

Abbildungsverzeichnis	Seite
Abb. 1: Realisiertes Datenbankschema	14
Abb. 2: Ausgewählte Patientenkenzahlen	19
Abb. 3: Kaplan-Meier-Schätzung für die Wahrscheinlichkeit SMA zu bekommen, in Abhängigkeit von der Liegedauer	30
Abb. 4: Kaplan-Meier-Schätzung für die Wahrscheinlichkeit SMA zu bekommen, in Abhängigkeit von der Beatmungsdauer	30
Abb. 5: Ergebnisse der Pulsfeld-Gel-Elektrophorese von 18 Patientenisolaten der pneumologischen Intensivstation und zwei epidemiologisch nicht verwandten SMA-Isolaten	38

Tabellenverzeichnis	Seite
Tabelle 1: Beispiel einer Vierfeldertafel	15
Tabelle 2: Erregerspektrum auf der pneumologischen Intensivstation	21
Tabelle 3: Antibiotikagruppen mit den einzelnen verabreichten bzw. getesteten Substanzen	22
Tabelle 4: Antibiotikagaben auf der Intensivstation und im Zeitraum von 4 Wochen vor diesem Aufenthalt	24
Tabelle 5: Einzelne verabreichte Antibiotika nach Tagesdosen aufgelistet	25
Tabelle 6: Ergebnisse der Univarianzanalyse verschiedener Risikofaktoren von Patienten mit- und ohne <i>Stenotrophomonas-maltophilia</i> -Nachweis	28
Tabelle 7: Univariate Analyse des ITS-Aufenthaltes in Tagen und der Beatmungsdauer	29
Tabelle 8: Multivariate Analyse der Risikofaktoren für einen <i>Stenotrophomonas</i> -Nachweis	31
Tabelle 9: Ergebnisse der Resistenztestungen der 71 <i>Stenotrophomonas</i> -Isolate	35
Tabelle 10: Übersicht über die Genotypisierung von 18 SMA-Isolaten aus dem Respirationstrakt von acht Patienten der Studie und sieben weiteren Patienten, deren Isolate bereits vor Studienbeginn gewonnen wurden	37