

Die Expression und Regulation des Wachstumsfaktors GDF-3

Dissertation

zur Erlangung des akademischen Grades
Dr. rer. nat.

eingereicht am FB Biologie, Chemie, Pharmazie
der Freien Universität Berlin

von
Svenja Sethmann

Berlin, März 2002

Diese Arbeit wurde in der Zeit von Oktober 1998 bis Januar 2002 am Deutschen Rheumaforschungszentrum in der AG Prof. R. Lauster angefertigt.

1. Gutachter: Prof. Dr. Roland Lauster
2. Gutachter: Prof. Dr. Volker A. Erdmann

Tag der Disputation: 16.Mai 2002

Inhaltsverzeichnis

1. Einleitung	3
1.1 Das Immunsystem	3
1.1.1 Allgemeiner Aufbau und Funktion des Immunsystems	3
1.1.2 Aufbau und Funktion der Milz	4
1.2 Die TGF β Superfamilie	5
1.3 Der Wachstums- und Differenzierungsfaktor GDF-3	9
1.4 Ziel der Arbeit	11
2. Material und Methoden	12
2.1 Material.....	12
2.1.1 Murines und humanes Gewebe.....	12
2.1.2 Antikörper und MACS MicroBeads.....	12
2.1.3 Plasmide.....	13
2.1.4 Oligonukleotide	13
2.1.5 Geräte.....	14
2.1.6 Enzyme	14
2.1.7 Reaktionskits.....	15
2.1.8 Puffer	15
2.1.9 Chemikalien und Radiochemikalien.....	17
2.1.10 Medien	19
2.1.11 Kunststoffartikel und sonstige Verbrauchsmaterialien	19
2.2 Methoden.....	20
2.2.1 Strategie zur Identifizierung der GDF-3 exprimierenden Zellen.....	20
2.2.2 Isolation der lymphatischen Gewebe.....	20
2.2.3 mRNA Präparation	21
2.2.4 cDNA Präparation	22
2.2.5 Zellsortierung (MACS).....	23
2.2.6 Trennung lymphatischer Zellen durch Adhärenz	25
2.2.7 Durchfluscytometrie (FACS).....	26
2.2.8 Quantitative LightCycler PCR.....	27
2.2.9 Anfertigung histologischer Gewebeschnitte.....	31
2.2.10 <i>In situ</i> Hybridisierung	31
2.2.11 Zellkultur und Zellzahlbestimmung	34

2.2.12 <i>In vitro</i> Stimulation.....	35
2.2.13 <i>In vitro</i> Depletionen.....	35
2.2.14 Immunohistochemie	36
2.2.15 Mechanismus der Regulation der GDF-3 Expression	37
2.2.16 Das GDF-3 'Standard'-Plasmid.....	37
3. Ergebnisse.....	39
3.1 Etablierung der LightCycler PCR.....	39
3.2 GDF-3 Expression in Gesamtgeweben.....	41
3.2.1 GDF-3 Expression in Gesamtgeweben der Maus.....	41
3.2.2 GDF-3 Expression in Gesamtgeweben des Menschen.....	44
3.3 Identifizierung der GDF-3 exprimierenden Zellen.....	45
3.3.1 GDF-3 Expression in definierten Zellpopulationen der Milz.....	46
3.3.2 GDF-3 Expression in definierten Zellpopulationen des Knochenmarks.....	50
3.3.3 Lokalisation der GDF-3 mRNA in histologischen Schnitten der Milz	52
3.4 Regulation der GDF-3 Expression	54
3.4.1 <i>In vitro</i> Stimulationen.....	54
3.4.2 <i>In vitro</i> Depletionen.....	57
3.4.3 Immunohistochemischer Nachweis CD11b positiver Zellen	60
3.4.4 Regulationsmechanismus der GDF-3 Expression durch CD11b positive Zellen.....	61
3.5 GDF-3 Expression in Rag ^{-/-} Mäusen	62
4. Diskussion.....	65
4.1 Etablierung der LightCycler PCR.....	66
4.2 GDF-3 Expression in Gesamtgeweben.....	67
4.3 Identifizierung der GDF-3 exprimierenden Zellen.....	68
4.4 Charakterisierung von Regulationsmechanismen der GDF-3 Expression	69
4.5 GDF-3 Expression in Rag-2 ^{-/-} Mäusen.....	72
4.6 Schlussfolgerung und Ausblick	73
4.6.1 Schlussfolgerung.....	73
4.6.2 Ausblick.....	73
5. Zusammenfassung	76
6. Referenzen.....	77

Summary

The growth and differentiation factor 3 (GDF-3) is unique among the members of the TGF β super family. It is almost exclusively expressed in lymphoid tissues (Mc Pherron and Lee, 1993), suggesting a role for GDF-3 in the maintenance and/or regulation in the immune system.

Combining MACS technology, quantitative RT-PCR, and *in situ* hybridisation, the cellular source of GDF-3 secretion within primary and secondary lymphoid tissues could be identified. Magnetic cell sorting (MACS) was applied to separate distinct cell populations according to their specific surface markers to a high purity. mRNA was isolated from the different cell types, reversely transcribed into cDNA, and analysed by quantitative, sequence-specific PCR utilising the LightCycler system. mRNA from total lymphoid tissues was isolated for comparison. Prior to quantification, all samples were normalised to expression of the housekeeping gene β -Actin. GDF-3 transcript could specifically be detected in B220/Thy1.2/CD11b/CD11c/CD45 negative, adherently growing cells. *In situ* hybridisation of spleen sections revealed the morphological pattern of the GDF-3 expressing cells. They were clearly identified as stromal cells of the red pulp.

To address the question whether GDF-3 expression is regulated, a series of *in vitro* experiments was performed. Stimulation of splenocytes with Lipopolysaccharide (LPS), a bacterial antigen that activates the immune response, leads to a dramatic downregulation of GDF-3 expression. Furthermore, CD11b⁺ cells, CD11c⁺ cells, and DX5⁺ cells were found to be required to maintain GDF-3 expression in culture. Immunohistochemistry showed that CD11b⁺ cells are co-localised with the GDF-3 expressing stromal cells in the red pulp of spleen, suggesting an immediate effect for CD11b⁺ cells in the regulation of GDF-3 expression. If added to CD11b-depleted splenocytes, the CD11b⁺ fraction, but not conditioned medium from total spleen can restore full GDF-3 expression. Therefore, GDF-3 expression is mediated by direct cell contact rather than by a secreted factor.

In conclusion, the data provides strong evidence that GDF-3 is part of the complex ensemble of secreted proteins that govern the immune function.

Danksagung

Ich danke Prof. Dr. Roland Lauster und Prof. Dr. Andreas Radbruch für die Möglichkeit, meine Doktorarbeit am Deutschen Rheumaforschungszentrum anzufertigen. Besonders möchte ich mich bei Roland für das spannende Thema und die stete Unterstützung bedanken. Seine immer offenen Ohren, seine konstruktive Kritik und sein motivierender Optimismus sowie die ausgesprochen angenehme Atmosphäre in seiner Arbeitsgruppe haben maßgeblich zum Gelingen dieser Arbeit beigetragen.

Meiner "Laborfamilie" Luzia Reiners-Schramm, Mark Rosowski, Hendrik Nogai und Daniel Schaumann danke ich für die gute wissenschaftliche Zusammenarbeit und das freundschaftliche Arbeitsklima. Luzie danke ich vor allem für Rat und Tat in fachlichen Fragen und ihre fürsorgliche Art. Marki danke ich für seine unvergleichliche Geduld und Hilfsbereitschaft. Hendrik gilt mein ganz besonderer Dank für die intensiven fachlichen und persönlichen Gespräche. Daniel danke ich seinen frischen wissenschaftlichen Elan.

Mein herzlicher Dank gilt auch Dr. Rudolf Manz. Die vielen fachlichen Diskussionen und seine ansteckende Begeisterung für die Wissenschaft waren besonders während kleinerer Durststrecken eine unverzichtbare Unterstützung. Orissa Bender danke ich für ihre freundschaftliche Hilfe beim FACS und anderen Faxen. PD Dr. Claudia Berek danke ich für die Diskussionen zu immunohistochemischer Fragestellungen.

Weiterhin bedanke ich mich bei Prof. Dr. Veit Krenn von der Pathologie der Charité für die Bereitstellung menschlicher Gewebe und seinen Expertenrat. Gabi Fernal danke ich für die vielen Tips und Tricks zur Histologie.

PD Dr. Andrea Vortkamp vom MPI für Molekulare Genetik danke ich für die Möglichkeit, die ISH in ihrem Labor zu erlernen und durchzuführen; Eleonora Minina für ihre geduldige Hilfe beim Überwinden technischer Hürden.

Olfert Landt und Ulrich Lass von TibMolbiol gebührt mein Dank für die wertvolle Beratung in Sachen LightCycler.

Prof. Volker A. Erdmann danke ich für die Bereitschaft, diese Arbeit zu begutachten.

Schließlich gilt mein besonderer Dank Anthony Celeste vom Genetics Institute in Boston, der mein Interesse für Wachstumsfaktoren bestärkt hat und meine Arbeit durch motivierende Diskussionen aus der Ferne stets unterstützt hat.

Und ich danke Felix für alles, was er für mich getan hat.