

Inhaltsverzeichnis

1. Literaturübersicht.....	1
1.1. Einleitung	1
1.2 Das intestinale Ökosystem.....	3
1.2.1 Methodische Ansätze zur Charakterisierung intestinaler Bakteriengemeinschaften	3
1.2.2 Die Mikrobiota des Verdauungstrakts.....	8
1.2.3 Wechselbeziehungen zwischen Wirt und Mikrobiota.....	9
1.2.4 Die bakterielle Zusammensetzung im Verdauungstrakt des Schweines.....	12
1.3 Probiotika.....	15
1.3.1 Definitionen.....	15
1.3.2 Einsatzgebiete von Probiotika.....	15
1.3.3 Anforderungen an Probiotika	16
1.3.4 Vermutete und bestätigte Wirkmechanismen von Probiotika.....	17
1.3.4.1 Auswirkungen auf Mikrobiota und pathogene Mikroorganismen	17
1.3.4.2 Auswirkungen auf das Immunsystem	19
1.3.4.3 Andere Effekte von Probiotika.....	20
1.3.5 Das Probiotikum <i>Enterococcus faecium</i> NCIMB 10415	22
2. Material und Methoden.....	24
2.1 Tiere und Haltungsbedingungen	24
2.2 Aufteilung der Versuchsgruppen	24
2.3 Versuchsdiäten	25
2.4 Zootechnische Leistungen.....	26
2.4.1 Leistungsdaten der Sauen.....	26
2.4.2 Lebendmasse, Futteraufnahme und Futterverwertung der Ferkel.....	26
2.4.3 Durchfall / Kotkonsistenz.....	26
2.5 Probengewinnung	27
2.5.1 Gewinnung der Futterproben	27
2.5.2 Gewinnung der Kotproben	27
2.5.3 Gewinnung der Proben aus dem Verdauungstrakt	27
2.6 Messung von Stoffwechselprodukten in Digesta.....	28
2.6.1 NH ₄ ⁺ -Bestimmung in Digesta mittels Ionen- selektiver Elektrode	28
2.6.2 Enzymatische Bestimmung von Laktat.....	28
2.6.3 Gaschromatographische Messung der flüchtigen Fettsäuren (FFS)	29
2.6.4 pH- Messung in Mageninhalt.....	29

2.7	Mikrobiologische Methoden	30
2.7.1	Bestimmung der Zellzahlen von Enterokokken	30
2.7.1.1	Kultivierung von Enterokokken aus Kot, Digesta und Futter	30
2.7.1.2	Nachweis des Probiotikums in Futter, Kot und Digesta	30
2.7.2	Zellzahlen von Milchsäurebakterien, Coliformen und Gesamt- Anaerobiern	31
2.8	Molekularbiologische Methoden	32
2.8.1	Herstellung der Ziel- DNA für die Polymerase- Kettenreaktion	32
2.8.1.1	Ziel- DNA aus Bakterienkolonien bzw. Kultur	32
2.8.1.2	Extraktion der Gesamt-Nukleinsäuren aus Digesta und Kot	32
2.8.1.3	DNA-Reinigung der Rohextrakte.....	33
2.8.1.4	Messung des Gesamt-DNA-Gehaltes.....	33
2.8.2	Spezifische Koloniehybridisierung von <i>E. faecium</i> NCIMB 10415	33
2.8.2.1	Herstellung der <i>E. faecium</i> NCIMB 10415- spezifischen DNA-Sonde	33
2.8.2.2	Kolonietransfer.....	34
2.8.2.3	DNA-DNA- Hybridisierung.....	35
2.8.2.4	Detektion Chemolumineszenz- positiver Kolonien	35
2.8.2.5	Dokumentation der Chemolumineszenssignale	35
2.8.2.6	Darstellung der Daten.....	36
2.8.3	Untersuchung des Versuchstierbestandes auf das Vorkommen pathogener <i>E. coli</i> mittels Multiplex – Polymerase- Kettenreaktion (mPCR)	36
2.8.3.1	Primersequenzen zum Nachweis von <i>E. coli</i> - Virulenzfaktoren.....	37
2.8.3.2	<i>E. coli</i> - mPCR- Mastermix.....	38
2.8.3.3	PCR Programm für <i>E. coli</i> - mPCR	38
2.8.3.4	Agarose- Gelektrophorese für die mPCR.....	38
2.8.4	Untersuchungen zur fäkalen mikrobiellen Diversität mit Hilfe der denaturierenden Gradienten- Gel- Elektrophorese (DGGE).....	39
2.8.4.1	PCR für die DGGE.....	40
2.8.4.2	Polyacrylamid- Gradienten-Gel für die DGGE.....	41
2.8.4.3	Gelfärbung.....	41
2.8.4.4	Auswertung der Bandenmuster	41
2.9	Statistische Untersuchungen	43
3.	Ergebnisse	44
3.1	Leistungsparameter	44
3.1.1	Lebendmasse, Wurfgröße sowie Ferkelverluste der Sauen	44

3.1.2 Leistungsdaten der Ferkel	45
3.1.3 Kotkonsistenz / Durchfall.....	45
3.2 Bakterielle Stoffwechselprodukte in Darminhalt.....	46
3.2.1 Ammoniak- Konzentrationen in Digesta.....	46
3.2.2 Konzentrationen von Gesamt- Laktat in Digesta	47
3.2.3 Flüchtige Fettsäuren (FFS) in Digesta	48
3.2.4 pH-Werte in Mageninhalt von Ferkeln	48
3.3 Nachweis bakterieller Gruppen in Digesta durch selektive Kultivierung.....	49
3.4 Spezifische Zellzahlen des Probiotikums in Kot und Digesta	49
3.4.1 Kultivierung von Enterokokken	49
3.4.2 Spezifische Zellzahlen des Probiotikums im Futter	50
3.4.3 Koloniehybridisierung und spezifische Zellzahlen aus Kot.....	51
3.4.4 Koloniehybridisierung und spezifische Zellzahlen aus Digesta	52
3.5 Multiplex-Polymerase-Kettenreaktion für <i>E. coli</i> - Pathogenitätsfaktoren	53
3.5.1 Zellzahlen der Coliformen in Sauen- und Ferkelkot.....	53
3.5.2 Nachweis ausgewählter Pathogenitätsgene aus fäkalen <i>E. coli</i> - Isolaten	54
3.6 Denaturierende Gradienten-Gel- Elektrophorese (DGGE).....	57
3.6.1 Ähnlichkeiten der bakteriellen Zusammensetzung in Ferkelkot.....	57
3.6.1.1 Sörensen- Ähnlichkeitswerte.....	57
3.6.1.2 UPGMA- Dendrogramme	60
3.6.2 Bakterielle Diversität im Kot	63
4. Diskussion	64
4.1 Hintergrund und Ziel der Arbeit	64
4.2 Leistungsdaten der Versuchtiere	65
4.2.1 Lebendmasseentwicklung und Futterverwertung.....	65
4.2.2 Durchfall und Ferkelverluste.....	66
4.3 Bakterielle Zellzahlen und Stoffwechselaktivitäten in Digesta	69
4.3.1 Zellzahlen in Digesta und Kot.....	69
4.3.1.1 Nachweis des Probiotikums	69
4.3.1.2 Gesamt- Enterokokken und <i>E. faecium</i> NCIMB 10415.....	69
4.3.1.3 Bakterielle Zellzahlen in Digesta	71
4.3.2 Bakterielle Stoffwechselaktivität in Digesta	73
4.4 Molekularbiologischer Nachweis von <i>E. coli</i> - Pathogenitätsgenen im Kot	77
4.5 Diversität und Ähnlichkeit der fäkalen Bakteriengemeinschaft im Gruppenvergleich	81

4.6	Schlussfolgerungen	83
5.	Literaturverzeichnis	85
6.	Anhang	117
6.1	Versuchsrationen.....	117
6.2	Nährmedien für die Mikrobiologie	119
6.3	Puffer und Lösungen für die Molekularbiologie	120
6.3.1	Lösungen für die Nukleinsäure-Extraktion	120
6.3.2	Lösungen für die Gel- Elektrophorese (mPCR, DGGE).....	120
6.3.3	Lösungen für die Koloniehybridisierung	122
6.4	Ammoniak- Konzentrationen in Digesta	124
6.5	Laktat- Konzentrationen in Digesta	125
6.6	Flüchtige Fettsäuren in Digesta.....	126
6.7	Bakterielle Zellzahlen in Digesta.....	128
6.8	Pathogenitätsgene in <i>E. coli</i> - Isolaten aus Ferkelkot	130
7.	Zusammenfassung.....	131
8.	Summary.....	133
9.	Lebenslauf.....	135
10.	Selbständigkeitserklärung.....	136