

## Anhang

**Tabelle 1 Anhang: Übersicht der identifizierten Proteine der Geburtsphase.** Darstellung der Proteinidentität, Molekulargewicht (MW), isoelektrischer Punkt (pI) und Proteinfunktion.

Nummer	Proteinidentität	MW (kDa)	pI	Proteinfunktion
1	Desmin	53	5,21	Zytoskeletales Protein
2	Troponin T2	34	5,24	Strukturprotein
3	Troponin T2	34	5,24	Strukturprotein
4	Aktin, alpha	42	5,23	Zytoskeletales Protein
5	Aktin, alpha	42	5,23	Zytoskeletales Protein
6	Tropomyosin 5	29	4,75	Zytoskeletales Protein
7	Tropomyosin 4	28	4,65	Zytoskeletales Protein
8	Tyrosin 3-monooxygenase	28	4,8	Adaptermolekül, Signaltransduktion
9	Proteasome subunit alpha type 5	26	4,74	Proteinmetabolismus
10	Chloride intracellular channel 1	27	5,1	Ligand, Speicherung/Transport
11	Prohibitin	30	5,6	Adaptermolekül, Signatransduktion
12	Prohibitin	30	5,6	Adaptermolekül, Signatransduktion
13	Peroxiredoxin 2	22	5,2	Peroxidase, Energie/Metabolismus
14	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
15	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
16	Peroxiredoxin 2	22	5,2	Peroxidase, Energie/Metabolismus
17	Peroxiredoxin 2	22	5,2	Peroxidase, Energie/Metabolismus
18	Peroxiredoxin 2	22	5,2	Peroxidase, Energie/Metabolismus
19	Peroxiredoxin 2	22	5,2	Peroxidase, Energie/Metabolismus
20	ATP-synthase, delta	60	5,03	Transportprotein, Energie/Metabolismus
21	TCEB2	13	4,88	Regulatorprotein
22	TCEB2	13	4,88	Regulatorprotein
23	Uneindeutige Identifizierung			
24	Ubiquinol Cytochrome C reductase	10	4,81	Reduktase, Energie /Metabolismus
25	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
26	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
27	Peroxiredoxin 6	25	5,71	Peroxidase, Energie/Metabolismus
28	Peroxiredoxin 6	25	5,71	Peroxidase, Energie/Metabolismus
29	Peroxiredoxin 6	25	5,71	Peroxidase, Energie/Metabolismus
30	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
31	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
32	Cytochrome C oxidase subunit Vb	14	8,7	Oxidoreduktase, Energie/Metabolismus
33	Mix: 1. Fatty acid binding protein 4 2. 13K Protein	15 14	8,53 8,70	1. Chaperone, Zellkommunikation

				2. Oxidoreduktase, Energie/Metabolismus
34	ATP synthase alpha	60	9,22	Transportprotein, Energie/Metabolismus
35	Peroxiredoxin 1	22	8,26	Peroxidase, Energie/Metabolismus
36	3,2 trans-enoyl CoA Isomerase	32	9,12	Isomerase
37	Coiled coil Helix	26	8,56	-
38	Phosphoglycerat mutase 2	29	8,7	Mutase, Energie/Metabolismus
39	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
40	NADH-Dehydrogenase 1 alpha subcomplex	13	7,82	Dehydrogenase, Energie/Metabolismus
41	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
42	Hämoglobin beta	16	7,27	Transportprotein
43	Hämoglobin beta	16	7,27	Transportprotein
44	Alpha-1-Globin	13	6,78	Transportprotein
45	Alpha-1-Globin	13	6,78	Transportprotein
46	Hämoglobin beta	16	7,27	Transportprotein
47	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
48	Annexin A2	50	7,55	Kalzium bindendes Protein, Signaltransduktion
49	Phosphatidylethanolamine binding protein PEBP	21	5,19	Serinproteaseinhibitor

**Tabelle 2 Anhang: Übersicht der identifizierten Proteine der Adultphase.** Darstellung der Proteinidentität, Molekulargewicht (MW), isoelektrischer Punkt (pI) und Proteinfunktion.

Nummer	Proteinidentität	MW (kDa)	pI	Proteinfunktion
1	$\alpha$ 1-Antitrypsin 1-1	61	4	Serinproteaseinhibitor
2	$\alpha$ 1-Antitrypsin 1-3	61	4	Serinproteaseinhibitor
3	$\alpha$ 1-Antitrypsin 1-4	61	4	Serinproteaseinhibitor
4	$\alpha$ 1-Antitrypsin 1-1	61	4	Serinproteaseinhibitor
5	$\alpha$ 1-Antitrypsin 1-3	61	4	Serinproteaseinhibitor
6	$\alpha$ 1-Antitrypsin 1-5	61	4	Serinproteaseinhibitor
7	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
8	Aktin, alpha	42	5,23	Zytoskeletales Protein
9	Aktin, alpha	42	5,23	Zytoskeletales Protein
10	Troponin T2	34	5,24	Strukturprotein
11	Troponin T2	34	5,24	Strukturprotein
12	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
13	RIKEN cDNA 2310005O14	35	5,6	-
14	Tyrosin 3-monooxygenase	28	4,8	Adaptermolekül, Signaltransduktion
15	Tropomyosin 4	28	4,65	Zytoskeletales Protein
16	Tropomyosin 4	28	4,65	Zytoskeletales Protein
17	Rho GDP Dissoziationsinhibitor	23	5,2	Signaltransduktion
18	Rho GDP Dissoziationsinhibitor	23	5,2	Signaltransduktion
19	Proteasome subunit alpha type 3	28	5,3	Systemprotein, Proteinsynthese/Faltung
20	Prohibitin	30	5,6	Adaptermolekül, Signatransduktion
21	Heat shock protein 27 (HSP27)	23	6,12	Chaperone, Proteinsynthese/Faltung
22	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
23	NADH-Dehydrogenase flavoprotein 2	27	7,6	Oxidoreduktase, Energie/Metabolismus
24	Apolipoprotein A1	31	5,5	Lipidmetabolismus
25	Peroxiredoxin 2	22	5,2	Peroxidase, Energie/Metabolismus
26	Myosin Light Chain 2	18	4,5	Strukturprotein
27	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
28	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
29	Ubiquinol Cytochrome C reductase	10	4,81	Reduktase, Energie /Metabolismus
30	Uneindeutige Identifizierung	-	-	-
31	Fatty acid binding protein 3	15	5,67	Transportprotein
32	Fatty acid binding protein 3	15	5,67	Transportprotein
33	Methylcrotonoyl CoA carboxylase 1, alpha chain	79	7,7	Carboxylase, Energie/Metabolismus
34	Methylcrotonoyl CoA carboxylase 1, alpha chain	79	7,7	Carboxylase, Energie/Metabolismus
35	6-Phosphofruktokinase	85	8,24	Phosphotransferase, Energie/Metabolismus
36	6-Phosphofruktokinase	85	8,24	Phosphotransferase, Energie/Metabolismus
37	Cofilin	19	8,22	Zytoskeletales Protein
38	Cofilin	19	8,22	Zytoskeletales Protein
39	Cytochrome C oxidase subunit Vb	14	8,7	Oxidoreduktase, Energie/metabolismus
40	Alpha-1-Globin	13	6,78	Transportprotein
41	2210409H23Rik protein	43	8,24	-

42	Prohibitin	30	5,6	Adaptormolekül, Signatransduktion
43	Prohibitin	30	5,6	Adaptormolekül, Signatransduktion