

10. Tabellenverzeichnis

Tabelle 1: Verwendete Zelllinien. _____	18
Tabelle 2: Sequenzen der verwendeten Sequenzierungsprimer. _____	19
Tabelle 3: Primer für LoH-Analyse auf 8p11. _____	21
Tabelle 4: Verwendete Klone für die Sondenherstellung zur Northern Hybridisierung. _____	25
Tabelle 5: Restriktionsenzyme für die Linearisierung und RNA-Polymerasen für die <i>in vitro</i> Transkription für die jeweiligen Plasmid-Vektoren _____	28
Tabelle 6: Sequenzen der verwendeten Primer und Sonden sowie ihre jeweiligen Endkonzentrationen und die resultierenden Produktgrößen. _____	37
Tabelle 7: Peptide für die Kaninchen-Immunisierung _____	45
Tabelle 8: Antikörper für Immunfluoreszenz-Färbung. _____	49
Tabelle 9: Elektronischer Northern für <i>Tensin</i> in 21 humanen Geweben. _____	60
Tabelle 10: Elektronischer Northern von <i>SFRP1</i> in 21 humanen Geweben. _____	61
Tabelle 11: Auswertung der RNA <i>in situ</i> Färbungen von <i>Tensin</i> . _____	66
Tabelle 12: SFRP1 Expression im Tumorgewebe versus Normalgewebe mit Bezug auf klinische Parameter (Brusttumorkollektiv, Institut für Pathologie, Charité). _____	77
Tabelle 13: Beziehung zwischen SFRP1 Expression und verschiedenen klinischen Parametern in Patienten mit invasivem Brustkarzinom. _____	79
Tabelle 14: SFRP1-Expression in verschiedenen Progressionsstadien vom Mamma-Normalgewebe über benigne Veränderungen bis zum <i>in situ</i> Karzinom (DCIS/LCIS). _____	80
Tabelle 15: Klinikopathologische Eigenschaften der Patientinnen mit invasiven Brusttumoren auf dem Prognostik-TMA und Histologie der Gewebe des Progressions-TMAs. _____	131
Tabelle 16: Primersequenzen für die Mutationsanalyse von <i>SFRP1</i> . _____	132
Tabelle 17: Primersequenzen für die Mutationsanalyse von <i>Tensin</i> . _____	133