

## 4 Tabellenverzeichnis

<i>Tabelle 1.1: Zelllinien, Kulturmedien und Puffer in der Zellkultur.</i>	32
<i>Tabelle 1.2: Reagenzien in der SDS-PAGE und Western Blot Analyse.</i>	34
<i>Tabelle 1.3: Standardpuffer.</i>	34
<i>Tabelle 1.4: Verwendete Vektoren.</i>	36
<i>Tabelle 1.5: In der Klonierung verwendete Primer („+“: vorwärts, „-“: rückwärts).</i>	39
<i>Tabelle 2.1: Primer zur Generierung der Sonden-Template im DNaseI Hypersensitivitätsassay.</i>	43
<i>Tabelle 2.2: Im DNaseI Hypersensitivitätsassay verwendete Reagenzien und Puffer.</i>	45
<i>Tabelle 3.1: Primersätze in der LM-PCR.</i>	50
<i>Tabelle 3.2: Linker-Primer und verwendete Puffer.</i>	51
<i>Tabelle 4.1: Auf dem tPA-Gen identifizierte, native DNaseI hypersensitive Regionen.</i>	69
<i>Tabelle 4.2: Darstellung der durch in vivo Footprinting identifizierten putativen Transkriptionsfaktoren.</i>	81
<i>Tabelle 4.3: Alphabetisch geordnete Darstellung der Ergebnisse aus den in vivo Footprint-Experimenten.</i>	83