

Zielsetzung

Der Zelladhäsionsrezeptor CEACAM1 ist in epithelialen, endothelialen und hematopoietischen Zellen exprimiert und beeinflusst verschiedene grundlegende zelluläre Funktionen, z.B. Migration, Differenzierung oder Organisation in höhere Strukturen (Angiogenese, Lumenbildung von Brustepithelzellen), aber auch Proliferation und Apoptose. Welche Funktion durch CEACAM1 reguliert wird und die Art der Beeinflussung (z.B. positive oder negative Regulation der Proliferation) hängt vom Zelltyp und vom biologischen Hintergrund der spezifischen Zelle ab. Wie CEACAM1 diese verschiedenen Aufgaben koordiniert, oder wie die Mechanismen dieser Regulationen aussehen, ist noch weitgehend unbekannt.

Das Ziel dieser Arbeit war die Identifizierung neuer, direkter intrazellulärer Interaktionspartner von CEACAM1-L mithilfe des Yeast-Two-Hybrid-Systems. Diese Interaktionspartner und ihre Bindung an CEACAM1-L sollten dann *in vitro* und *in vivo* charakterisiert werden und Aufschluss über den Mechanismus bereits bekannter oder auch neuer Funktionen von CEACAM1-L geben.