	125070676	no
308	0,0305	-2,04	ENSG000000165209	STRBP	chr9	-	125038930	125039066	no
309	0,031	2,55	ENSG000000131653	TRAF7	chr16	+	2163483	2163556	yes,JnId_b_22689
309	0,031	-2,37	ENSG000000172992	DCAKD	chr17	-	40493782	40493912	no
311	0,0311	-4,6	ENSG000000162434	JAK1	chr1	-	65204604	65204775	no
311	0,0311	-2,85	ENSG000000162434	JAK1	chr1	-	65117296	65117419	no

311	0,0311	-2,06	ENSG00000162434	JAK1	chr1	-	65098376	65098533	no
311	0,0311	2,29	ENSG00000162434	JAK1	chr1	-	65076736	65076860	no
311	0,0311	2,19	ENSG00000162434	JAK1	chr1	-	65076203	65076375	no
312	0,0312	-3,26	ENSG00000132341	RAN	chr12	+	129923082	129923127	no
313	0,0322	-2,41	ENSG00000106263	EIF3S9	chr7	+	2361027	2361581	yes,JnId_b_56640;JnId_b_56641;JnId_b_56641
313	0,0322	3,83	ENSG00000106263	EIF3S9	chr7	+	2384850	2384927	yes,JnId_h_70952
313	0,0322	-2,41	ENSG00000106263	EIF3S9	chr7	+	2385295	2385403	yes,JnId_h_70953
313	0,0322	-4,47	ENSG00000106263	EIF3S9	chr7	+	2385555	2385672	no
313	0,0322	-3,03	ENSG00000106263	EIF3S9	chr7	+	2386365	2386904	yes,JnId_h_70956
313	0,0322	-2,01	ENSG00000131473	ACLY	chr17	-	37322199	37322321	no
313	0,0322	5,38	ENSG00000131473	ACLY	chr17	-	37306399	37306428	yes,JnId_h_34987
315	0,0323	-20,18	ENSG00000179222	MAGED1	chrX	+	51562843	51562953	no
315	0,0323	11,84	ENSG00000179222	MAGED1	chrX	+	51653369	51653591	yes,JnId_h_81299
315	0,0323	2,44	ENSG00000179222	MAGED1	chrX	+	51657631	51660132	yes,JnId_h_81307;JnId_h_81308;JnId_h_81308;JnId_h_81309;JnId_h_81309;JnId_h_81310;JnId_h_81310
316	0,0329	3	ENSG00000066827	ZFAT1	chr8	-	135691895	135692080	no
317	0,0341	-2,55	ENSG00000158201	ABHD3	chr18	-	17498077	17498189	no
317	0,0341	2,05	ENSG00000158201	ABHD3	chr18	-	17493129	17493302	no
318	0,0345	-4,27	ENSG00000178028	DMAP1	chr1	+	44451712	44452117	yes,JnId_h_2844
318	0,0345	-2,47	ENSG00000178028	DMAP1	chr1	+	44457315	44457500	no
318	0,0345	-6,67	ENSG00000178028	DMAP1	chr1	+	44457665	44457736	no
318	0,0345	-8,62	ENSG00000178028	DMAP1	chr1	+	44458065	44458137	no
319	0,0355	-2,97	ENSG00000171456	ASXL1	chr20	+	30479789	30479886	yes,JnId_h_50687
320	0,0365	-2,87	ENSG00000196363	WDR5	chr9	+	135995646	135995754	no
320	0,0365	10	ENSG00000196363	WDR5	chr9	+	135997276	135997365	no
320	0,0365	-2,55	ENSG00000196363	WDR5	chr9	+	135997579	135997662	no
320	0,0365	-6,28	ENSG00000196363	WDR5	chr9	+	136006926	136006972	no
320	0,0365	2,28	ENSG00000196363	WDR5	chr9	+	136010636	136010710	no
320	0,0365	6,04	ENSG00000196363	WDR5	chr9	+	136011449	136011536	no
320	0,0365	-7,93	ENSG00000197694	SPTAN1	chr9	+	130395083	130395142	yes,JnId_h_79356;JnId_h_79369
320	0,0365	3,28	ENSG00000197694	SPTAN1	chr9	+	130400500	130400604	yes,JnId_h_79356;JnId_h_79373
320	0,0365	3,35	ENSG00000197694	SPTAN1	chr9	+	130423258	130423356	yes,JnId_h_79392;JnId_h_79395;JnId_h_79396
322	0,0371	2,43	ENSG00000164062	APEH	chr3	+	49692030	49692081	yes,JnId_h_57144
322	0,0371	-2,14	ENSG00000164062	APEH	chr3	+	49694324	49694404	yes,JnId_h_57154
323	0,0375	3,33	ENSG00000198315	ZNF192	chr6	+	28225240	28225381	no
323	0,0375	3,1	ENSG00000198315	ZNF192	chr6	+	28227602	28227693	no
324	0,039	-14,9	ENSG00000175756	AURKAIP1	chr1	-	1299948	1300738	yes,JnId_h_162;JnId_h_163;JnId_h_163
324	0,039	4,4	ENSG00000078902	TOLLIP	chr11	-	1268033	1268215	no
324	0,039	3,7	ENSG00000078902	TOLLIP	chr11	-	1266430	1266582	no
324	0,039	-3,5	ENSG00000078902	TOLLIP	chr11	-	1263808	1263898	no
326	0,0391	-3,04	ENSG00000108786	HSD17B1	chr17	+	37954758	37958574	no
326	0,0391	7,22	ENSG00000108786	HSD17B1	chr17	+	37960213	37960750	no
326	0,0391	-2,49	ENSG00000079459	FDFT1	chr8	+	11697573	11697849	yes,JnId_h_74403;JnId_h_74404
328	0,0395	2,09	ENSG00000176894	PGAM5	chr12	+	131805421	131805819	no
329	0,0396	-2,75	ENSG00000186416	NKRF	chrX	-	118623722	118623886	no
330	0,0403	-2,82	ENSG00000148110	HIATL1	chr9	+	96217261	96217356	no
331	0,0403	11,5	ENSG00000103037	SETD6	chr16	+	57109456	57109636	no
331	0,0403	2,55	ENSG00000103037	SETD6	chr16	+	57110129	57111051	no
332	0,0405	-3,27	ENSG00000144713	RPL32	chr3	-	12855848	12856029	no
333	0,0405	-2,03	ENSG00000076382	SPAG5	chr17	-	23929518	23929673	no
334	0,0414	-3,63	ENSG00000196704	AMZ2_HUMAN	chr17	+	63755310	63756441	yes,JnId_h_36719;JnId_h_36720;JnId_h_36720
334	0,0414	-7,37	ENSG00000196704	AMZ2_HUMAN	chr17	+	63763436	63763612	no
334	0,0414	5,46	ENSG00000196704	AMZ2_HUMAN	chr17	+	63764550	63764892	no
334	0,0414	6,12	ENSG00000138029	HADHB	chr2	+	26330619	26330690	no
334	0,0414	-5,69	ENSG00000138029	HADHB	chr2	+	26330802	26330846	yes,JnId_h_44700
334	0,0414	3,94	ENSG00000138029	HADHB	chr2	+	26339752	26339851	yes,JnId_h_44700
334	0,0414	3,68	ENSG00000138029	HADHB	chr2	+	26353445	26353532	yes,JnId_h_44700
334	0,0414	-2,13	ENSG00000138029	HADHB	chr2	+	26356366	26356487	no
334	0,0414	4,06	ENSG00000138029	HADHB	chr2	+	26361255	26361329	no
334	0,0414	-2,24	ENSG00000110651	CD81	chr11	+	2355096	2355421	no
334	0,0414	-4,47	ENSG00000110651	CD81	chr11	+	2363863	2363962	yes,JnId_h_12168
334	0,0414	-5,39	ENSG00000110651	CD81	chr11	+	2364361	2364445	yes,JnId_h_12168
337	0,0414	2,06	ENSG00000165119	HNRPK	chr9	-	85778021	85778134	yes,JnId_h_77922
337	0,0414	11,77	ENSG00000104447	TRPS1	chr8	-	116668403	116669006	no
337	0,0414	-4,37	ENSG00000104447	TRPS1	chr8	-	116493971	116496488	no

337	0,0414	5,46	ENSG000000129810	SGOL1	chr3	-	20200104	20200300	no
337	0,0414	-4,03	ENSG000000129810	SGOL1	chr3	-	20194767	20194843	no
337	0,0414	-4,67	ENSG000000129810	SGOL1	chr3	-	20187539	20187728	no
340	0,0416	-2,07	ENSG000000196961	AP2A1	chr19	+	54977600	54977793	no
340	0,0416	3,31	ENSG000000196961	AP2A1	chr19	+	55000730	55000846	no
340	0,0416	-3,75	ENSG000000196961	AP2A1	chr19	+	55001750	55002181	no
341	0,0426	-5,63	ENSG000000090487	SPG21	chr15	-	63069056	63069304	no
341	0,0426	3,07	ENSG000000090487	SPG21	chr15	-	63053993	63054138	no
341	0,0426	2,17	ENSG000000090487	SPG21	chr15	-	63048645	63048752	no
342	0,043	2,04	ENSG000000108469	RECQL5	chr17	-	71168630	71168741	no
342	0,043	2,04	ENSG000000108469	RECQL5	chr17	-	71138825	71138924	no
342	0,043	-4,04	ENSG000000108469	RECQL5	chr17	-	71136347	71136437	no
342	0,043	-5,2	ENSG000000108469	RECQL5	chr17	-	71135893	71136117	no
342	0,043	-6,93	ENSG000000108469	RECQL5	chr17	-	71135298	71135367	no
342	0,043	-2,28	ENSG000000108469	RECQL5	chr17	-	71134530	71135197	no
343	0,0431	5,04	ENSG000000157514	TSC22D3	chrX	-	106904986	106905645	no
344	0,0431	2,24	ENSG000000132463	GRSF1	chr4	-	71908875	71908949	no
345	0,0434	-2,24	ENSG000000010810	FYN	chr6	-	112300864	112301348	yes,JnId_b_55860
345	0,0434	2,21	ENSG000000010810	FYN	chr6	-	112208462	112208531	yes,JnId_b_55859
345	0,0434	4,23	ENSG000000010810	FYN	chr6	-	112128000	112128164	no
345	0,0434	-4,06	ENSG000000010810	FYN	chr6	-	112127411	112127566	yes,JnId_h_69667
346	0,044	3,51	ENSG000000057252	SOAT1	chr1	+	177575196	177575303	no
346	0,044	5,05	ENSG000000057252	SOAT1	chr1	+	177576786	177577068	no
346	0,044	6,03	ENSG000000057252	SOAT1	chr1	+	177577872	177577950	no
346	0,044	3,15	ENSG000000057252	SOAT1	chr1	+	177578620	177578701	no
347	0,0452	-4,19	ENSG000000118482	PHF3	chr6	+	64403700	64404014	no
347	0,0452	-2,59	ENSG000000118482	PHF3	chr6	+	64414391	64414659	yes,JnId_h_68848
347	0,0452	-2,56	ENSG000000118482	PHF3	chr6	+	64466072	64466216	no
347	0,0452	2,55	ENSG000000118482	PHF3	chr6	+	64466298	64466454	no
347	0,0452	4,69	ENSG000000118482	PHF3	chr6	+	64473878	64474073	no
347	0,0452	-2,44	ENSG000000118482	PHF3	chr6	+	64479022	64479217	no
348	0,0453	4,85	ENSG000000107372	ZFAND5	chr9	-	74168206	74168342	yes,JnId_h_77775
348	0,0453	6,57	ENSG000000107372	ZFAND5	chr9	-	74164154	74164257	no
349	0,0455	2,55	ENSG000000006712	PAF1	chr19	-	44571960	44572026	no
349	0,0455	2,46	ENSG000000084070	SMAP1L	chr1	+	40651275	40651361	yes,JnId_b_2055
351	0,0461	2,09	ENSG000000122406	RPL5	chr1	+	93071690	93071805	yes,JnId_h_4220;JnId_h_4221;JnId_h_4224;JnId_h_4225;JnId_h_4222
352	0,0464	3,67	ENSG000000025796	SEC63	chr6	-	108310885	108311043	no
353	0,0466	2,63	ENSG000000167716	WDR81	chr17	+	1581112 1581302	no	
353	0,0466	-3,47	ENSG000000167716	WDR81	chr17	+	1582710 1582875	no	
354	0,0473	3,63	ENSG000000115207	GTF3C2	chr2	-	27433110	27433372	yes,JnId_h_44887
354	0,0473	-17,16	ENSG000000115207	GTF3C2	chr2	-	27432458	27432863	yes,JnId_h_44886;JnId_h_44888
354	0,0473	4,98	ENSG000000115207	GTF3C2	chr2	-	27405215	27405302	yes,JnId_h_44870
354	0,0473	-2,35	ENSG000000115207	GTF3C2	chr2	-	27404839	27404967	yes,JnId_h_44868
355	0,0477	4,12	ENSG000000084092	C4orf14	chr4	-	57527543	57527659	no
356	0,0484	-9,52	ENSG000000148384	INPP5E	chr9	-	138449013	138449136	no
356	0,0484	3,03	ENSG000000148384	INPP5E	chr9	-	138447428	138447552	no
356	0,0484	10,57	ENSG000000148384	INPP5E	chr9	-	138446752	138446859	no
356	0,0484	3,75	ENSG000000148384	INPP5E	chr9	-	138446097	138446258	no
356	0,0484	6,54	ENSG000000148384	INPP5E	chr9	-	138445275	138445390	no
356	0,0484	7,04	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150272060	150272134	no
356	0,0484	5,52	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150260195	150260284	yes,JnId_h_59540
356	0,0484	-3,46	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150255780	150255877	no
356	0,0484	4,66	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150250709	150250852	no
356	0,0484	-2,89	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150248505	150248640	no
356	0,0484	2,25	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150246557	150246736	no
356	0,0484	3,92	ENSG000000071794	HLTF	chr3	-	150240508	150240633	no
358	0,0487	-3,19	ENSG000000175215	CTDSP2	chr12	-	56526422	56526789	no
358	0,0487	-2,12	ENSG000000175215	CTDSP2	chr12	-	56507602	56507640	yes,JnId_b_14709
359	0,0487	-5,01	ENSG000000131747	no_name	chr17	-	35801846	35801883	yes,JnId_h_34884;JnId_h_34885
360	0,0491	-3,35	ENSG000000130724	CHMP2A	chr19	-	63758167	63758298	no
361	0,0494	-2,19	ENSG000000172534	HCFC1	chrX	-	152868198	152868261	no
362	0,0495	-2,53	ENSG000000104774	MAN2B1	chr19	-	12636606	12636799	no
362	0,0495	2,48	ENSG000000104774	MAN2B1	chr19	-	12621727	12621828	no
363	0,0496	3,72	ENSG000000078140	HIP2	chr4	+	39415435	39415532	no

364	0,0496	-3,78	ENSG00000105576	TNPO2	chr19	-	12692693	12692804	no
364	0,0496	2,17	ENSG00000105576	TNPO2	chr19	-	12691075	12691150	no
364	0,0496	-2,87	ENSG00000105576	TNPO2	chr19	-	12683367	12683427	no
364	0,0496	-2,05	ENSG00000105576	TNPO2	chr19	-	12672967	12673057	no
365	0,0498	3,04	ENSG00000164944	KIAA1429	chr8	-	95625231	95625346	no
365	0,0498	-2,63	ENSG00000164944	KIAA1429	chr8	-	95616243	95616411	no
365	0,0498	6,19	ENSG00000164944	KIAA1429	chr8	-	95587904	95588121	no
365	0,0498	2,15	ENSG00000164944	KIAA1429	chr8	-	95580778	95580910	no
365	0,0498	-3,19	ENSG00000164944	KIAA1429	chr8	-	95576264	95576360	no