

Tabelle A.2: Vergleich der Proteinsequenzen des Nag1-Genes von typischen und atypischen *C. albicans*-Populationen.

SC5314	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
CBS 562	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
CBS 5983	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
CBS 1905	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM2	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM11	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM82	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM268 (2)	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM335	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM1649	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM1653	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM1654	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM1660	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM1669	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM8621	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM8627	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AM8640	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1587a	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1587b	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1598a	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1598b	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1618	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1622b	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1626	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA1634	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA 579	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
AA 795	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
BP 8	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
BP 17	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
BP 41	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
BP 24	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
BP 31	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
370/97	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
BE 114	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
TA 90	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P
MU 305	R	Q	A	I	F	S	N	P	N	D	A	A	E	Y	L	A	N	Y	I	I	I	K	I	N	S	S	T	P	R	T	F	V	L	G	G	L	P	P	T	G	S	S	P

SC5314	I	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
CBS 562	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
CBS 5983	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
CBS 1905	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM2	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM11	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM82	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM268 (2)	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM335	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM1649	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM1653	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM1654	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM1660	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM1669	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM8621	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM8627	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AM8640	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1587a	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1587b	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1598a	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1598b	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1618	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1622b	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1626	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA1634	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA 579	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
AA 795	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
BP 8	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
BP 17	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
BP 41	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
BP 24	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
BP 31	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
370/97	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
BE 114	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
TA 90	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L
MU 305	T	K	A	N	C	R	F	G	N	D	E	S	K	V	V	G	I	S	T	I	L	D	N	S	D	E	I	A	I	V	L

