

8 Anhang

Tab. 8: Neun ausgewählte Proteine, die beim Screening von Patienten und Kontrollseren auf Proteinchips detektiert wurden. Proteine, deren Verhältnis Gesamtdurchschnittswert aller Patienten ($\emptyset P$) / Gesamtdurchschnittswert aller Kontrollen ($\emptyset K$) in mindestens einer Verdünnungsstufe größer als zwei war. Die Werte der Signalstärken jedes Proteins der Patientenserien wurden durch den Gesamtdurchschnitt der Kontrollseren dividiert. Als relevant berücksichtigt wurden die Werte größer zwei (orange markiert).

Sequenz	Patientenserien																$\emptyset P / \emptyset K$		
	2	4	7	8	13	22	23	24	25	26	31	36	37	39	40	42		61	
NDRF gene for neuro-D-related factor	uv	1,10	0,58	1,18	2,07	1,97	0,62	0,86	0,27	68,06	1,06	2,56	0,31	10,94	1,13	0,39	0,12	0,78	5,53
	1:2	0,97	0,72	0,84	1,21	1,51	0,70	0,69	0,27	4,63	1,23	16,4	0,36	4,51	1,17	0,19	0,03	0,03	2,08
	1:5	1,17	4,23	3,46	2,47	7,19	2,46	1,85	0,70	0,91	0,50	0,41	1,06	0,77	2,43	0,50	0,06	0,03	1,78
clone IMAGE:4826767	uv	1,08	0,24	5,88	14,63	1,21	0,35	0,37	17,3	0,05	0,03	0,03	0,26	8,76	1,37	0,04	0,23	0,44	3,07
	1:2	0,64	0,35	1,67	17,29	1,73	0,43	0,70	20,6	0,34	0,58	0,03	0,72	0,42	0,85	0,10	0,07	0,15	2,74
	1:5	0,26	0,54	1,85	15,62	2,48	1,41	1,08	18,4	0,17	4,24	9,08	1,24	0,35	1,91	0,10	0,07	0,08	3,47
hypothetical protein FLJ30901	uv	0,65	0,55	0,94	1,02	1,81	4,85	0,49	0,64	0,10	2,05	0,07	0,45	0,44	1,16	0,53	0,57	0,83	1,01
	1:2	1,65	0,94	2,25	3,90	3,56	1,41	1,04	1,65	0,13	1,73	1,06	0,55	0,82	1,55	0,52	0,35	0,31	1,38
	1:5	10,4	4,91	12,09	12,41	22,06	7,00	5,50	8,97	2,47	14,0	1,25	4,06	2,16	3,88	1,34	0,03	0,19	6,63
regulator of G-protein signalling 19	uv	2,80	0,58	1,13	1,49	2,87	0,54	0,63	0,70	0,07	1,95	0,09	0,40	0,53	0,79	0,43	0,43	0,72	0,95
	1:2	4,59	2,25	4,19	7,61	10,64	2,28	2,97	2,32	0,74	8,37	0,69	1,31	2,25	3,43	0,47	0,24	0,15	3,21
	1:5	10,1	5,07	7,56	10,26	45,97	10,3	6,73	7,46	8,52	58,6	2,21	3,04	4,91	2,91	1,38	0,08	2,57	11,03
complement component 3 (C3)	uv	1,04	1,60	1,96	1,90	3,64	10,91	0,62	0,99	0,81	0,37	2,17	0,46	0,44	16,3	0,52	0,66	0,53	2,64
	1:2	0,28	0,14	0,27	0,36	3,02	0,22	2,89	0,09	0,01	0,53	0,14	0,08	0,06	0,11	0,14	0,06	0,17	0,51
	1:5	1,87	0,73	1,34	1,52	1,73	2,95	10,1	1,15	0,29	1,07	2,35	0,40	0,38	22,5	0,40	2,12	1,01	3,06
heterogeneous nuclear ribonucleoprotein A1	uv	2,37	0,31	1,66	16,41	1,19	0,25	4,12	0,64	11,3	0,02	0,00	0,24	12,0	0,51	0,50	0,55	0,76	3,10
	1:2	3,89	0,37	1,34	14,77	1,56	0,33	4,06	0,66	15,5	1,38	0,93	0,39	5,54	0,69	0,41	0,32	0,50	3,10
	1:5	2,11	0,20	0,69	1,44	0,77	0,32	0,50	0,94	15,2	1,51	0,85	0,44	1,40	0,21	0,44	0,20	0,22	1,61
Homo sapiens TRAF family member-associated NFkB activator (TANK)	uv	1,97	1,27	3,33	2,45	4,83	0,93	1,16	1,96	0,32	1,22	0,06	0,51	0,33	1,35	0,74	0,25	17,17	2,34
	1:2	1,05	0,62	1,16	1,84	3,89	0,95	1,10	1,02	4,43	1,01	0,51	0,59	0,33	1,29	0,18	0,05	4,47	1,44
	1:5	2,53	1,23	1,41	2,43	2,28	3,41	1,05	0,75	1,86	6,19	1,11	0,23	0,46	0,63	0,54	0,26	0,01	1,55
Human ribosomal DNA complete repeating unit	uv	0,15	0,21	8,87	7,22	8,74	1,29	0,44	0,26	0,02	0,05	0,06	9,57	1,48	0,65	0,13	0,19	0,29	2,33
	1:2	1,01	0,61	9,63	3,88	3,24	1,33	1,24	0,61	0,00	1,46	0,02	2,26	0,22	1,53	0,22	0,22	0,28	1,63
	1:5	0,11	0,08	1,77	0,65	0,22	0,24	0,05	0,05	0,08	0,23	0,01	0,03	0,04	0,04	0,05	0,03	0,01	0,22
Homo sapiens interleukin-1 receptor associated kinase 1b (IRAK)	uv	3,92	0,61	1,10	1,78	3,77	0,51	1,05	0,94	52,5	0,30	0,06	0,45	0,75	2,30	0,30	0,94	0,88	4,24
	1:2	1,97	1,37	3,07	8,52	3,39	1,04	1,33	1,52	0,56	9,28	0,64	0,66	0,67	2,06	0,79	6,32	1,10	2,60
	1:5	6,51	2,18	1,73	3,05	4,39	1,45	1,02	0,59	39,7	10,5	1,08	0,28	0,84	1,19	0,11	0,08	0,19	9,97