Electronic supplementary material S2: Dominant genetic markers with corresponding GenBank Accessions

Marker ID	Source sequence GenBank acc.	origin of source sequence	oligonucleotide sequence*	oligonucleotide sequence*	oligonucleotide sequence*	oligonucleotide sequence*	oligonucleotide sequence*
A00618M	FJ752586	BAC	ATTTTCTTCTTGACGTATTGACGTGGGTGCATGGGATTGGTTGGGTCTGAAAGCACACAA	TATTGACGTGGGTGCATGGGATTGGTTGGG	GGAGACAAATAGGCTGTTTCTAGTTGTCCTTTCTCTGGTGAACCTTGTTTAAATATTTGA	GTTTCTAGTTGTCCTTTCTCTGGTGAACCT	
B00422	BQ586249	EST	GGAAGGTTCTTTATTGGGTTGGCAAGAAGCTCAAAAGAATTGGCCTGTTTTTTGGCAATC		TATTGACGTGGGTGCATGGGATTGGTTGGG		
B03321M	GS923344	BES	GTATCACGCCCAAATGGAACTATTCACCTG	CCCAACCCCTCAAATTCCCATATGAAAATGGATAAGAAATTTTCTGAAACTATTCTGGAA			
B04419	GS923244	BES	AATCAAACCTCGGGAGTACTCGATCTCTTACTCTGTAGTCTTGTCTGCCACTTCTTCTGT		GTTTCTAGTTGTCCTTTCTCTGGTGAACCT		
B12906	GS923221	BES	TGCACTATACAGACACTCTCATTTGACCCTATATTGTGATTCTTACGTACGAAAAGTTAT				
C04645	GS923304	BES	ATAAGTGATGATACTTGGTGAAGCAGCTGAATCTCATCCCGATGTTGCTTCTCGTGTACG				
C05415	GS923234	BES	GCAGCACTTCCACCTTCATAGTAAAGAACATTCAACACCCTTATTATATCTTCTTCTTCT				
D01399M	GS923181	BES	ATCCACCAGTGTTCGCAGGGCAATGCTGTG	AAAGTTTCAGCCTTTTCACAGTCTCTCCACTCGATAAGTTATAGATGTCCCATCTTCACCT	ATTTATCAAAAAATGAATTTACACTTTTCAGAACGATGTGTAGGGGACATTCCTGCCAAG		
D03378M	BQ587074	EST	AGTGATGTGCGGTTAACTCTAGCATTCTTTAGTTAACCTTGATCGTTTCTTTATCCCCCG	TTTTGAAAGGGCCTTACTTTCAACTTGTCTGCTTCATATTCTCAAATTGCCTCACATGG			
E01966	GS923228	BES	CCCAAAAGGCTTCATAGTTCCATTCAAAGAAGCTAATACAAGTTGTGAAGTTGCATAATA				
E09984	GS923331	BES	GAGCTATGCTCATTAGCAAGCAAGGTCGAG				
F03995M	GS923301	BES	AGTCACAGTTTGCCTGCTAAGTTTAAGATACTTTCCATTTTGCCAGTTGATTGGTCA	CCTTACATATTGCCTCCCCATGTTGCATCTAATATGGAACGCATAAAGTATATGATAAAT	CCCCATGTTGCATCTAATATGGAACGCATA		
G00278M	GS923124	BES	TGAATTCAGATCGATATTATCCTCCAAGTGAACTTTTTCCTGCTCAAGAATCTTAGACT	ACTTATCCTCAAGTGAACTTTTTCCTGCT	ATTCATCTAGACCTCCATTACACTGTAAAAACCATACAATTGCTGTTTTCTAGATGAATC		
G11533	GS923303	BES	CGCAGAAGAGTCGTTGTAAAACAAATATTCTCAGCATTTCCTAAGGATTTACTTCTTATG				
G11853	GS923173	BES	ACTTGTCCTCTACCAAGAGAGTCGCACAGCAGGAATCAATACACTAGTGAAAGAT				
H02063	GS923383	BES	AACTCCAAACCCTAATCCTGCTAGTTATTTTTCTCAATCAAAATGTCACATGTATACACAG				
H04801	BQ589479	EST	ACATGTATCACCCTGCTTCCGTGTCAAGGAGGGAGACCATGTCATCATTGGTCAATGCAG				
H12479	GS923380	BES	TTAGTAGATTTAACTCGAGCCTTGAGATGCATACCTAGATTTGATTTTAACCTTGGCAGA				
H13902	GS923379	BES	TGAAGTATTATGTGTTAAAATTCCAATTTATATGATGTTAAGTGCTAAGTGTATAGCCCA				
I02685	GS923130	BES	ACCAACTTCCTTATCCCACTATCCAAGGAA				
I09540	BQ592365	EST	CCAACGTTAGCAGAATCATGAAGAAAGCGT				
I11611	GS923149	BES	TCAATTTTAGTTTTGAGCCTTCCTTGGTGGTTTTTGGGTATTTCTTTTCATCGCGTGTA				
I13956	GS923224	BES	ATGATTGGAATCCCAAAAGCAAGTGTCTTC				
X00021	BQ593611	EST	ATATTACAGATAAGTGGGGTCACTCACCACCCCTCCTTGTGATGAAGGTGTCATATGGA				
X00025	GS923313	BES	GATGAGTGGAGGGTCGCTAGGTATGGTGTG				
X00048	GS923229	BES	GATTAATGAAAAACGTGAAGAGTTCTCTCAATTTGAAAATAGGTGCATTTTCAATCCAAAA				
X00058M	GS923209	BES	CACTGACAAGACAAGAAGCCCAGAAATGAAGATGAGATTGTGTTGAACTCTATTTGGA	TAACAGTCTTGACGTGAAATCATCCACTTTTCTGGTTCTGTAATATAAAAGACAGTCGGA			
X00075	GS923325	BES	TGACACCTCTCACACAGACTTACTCATCTCAATTCTCAAGGACTCTCCTCGATCTTACA				
X00092	GS923182	BES	ACTATACTGGAACTGGATATAGTGGTTAGTTTGATTGGTGGTGGTGTCACTTGTCAAGTGT				
X00095	GS923341	BES	CCCAAAGTGTATTTACTTTGATGTATTGTTTGCCTGACCTTTCCCTTAAAAAGTTGCACAA				
X00170	GS923113	BES	TTATTCAACTTTTTCGCTGTAAATTTTTTGCGAAACAGGAATTGTCGTGAGATATGGCCG				
X00178	GS923168	BES	AATTATCTCGAGCTTTTGGGTCCGACTAA				
X00187M	GS923201	BES	CTCAATGCTCATTTTTTCTCTACGGGAGAAAAAGCAAGGGAAGCAGTCTACCTTTCTTAG	TTCTCTACGGGAGAAAAAGCAAGGGAAGCA	GCTCATAACTAGTCCCTTCCAATTTTCTCCCACATATTAGCAAGTCTAGCATGAATGGTT		
X00199	ED020561	BES	GCCAAAATATATTGCAGTCTTTTCATTACTAGCTTCCAATCCAGAAGTTGCAGCAAAAGC				
X00206	GS923318	BES	CTGCCAAGACAGCTCTTCCCATCATCTCAAGCTTCTTAGTGATGAAGGAGAGTTCACAT				
X00217	GS923139	BES	TTTTCGCCGGTGATTTGTAAGGCGGTACAAAGCTGGAAAGAGAAAGTGAGGAGAATGATG				
X00228	BQ590533	EST	CGAGGTGCATGGTGTACACCTCCACGGTTG				
X00281M	GS923339	BES	GCAGCCCTAACTAATGAAAAACCTAGGGGAAAAGAACAGCTAGGGTTTGAGAGAAAAAAG	ACTAGTTTATTAAACAAAACAAAAATAAAATGAGCTAAAAATTGAAAATAAAAGAAAAAA			
X00305M	DX982970	BES	TATCAATTTGAGATGGATAAGGATGTTGAGACACTGTTGTAGTACCTTGATATTGGCTGTT	AGCCTGTTTTGTCTCTCAACTTGCAACAACATAGAATATGCTCTATTGACATTAGGTAAG			
X00306M	GS923116	BES	GTGAACAATTCAGTGAATAGTTTTTACCTACTTTTGTCATACGTATAGTCCCCCGTATAT	GTCCTTGAAGATTTCCTTGATGCTCATTTTCTACCAATGATTTGGCAGGGATTAATTTAA			
X00353	GS923218	BES	ATGATGTGTGTATGTAGTTGGCCGACTAGGGTGAATCACCACATAGTTACTGGGAAGT				
X00427	GS923287	BES	TGTTTATTTTAGCCTTAGGGTTATTGGGCTTGGCCCAATATTATAAGTTAGGTTGTCCGG				
X00430M	GS923191	BES	AACAGATGCTGTGTGTCCTCTTTTGCTTCATTACATAAAACACAATTGGTAACATTAACC	CTTCTTCAATACCCAAGACATACTAACAACAGGAATTCTCATAGTCCACAAATTGTTGTCTT			
X00448M	GS923235	BES	TAAAATGTTCATCACCTAGTATGGTTTAGTTAACATTATAAGTTAAGTCTAGCAACTAGTT	GTTAAGTCTAGCAACTAGTTCACTGCACACACAACAAATTAAATAGCCATTAATCATCCA			
X00458	CK136330	EST	ATACTGGCCAAGCTTGTTTGCCAAGCTCCTTGAAAAGAAGAGCGTTGAGGACCTTATCAT				
X00468	GS923365	BES	ACAAAATGATCATTAAAAGCCTCAAGACTGTTATCTATGCCTTCATATATCCTTAAAAA				
X00476M	BQ589913	EST	CAGAAGAGCAAGGTGAAGTTCAAGATCATGAGCCTAAAGGTGAAAGGACCAATGGACTAT	CCGCCAGGAGCTATTCTTGGCCCTGGTGAG			
X00559	GS923215	BES	AGCTGTTTGAAAGGTCCCTTGCTTCCCCTTTATTCCTTTGTTTTCCTTGTTACCAGCTTCCA				
X00619	ED567597	BES	GGGCTGGAAATTAACAAGCAGAAGTCAGAGGTATTCTTTACTGGTATGGAATCGGAATGAT				
X00635	GS923350	BES	GCGATATTCGGACACTTGGACATATCTTGGCTTCATCGCCATTGAAATAAAATTAAAATCA				
X00652	ED030307	BES	CTTGGGAATTCCCCCTAAGAGGATTGACAAACAACCGTATCATGTTTTTCTTGAAAAAACAA				
X00737M	GS923387	BES	CAGTTCATGATGAGGATGATGGTGTTGATCTTGAGGAGCCTTCATCAGATGAGGAAGAAG	ATGATGGTGTTGATCTTGAGGAGCCTTCAT	TCTACTCACAGAGGATGGAGAGCCTGAAAACTATCAAGAAGTGTTGTCTCTTGAAGAGAA		
X00743	ED024428	BES	GAGATTCAGAAAATGAAATAAATTTTAACCAGTTAGCCAGTTGCATGGTGCCCAAGTTACGAGGCGATAC				
X00781M	GS923183	BES	GATCACTTAACTCCAACCTAATTCGCATATTAGCCATCACTATGCTAAAAATGTCTTTTC	AGGTCTTATCAACCTTCAAGATTCTGAGAAGAATACACCATTGCACAAAGCTATAGAGAA	TCAAGATTCTGAGAAGAATACACCATTGCA	CATCAAGAATAAGGAGGGGAAATCAGCCATGGATATGTTGGCCGATAAATGCAAGGGGAAATCAGCCATGGATATGTTGGCCGA	
X00850	GS923382	BES	TGGAATATCAATCTAACCACTAGCCACACT				
X00861	ED569922	BES	CTATGAAGAAGACTAAACATATAAAATATGCATAATATATACCAAACGATGAACAATTCAC				
X00876M	GS923299	BES	AACCAATTAAAGATGAAGAATATTAATCTAGCTATCACACTGGACTGACTCAGTATGCAC	TTGTTCGAGCTTCTGATGAATACGGAGAATCGAAATTGGAGTCCATTGAGTGATCTCTAG	ATGAATACGGAGAATCGAAATTGGAGTCCA		
X00959	BQ582629	EST	GCCTTTTTGAAGGAAAAACTGGATATCTTGTGGAACCCAGATGCGATGTTTGATGTGCAG				
X00961	GS923276	BES	GACGCACTTTTGAAGGAAAGCGCAGCCCTTCAATTAGTAGGACTGCGCTTTTTGAAAAAG				
X00963M	GS923118	BES	CTACAGCATTCTCCCAATACTCAATCTCATCTTTAATATCCTCCATAGTCGATCTTAATTG	ATGATCCTGCCATGGTTATGACAAAAGTTTGTCAAGGAACGAAAGAAAAAGAGAACGGTTCT			
X01104	GS923258	BES	CGAAAGAAAGTGGCATGTAAAATAGATTCATCTTCTCTTTATAGTAAACCATAGGGACTG				
X01110	BQ586047	EST	AGGAGCGACTTTGTATGAACAAGCAATGGCA				
X01133M	ED568289	BES	GAAGAATTGAGTAAATTATCTGATTTGTCGTTGCCATTTTAGGATAGAGTTTGAGCTGGA	GGCCATTCATTCCCGGGAAATAAGATCCAACTGGTATGCTGGACCCTTGAAGTTCAAAAA	GACATTCTGGCTCTACACAAGAAATCATAATTAGGGTATTTGAAGGTATTCTGGGGCAAT		
X01149	GS923233	BES	GCTCATGTAAGGTACTTGTAAACTCAGTTGAATTTGAATGAAAGTGAGCTTGTTGCTTA				
X01179	BQ593756	EST	TGACAAGATTAACAAGTCGAAACGTAATAAACTGTGGGAGGAAGAAGAAGAGGGCGGCGTGT				
X01196	GS923194	BES	CTATAATCCTGTCTACATCACTACAGTTAGTCGCTCATTTAAACCAACAAAAATCAAGCC				
X01216M	ED029515	BES	AGTTCCAGTGAGTCAATCTATTATCAATGAAGGGGTTGTCTTGAATGTAGAACAACAAG	GAAGCATGTTAAGGATATCACTCTTTGCTTAATTCCTAAGTGAGAGCAGCTAGAGGATGT			
X01243M	GS923326	BES	CCAGCCACATCTTAATCATGTGGTCCGATTTTGGCCAAAGTTTCGGCCAAAGTTTCAAGATCAATGTTGT	AATCATGTGGTCCGATTTTGGCCAAAGTTT			
X01252M	GS923195	BES	GATCACTTAACTCCAACCTAATTCGCATATTAGCCATCACTATGCTAAAAATGTCTTTTC	GATTCTGAGAAGAATACACCATTGCACAAAGCTATAGAGAAACAAAACATACACTTGGCG	CTAGCAAGATTCGAAGAGAAGGGATTCAATTCTAAATGAAACGGATATAATTAGGCTTTG	GGGGAAATCAGCCATGGATATGTTGGCCGA	
X01297	GS923119	BES	GTCTCTCTGACCAAAATGATATGTGAGTGGAGCAGGTTGAATGTACAAATTAATCTAGTA				
X01324	BQ586347	EST	GCTTTACATGATTGAGGTTTTCCTATATCATCTGCAGTTTCATTACCCCTTTCTACTGCTT				
X01327	BI096301	EST	ATGGTGTCTTCAGTACTCATGGCGTCTCTT				
X01330	BQ586965	EST	CAGAAAAGTGGATGATTTACGTCAAGACTGTTAGATATTCACTCCAAGATGATAGATAT				
X01346	DX811521	BES	TTAATTTGTCAATAGGAGGACTCAAAGCAAATAGAGGAGTGGGAAGGAATTTGGCAGAGA				
X01352	BQ582992	EST	ATTACTCGAGTAAAGCTGCTTCGGCCGACAGATACTTTGGCTCTTGGTCATGTTTATAGG				
X01357M	GS923368	BES	GCCAAGAAGATATCAAAAATTTTGCAACCATGCGCAATATGAATGAGTCTGGTGTTGG	ACCTTAATCTCTCGCATAATGTCTTAACCGGGAAACATTCCTCCATCAATTGCAAAAATGT	TTGAAACTCCTAAATGTCGGGAACAACAGGCTAAGAGATAAATTTCCCTCATGGCTAGAC	GTCGGGAACAACAGGCTAAGAGATAAATTT	
X01445M	GS923328	BES	ACATGTCCAATTCAAATAGTGCATGAATAATTTCATCGTTTCATGTATCTCTTTGCCCAC	TTTAATCTCTACATCACTTACATAAACTTTTACCTCGAATTATCAACCTGTTTTTT			
X01463M	GS923294	BES	AATGTGCAAATATGTATGACAAAAATAGGTATTCTAGGAAGTAGGGCTGAGCAATAAAAAA	GATCATGATCGCCATTCGTCTATTTTATAGAAAAGGGCATGACAACCCTTTTAGAAAATTT			
X01499	ED028519	BES	GGTTTCCATTGAAGACCTACATCTATTATCATATCAAGAGATACAGAGTGCAAGAACAAA				
X01502	GS923106	BES	TAACGCATGCTGCATCATGCATGGAAAAAAGACGTAAGAAATGAGCTGATATAATTTGGC				
X01524	GS923327	BES	GCGAATAAGTAGACCAACCAGTACCCCCCA				
X01555	GS923274	BES	GAAAGTGGCATGTAAAACATATACGGCTTCTCTTTATAGTAAACCATAGGGACTGATAAA				
X01581	CF543448	EST	GTTGATTGTACGGCAAACTCCCCGCAATCATTGTTGACAGGAATGAATCTTTTCTTATCT				
X01583M	GS923363	BES	AGAATGTCCCAATAAAAGAAAACAGAGGGGGTATCATATTATGTGGATTCTTCGTAATCT	TTGAGTAGACACTGTTTTGTTTGAGTTATACTTGGTTAGGCTGGTTTGTTTACTGTCGTGC			
X01593M	GS923334	BES	GCACCTCCCAGAAAGGTTTAAGATACCGTTTCGAGGTCTGTTTTTTGGCTGATGAAGAGT	TAGATCATGGGACTATATACCAGCCGGTGCTCCAATATGTGAATACACAGGGATGTTGAG			
X01625	GS923320	BES	CAAAAATCTCGATTTGGGTGTTCTTTTATTTTGCTCTTTTCAAATCCGTTGCTTGATTGC				
X01629	DX581234	BES	CCCTGCAATCTACAAGACAATCACTAGAGTTTTAGAGATCCATAAACCAATTATAGACTT				
X01635	BI096181	EST	GCAACATCACAAGATCCTTCACTGACTTGT				
X01689	GS923357	BES	TAATTATAACATGATTCTGGCAATTGCAGGAGACAAGTACAAACCCCGTCAAGACCCTCC				
X01739M	GS923289	BES	ACCATCCGTTCCTTTCACATCAGCAAGTTTTAAGAGGGTATCAAGTTTGAAGGCCTGAGC	GAAACTTATATATCTCCTTAAGATACTATCCCCTAGGTCAAAGAGAGATGTAGAATGGAA			
X01775M	BQ595457	EST	GATTTTTGCAGACGGGTTTGCCGGTCTTAACTGTTGACAAATTTGGGAGAAGAAGATTATT	TTGACAAAACACTTTTGACCATGTTATGCCACTTTAAGGCTGGGATTTTCTTCTTCTTCG			
X01779	GS923150	BES	CAATAAGAAGCCACCAGAGAATCAACCCTC				
X01809	GS923337	BES	CAGGAAGGATGTAGCAATATCATAGATGCAGTATTTTAATGCTGATATTCTTGGTTAGTG				
X01816M	GS923239	BES	CTTCAAATCCTCATATGGCAAATTTGTCATAAAACCCTATGCGTCAGAGACATTCTTTT	TGGCAAATTTGTCATAAAACCCTATGCGTC			
X01833	GS923170	BES	GCGTATAAGTGCCCGCAATTAAATTTTTGCTCTAGACCCATAAATTATCAAGACAATTCT				
X01834M	GS923292	BES	CAGCATTCTCAGAATTAAAACCTATCAATCTGCACGTTACATTTTTCTGTCCATTTCTGTG	CCCTTTATTTTCTTTTTCTTGTGCTGAACAGAATGTTGTTCAGTTAAGTGAGAGGCTATTT			
X01845	BQ583238	EST	GAGGTTACAAAACTTAGACATATTTTGACAACTATGGGTGAAGGTTTGGATGATGAAGAA				
X01849M	GS923252	BES	GTCATGTTCTAGTGGGTATCAGTCTATAGTTCATGCTATCTGTCACTGCACTTTAGTTG	GGAGTCGTCTAGTTTGGTTCTTACGCCTAA			
X01903	BQ592735	EST	CTTCAAAAGCAGGCTGGAAAAGCTTCCAGATAACGTTGTTGTGATTGGCTCTCATACTCA				
X01936	ED028023	BES	CCATGTCCTATGCACTTATGCAATACCTATATCTATCATATACAAGCTTGAGATTGAGAG				
X01965	GS923108	BES	GTGAAGGTTCACCAAATCATTTTTGAATAGATATATGCAGCACTCTGACAGAAGATGATGAGA				
X02026	GS923290	BES	GTGGATATTTGCTTACGGGTATAAAAACTCCAGTTTCTAGTCTTTGGAGATTTTCTTTATGG				
X02027M	BQ594073	EST	GTAAGAAGTCTTTGGCACTTTTTCCGGCTAAATTTCAAAAGAGCATGTGGATAAAGAGAG	GGACGCTCTTGAGTCTGGTAGTAAGGTGGCATGTATCGTATCTCAGGTTCTCTTTCATGA	TGGTAGTAAGGTGGCATGTATCGTATCTCA		
X02120	GS923317	BES	GCTCCAGGTCGAATTGTAGATGAAGCTAATGAATCGAATTTGCTTGTGATATAACATCTTT				
X02135	GS923236	BES	AATTGCTGCGAAAAAAGCTATATGAGCTCGCAATAACAATATAACCAGGGACTAGGGGAGA				
X02146M	ED024960	BES	GAATTAATAATTTCGAGGCATGCGGCTCTAAGGCCTGTTGAATTGCAATCCTATAATAATAT	GATGACCTTTCGGAAAAGACACAACTGCACTAACCAAGTCATCACCATTCCCAACTGATA			
X02158M	BQ589732	EST	CTTAGAATCAAGTATTCGGATTTGACACATTTTTCGTCACAGGGCAAGAACATATATGAG	TTCGGATTTGACACATTTTTCGTCACAGGG			
X02188	GS923121	BES	CTTGCCAATGGTTGAACCCCAAGAGGTTTATGAGGAGAGAGAATTTGTAATATTATAAAA				
X02201	BQ586891	EST	AAATTATTTGAGAAGTGAAGATTCTGAGAAGATACAGATGGGCATATGAACAACCTTGGGG				
X02230M	GS923321	BES	GCTAACACCTTTAGTGAACTAATCAAGATCAAACTCGACTCGTAAAACTTGCTCAAA	GAAACTAATTCAAGATCAAACTCGACTCGT	ACCTTGTTAGATCCATATCGTACGATCCTA		
X02253	ED027347	BES	TTACAGGGCTTAGCATTATTGGCGGAATGACATTGTTCCCGTCTGCTGTTGAGGTAAAAC				
X02265	DX978522	BES	CTCTCTATCACACGATGTCGCAATAACAGTTGTCACATTACCTTAGTATATAGTATTAG				
X02266	BQ586500	EST	GAACTATGGGAACTATCAAGGATTTTCTTAGACACGCTTATGGAGGAAACAGGATGTCAG				
X02376M	GS923359	BES	AGCATCCCTCAACCAACAGACAGGTAGCACCAGAAATGCACCTTTATAATTCCTCATTAT	ACAGACAGGTAGCACCAGAAATGCACCTTT	TTTTCGCACCAATCCTTAAACGTAACGAGCACTTCAGTGCTGGGTTCACATCAATGTGCA		
X02447M	DX979367	BES	TGAAAAATATCTTCGCTCGTGTTGGTTGGTGGATAAAGGGCTGGGATGGTTCCAATTTC	CTCACGGTTGAAATATTCACATGGTTCGCAATTCTGGGGAAATTAAACACCCGAGAGAAG	TTCACATGGTTCGCAATTCTGGGGAAATTA		
X02494	ED028629	BES	GGACGATGCCTCGATTTGTTTCTTTTCGTTAAATTTTTGCTTTGGTGAGGAAAAGTTGATG				
X02528	GS923348	BES	GGCAAAATGCCATCATTGCTGCAAGTACGTCATCATTATTATGATTATGTTCATGCAAAT				
X02529M	GS923187	BES	AAGAGCTCATGTACAGCTAGTATCGAATTGTGTATAGTTTATATCATGTAACTTGGCTTGG	TAAGATTGCCTTGCTTAGTTGGAGGTCTTC			
X02540	GS923251	BES	ACTCTCGGAAGCAAATATGACTCATCTTAAGTCTATTTTAAGTCTATTCTAGTGGCAACCATTCTGAT				
X02546	ED025126	BES	GACGTGGTCTTCAGAATAAATCCTAACTACTCACCAGATTGTACAATATGATGATTGTTC				
X02605M	GS923110	BES	TTTTTTCATCTCGAGCATGATGGCAACCGATTGGACCCGCCACCACCAC	GCATCATGGCAACCGATGACCCGCCACCAC	ACCGGATGACTATATTACTCCCACAGAACTCCGGTTCGACAACTACGAGCACTTGGCTGA	TACTCCCACAGAACTCCGGTTCGACAACTA	
X02634M	BQ595492	EST	TCATGCTGCACTTGCAACTCTTCTTGTCAGAAGTGGTGTTTGGGTGGATAATTTTCAG	AACTCTTCTTTGTCAGAAGTGGTGTTTGGG	CTACCAACCCTTTAAAGGTGTTTCATCTGATTCAGAAAACTTTCCTTGTTCCTGGTCTACC		
X02674M	BQ587981	EST	CTGATTCAGAAACTTTCCTTGTTCCTGGTCTACCTGATGAATCAGGTTAACGAAGTCAAGTCAG				
X02712	ED019524	BES	GACCAACCTTATCTTGATGGCATCAAACTTGATTAACAACAGTTTACGAGTTAAG				
X02726	GS923326	BES	AATACCACTCGGTCAAGTAGGCCCAATAATGATTGTTCTCAGCCAAATCTCTCGGCCTT				
X02734M	GS923353	BES	CAAGAAACCTTAATATGTACTCAACAGTCACCACTTCAATTCAAAATCCATTCACCAAGT	CACTCCAATTGCAAATTGCATAGCATCCTTTGTTTGTTTAGTACATACAGTATTAAGAGC			
X02827	GS923386	BES	GCCCCCAGGGTAACATCTTCCCTATCTTGATTCCCCTTTCATTCCTTTTCTTGTATAAAA				
X02854	BQ583056	EST	AAAGGTATCTTGGGTTACACTGAAGATGATGTTGTATCCACAGATTTTATTTGGTGATAAC				
X02874	GS923268	BES	TATACTCAAGACAAGCTTGGGGACCAAAGTGGTAATGTTGGTTGTTAAGTCACAATTATG				
X02911	BQ594168	EST	TACCATTCGCATCCTGGATTTGGTTGGTTGGCTGTTGCACTATTCCGACCTTGTCACTCCTTCTTG				
X02949	GS923198	BES	GACACTGACTAATTAGGGGTAAAGGTTGTCTACTCATTTACATCCCAAATCCTTTATAAA				
X02984	GS923230	BES	AAGCTCGTGTTATCAAAAACCTAGGCGTAC				
X03016M	BQ594260	EST	GTAAGAAGTCTTTGGCACTTTTTCCGGCTAAATGTCAAAAGAGCATGTGGATAAAGACAG	GGACGCTCTTGAGTCTGGTAATAAGGTGGCATGTATCGTATGTCAGGTTCTCTTTCATGA			
X03141M	GS923207	BES	AACCACGTAAACCTTGAAAAATCATTAACCATAACGCAAACAAACCTATGAACATTTCG	GACACTTTTTGGTTTGAAAAAGGATTTTAGATGTCTCCCCTTGTCCAATTTTGAACAAAC			
X03150	GS923351	BES	GATGGTTTCAAATCTGGAAAACTCAGATCACTACTCTGCAGAATATGTTGTGTCTCTCAA				
X03155	GS923165	BES	TTGTATCATCGTCTAGAGTTGCTGGTCTGTACTTATTCCGACCTTGTCACTCCTTCTTG				
X03169	DX978884	BES	GTTCGCTTGTTTATACAGCTGTTTAAGATCAGTGAAGATGTAGTAATTGATGCTACTAAC				

X03268	GS923227	BES	GTGACAATAGGATGTTCTGAAATCTGTCAATTGATGTCAATTGTCAATGAGGTTATTGG				
X03275M	BQ593282	EST	AATTATTACCCCTGCATACCCGTGCATGAACTCTAGCTACAATGTCTCTACAAGTACACT	TGTTGATGAGTTCAGGCAGGAGGTAAATATGTATATGTATTGGAAACCTGGCATGGATAT			
X03287	DX881932	BES	GAGCGCTACATTGTCTATTGGGGGTAGGGCTATCCTCCTGAAATCCTCCCTCTCTAGCCT				
X03317	GS923249	BES	GGTCATAGTGCAACCTCCACTTTGTATAAGGTAGTGTGTTATATATTCTGTTAAATTTCAG				
X03325	GS923302	BES	TTTGATTATGTCAAAAACAGTGGTGTCGTCTTCATTGGCGAGTGCTCGCGCTTCATTCCT				
X03384M	GS923223	BES	AGAAAATATATACGGCAGGTGCTTCATTACAACACAGCAGCTACTACTTGGATACCGCC	AAACGTCTCTCCAAGCATGCTATTTTTCTCTCTGATTTAGACCTTGTACTCCATAATATT	AGATCCCATTAGCTGGCGGTAGTGGCCGAAGCAAAGGCTGTTGAAATGGCGGGTGCCTCTA		
X03392M	BQ583340	EST	AGCCTTGGGGTCCTCATGGAAGTGCACTAG	ACAAGATTGGGTGAAACTGGCAAGGATTGG	AGTATCTCATCGCCAATGGATCTGAACGAGCTGTTGATGAGATCATAGAACATACTTTCC	ATGGATCTGAACGAGCTGTTGATGAGATCA	
X03434	BQ584228	EST	AAACCGAGGTGCTTGCCTATGTATCATCAA				
X03439M	GS923242	BES	ACTATAAAACAGAATATAGCAAATTTGGGATTCTTATACCTTTGAAGTCTGGGAAAGGGGG	CCCCCTCCGTCACTATTGAATGGGAAGCTTTTCTTTTCATCCATCCTAATTCATATGTTA			
X03465	GS923200	BES	ACAATTTGGGGAGGAGAGAACATGTGGCATGATGTCATTGGGTATTGGGATGTAGATATAA				
X03469M	GS923373	BES	CTCATGGAACATGGGATTATGTGCTAGGTGTTCAGCTGAGATGTTATCACAATTGAGGAC	ATTATGTGCTAGGTGTTCAGCTCAGATGTT			
X03489M	GS923362	BES	CAGTGTATGGCTCATTGGAATGTGGGATGGTGGAACATATGTCCAGCTTCAACTTCAAAGTCTTGTT	TGATAGTGGATGGTCGAACCATATGTCCAG			
X03523	DX979643	BES	CTTTGGCACCCATTTTTATTTGAGTTGGATGAATAACAATTTTGTTTGCTTGGGCCAAAAT				
X03548	GS923338	BES	CCTTTGAACTTGTTGTGCGTATTACCCCTGCCAGTTTAACAAGTATCTTCCCTGTTGTAG				
X03583	GS923240	BES	TTGAATATCGGAATCTCTAATTTGGGGATAGAAACCCTAATTTGGAGAGATTTGTCTG				
X03623	BQ584048	EST	CTCATTGAAAGTGGAGTCCGGGCTTCTAATATTGGCATAATTACTCCTTACAATGCACAG				
X03650	GS923277	BES	ACTGTAATCTTATAGATATTCCATTTCACGGGGTTCAATACAAATGGACAAACAACCGCC				
X03681M	CK136540	EST	CCAAATGCTATGACTGCTGCGGAGATTACTGATAAGCTTGGTCTCAACCCCTTCGTCAGCGTCATTG	TATGACTGCTGCGGAGATTACTGATAAGCTTGGTCTCAACTCCCTTCGTCAGCGTCATTG			
X03708	ED567664	BES	CTTTGGGAAATTGGTTGTATGTTATTTTTTCTCCAAAAGCCTTCATGACTTTTGGCATAAC				
X03727M	GS923204	BES	GACTCGTCTGTTAAGATTTTGTCCGGTCGTGTTTTTTCCCACTGATTGGGTTACACAACCA	ATTTTGTCCGGTCGTGTTTTTCCCACTGAT	TGAGGATTTGGTATTAAGTTCGTTTGTTAATGGGACTAAGATTAACATCACTGTGACTGA		
X03762	GS923205	BES	AACAACACCTCTTTTCCGGGCATGGGACAAC				
X03807	GS923385	BES	TCGGAGCGATGCTTGCCCAGGGCCTTTTCA				
X03819	GS923138	BES	CCTTGTCATCAGTGCTGACTGTCATTCTTCTAGAAGGTGTGGTCAATACCCCCCTTTTTT				
X03837	GS923370	BES	GCAACATGCTGATGACCCTTAATATTACCCCTTAATGAGCAATTTCAACAAACAAAATT				
X03842	DX979258	BES	ATAATCAACGCGATCTTTCCCAGCGTGTTAAACCCTATCCATATATGTTCCGTCCGGGAT				
X03863	GS923175	BES	GTCTAAAGTTACAATAGGCTACATGCTTAA				
X03886M	GS923254	BES	TCTTCACTTACTCTTACGTCGAGCTTCATAGGGCGTATTACCCTTTACTGTTTTAGTGGG	ACGTCGAGCTTCATAGGGCGTATTACCCTT	ACTTCAATTTTCAGCAATAGTTCTAACTTTTCCTTTTCGCAACACCATTGTTGAGGTGTG		
X03900	GS923159	BES	ACAGGAAGCCTGCTTATTTTATGGGGGTCAA				
X03905	DX980697	BES	TAGTAGGTTCAACTGGCTTTTCAGCTCTTCTGTTGTTGCTTCTCACCACCTGGAATTCAT				
X03910M	GS923151	BES	GGTTCTATGTTAGTTTTCGTCGTGAGAAAGTCGTGCTAAGTGTTACCATTAATATTTACATG	CACCACATGATTAGTTTGTCCATATATATTGGTCCCAAAAAGAAGCCAAGTCATCAAAAA			
X03953	GS923263	BES	CAAAATGGGAGTTGAAGGTATCTGCGAGGGCTTTGAGGAGTGAGATTGGAATGCACTATA				
X03986M	BQ590141	EST	AAGATTATTCCGGTTGCGGATCTCTGTGATTTGACCGATTACATGGTTTTTGCCACCGGA	GCGGATCTCTGTGATTTGACCGATTACATG			
X04010M	ED021517	BES	ACAAATAAGAGAGGAGGAGGGGGATTACCCTACCTGATACCTCTCTTAGAAGCAAAAAA	GGACTACTGACTTTCTGTCTAATGCTTAACCATGTCTTGATTATTCATGATTTATGCC			
X04024M	GS923214	BES	TGAACTTCTTTGAAGACTCTCTTGGGCATGATAAATATCAGACACTAATACAGTTGAAAG	CAGAGGGTTACACTCATAATAAAAACAATTTCCTCGTACTCAAAGGAACTCCCAAGTACTT			
X04028	ED027803	BES	CTATTCATTTGAAGAGGTGGCACATTTGTATCAATGATGATGATACTTGTGGAAGTACAT				
X04046M	GS923225	BES	ATTAGGTATTTCTTGTAATCAGACAAATCTATTATTTAGCCAAATTTATTGTGTCTTTCTTT	GCTTATGAAATACCCAATTTTTGATCCCATGTCTTGGCATCCAAGTGTATAAGGTTATTT	AATTTTTGATCCCATGTCTTGGCATCCAAG		
X04075	GS923115	BES	TCTCTAGAAATTTCGGCAGAGTTTCCTTTGTAAACTGGACAACCCAAAATGAGAAAAATG				
X04140	BQ584071	EST	GAGACATGCCATACTCATTTTCATCCTTGG				
X04157M	DX978577	BES	GTTGCATCAACTGAGTACCAGAATACATTAGTTTGTCCAATAACATTGCAAACTTAACAG	GCACAGCATGCGTTGTACTTTAGTAAAGCCACGTACGTAGATCCCATAATATAAATCGAA			
X04202	GS923107	BES	TAAGGGTATATTTATAATCTTATTATTAAAAAGCCAACATCCAAGGGAGGAAAAGTTACT				
X04209	GS923126	BES	CTGAGTGAGAAGGTCAATTGATGTATTTTTTCTGAGATTGGAAGATTCCTTTATCAGTTCT				
X04297	ED023564	BES	GATTAAGATGGATCTTCACCACTGAAGGGGACTTTTCGATTAAAACTACTTATATAGAATC				
X04318	GS923128	BES	ACGATCTCTTGGGCCTTGGCCGGGTACATCCGCATATTGTCCTCCTTCGCTTCATACTCG				
X04376	GS923166	BES	GACGGAAGTAATAAAACTAGTGAATTTGTCGAAAGATGTGTCGAATTTTACCTATCCTAC				
X04390M	GS923309	BES	CCTAACTAAAGTTGGGAAAATAAACAAACTAAAAAGGAAGAGGAGAACCATGAGAGGTTATC	AACTATGTGCTTATTAGTGTACCGGGTTATTTCTATGCCTAAATTTGTGTTGAACATGTC	CGTTTCATTTCGTGTTTAGGAGAGATAATTTGGATAGGTAGTCAAATACGGTTCAGTTTT		
X04458	ED021871	BES	GGCAAAATCTCAATGGCCTGAATTTTGATGTCTTGTAAGTTGTAAAAATGTAATCCCTCT				
X04477M	GS923283	BES	TCTGCACTTCAGCTGCAAGCTTAGCCACCAACAGCGGCATCCTTAGCAGCGAACAAGGTCGG	GCTTGTTGGTCTCGTTATTCCCCCATGTAT	TTCAACTTGAAAATACTTTTGATCCTAAGCGATGGCCCGCTCGATGTTCGCCAGTTTGGA	CTTTTGATCCTAAGCGATGGCCCGCTCGAT	
X04483	ED028855	BES	ATTATGTAAATAAAGAATATAAACTTCCTTCCAACATTCTATAGCACCCAAGTCAACTA				
X04486M	GS923308	BES	TTGAGTCATGAATGAAGGCCTAACCGAAATACCCAAACACTTCCCCATTAGCGCTAAACC	AATTGCACCTTCTGAGTTTTGACACCCTCCATATCCTGAATACCAGAGGTAGAACGGTCA			
X04491M	BQ583986	EST	AAGGATGAAGAAATTGCCAAACTGAGAGATGAGATCAGGATTCTGTCTACCCATTATAAA	ATTCTGTCTCCAGGAAGCTCGTTCTCAGAC	CCTGGTTTCTATGTCCATGTTGGTCTTGGT		
X04496	GS923358	BES	GGTCATCGCTTTGTATTATGAAAAAAGAAAACCTTACTACGAACACTACGAAGTGGAAG				
X04499M	GS923340	BES	GTGGGCATGGCATTACACAAAGAATGGCGAATTTACTACTAGAAGTGAGTATATTCTTGA	GTGAGTGTGATCAAGTTTGTCCATTATGTG			
X04599M	GS923261	BES	GGTGGTGAATTTGTTGTGCTTTTGGTATATGTTGATGATATGGTGTTAACTAGAACAAGT	GTTAACTAGAACAAGTAAAGTGCAAATAGATGTTAAACTTGCCCTTGACAAGGAATTCAC	TCGTAAAGGAACTTGGGTTGTCTACTCTGAC		
X04623M	GS923189	BES	TTTTCTAGTTTCGAAACTGAGGACGTACAACCATCGGTGACAAACCTCAAAAAACACAA	GCCTACAGTACAATCATCAACAACAAATATCAGAGCACCATGAGATATATTCGAAAAGA			
X04635	GS923366	BES	GCCCCTTGCCCAGACCTAATAACAATTATTTGCTCCACATACATTATATGCTAAAAATTC				
X04640	ED030070	BES	CGAAAGATAATGTTTTAGTTTCGTCGCCTAGTAATATCTCTAGAGCTATATCTGAGGAGT				
X04644M	GS923247	BES	GTAGCTTGTGAGGTTCTGATTTCATGAAAGCCAATCTGTATATGATTAGGTTTTATGTAATGAAGCAAAAGAGGACACACAGCATCTGTT	GGTTAATGTTACCAATTTGTGTTTTATGTAATGAAGCAAAAGAGGACACACAGCATCTGTT			
X04648	BK583573	EST	GTGTATTCAGAAATGAAGCAGTTGATAGGACACATTTGGCTGAATTCCATCAGATAGAAG				
X04764M	GS923384	BES	TTAGAGCATACTTTAATGGCATTAGGTGAGACTATTGCTTTTACTCCCTCTGTTTCCTAA	TAATTCAATTTCACTCTCTTTTTCTCCCCT			
X04773	BQ588686	EST	ATTGAGTGCTCAACTCACTTCTCGAAATG				
X04833	BQ590433	EST	GAGGTTTTTTGTTAAAAATGGTATCTCATCAGCTGGGAAATTGTTTTCGTCCCAAAAAAC				
X04920	GS923176	BES	GGCCACTTTGGATGTACTAGGGTGCTTTCT				
X04959M	ED031369	BES	AAACTCTGCACTTAACTGAATACTATCTGTCCGTACACCTCTCCATATCAGTACAAAAAA	TGTGCAAGCAGGGATTGCATGCAATCTTGAAAAGTTCTGAAAGTGATCTCTCACCCTTTAG			
X05021	ED021630	BES	AAAGGAATATGATCCATTTTCCAATCTAGCTTAACCTCCCTTTTCTTGTTTGAGCCCTTT				
X05047M	GS923131	BES	GTCTCAATCCTGGAGGAGGTCTACTACTATTTTGCTAGCATAAAAATAGGTTTTTTAGA	ATTGAATTCTCATCAATTCAATTCAAGATTCGGTATTTTCTTTATTCTCTCTTTCATTCCT			
X05061	DX581287	BES	CAAGAAGACTCCAACAACTATATGCTAGTATTATTATTCCCTTATTTCTTCCTATTCTACCTG				
X05068	BQ593326	EST	ACTTGTGAGTCCGTTTTGGCAGACAACGGC				
X05077	CV301503	EST	AAGTCTTCCAGATCCCATGGATGAACATGTATCCACCTTTATCACCCCTATTCTTTTCGAT				
X05110M	CF542877	EST	TTTGATTTTAGCGAGAATGAGAAATCTGGATTCATCAATCTCGTTGGCCGATACCTGAGG	TGACTGGAGCAAAATCAAGACTCCTACTGATGATATTGTTGTTCCATACGACACCATAGC	ATCAAGACTCCTACTGATGATATTGTTGTTCCATACGACACCATAGCACCGCCACCTGAA		
X05112	BI073260	EST	GCCAGAAAATATCAGAATGGAATATTGTCGGATTCAGCGATTATTAACATGGATGATAAG				
X05137	GS923190	BES	TACAGGCTGATGTTATTAAGGCAGTTTTGACTTGGATGATATCCAAAGGAGAATGCATGA				
X05177M	ED020168	BES	CAGTCGATGAAGCTCATAATCATCAACACCATTTTGGTGGCTTCCATAGTGAACCAGATG	CGCGCTTCTTTTTTGGAAAACAATCTACATAAAGGAATTCACTGAAAAAGAAAAGAAGTGG			
X05278	GS923354	BES	AATCACTCTGCAGTGTGACCTTTGCCATTATGTAGCAGGACATGACTACACTTTACCGCA				
X05357	CV301857	EST	AGAACTGCCTTCTTGTGGCTGAAGGCTTCAAAAGAAAATTTGCCATGGTATGCACCCATG				
X05379	GS923120	BES	GCAACAGCCCTTAGATATTTATAGAATTCCTAACTCAAAATCTAGTGATTCCCTTCAACTT				
X05384	GS923297	BES	AACATCATAAGACTCCTCACTAACACTTGA				
X05401	BQ589864	EST	ATAAACTTGTGGTGTTGAAGCTAAAATGGAGGGTTTGGGAACAACCATGGGCTGTACTGGTC				
X05418	BQ587180	EST	CTATAATGAACCATGGTTTACAGATCAAAAGGAGTACTTTAAAGGATGGCCTAATCAAGA				
X05430	GS923333	BES	TGTTGCTCCGTTTAACTTGTGCGAGGTTTCGATCCAATAAGACACTTCTCCTTGTTTAAA				
X05436	GS923171	BES	GTCATTCTCCACATCAGACTCAAACATAGA				
X05506	GS923342	BES	ACTTTGTTGGTAGCATGACCATGTCGCACTGCATGTTATTGGCTATCCATTTCTGTCTGAG				
X05535M	GS923144	BES	AGTCAAAGGAATTGGAGGGGGTTACAGATAG	CCGAAAAAATTCAGGAAAATCATGAGAAAACCTCTGGGAGTGTTTGGATAAGGACAAAGTT			
X05559	GS923285	BES	GGGCATCTTATTTTGGGAATTAAAGTGATG				
X05580	ED022351	BES	TTGAGAGAGGAGGGATAGAAAATTATAGATGTTGAATTTGTTCATGGAGTTTTAGGGGGA				
X05621	GS923330	BES	AGTGTTACAAACCCCCGTATAAGTAACTGTTCTAAATTTGTCGAGCTGTTATTCTAGTACAA				
X05663M	GS923310	BES	TACCAAGATGAAGGGGCTTTGGCTTTCGTGACCTATGCTCCTTCACTAACTAAGCGTTATTG	GGGCTTGGCTTTCGTGACCTATGCTCCTTC	TGCTAATTACGTTATTGTTTGCTATGGCGTGTGGGATAGAACGAATGGCAATGTGTGGTC	CCTCACACTCTATGATAGTCCCAGAGCCGA	CGCAAGATATTTGCATTTTTTAGTGGATTCACAAGCAGATGAAAACTTAATTAAGAGGCC	GGGCTTGGCTTTCGTGACCTATGCTCCTTC
X05668	GS923381	BES	ATTGGCCGTTCGGTTCTGTGAATATTCTTATTTTCTTCTTCGGTTTGGCCGTTCGTTTAT				
X05671M	GS923288	BES	TGGTATAGTTTGTATCCTAGCTAGTTTAAGTAAACATTAGGTTTTAGGTGCTCGTACTAG	GTATCATAATAATGATGGTATAGTTTGTATCCTAGCTAGTTTGATCTTATTCTGATAAGG			
X05680	BQ590673	EST	GTTGCATATGGTAACATTGAAGGCGTTAAATCTCTTCATAGAGAAGGTGCTGGTCTCGAG				
X05715	GS923270	BES	CCTTGCTTTTACAAATCAAAACTCATAATTACAAATGTTCGATGGTTCTACACCAGTAGC				
X05736	GS923352	BES	GCCATACACAGCCACCATTTTTAACTTATGAGATTGATCTTGAATATCACATACCATCAT				
X05751	BQ586035	EST	AATTCAATCAAAGCTTAGCTCCGCTTCCACTGATTTGGAGAAAGCTGAAGCCCAGATCG				
X05755M	BQ489180	EST	GTTACTCCAAAATACAGCTTGGCACCACTTGTACCTAGACTCTCCGAACTCCTAGGTATT	AGCTTGGCACCACTTGTACCTAGACTCTCC			
X05783	GS923111	BES	TTTATGGGTATATGGTAGAGTGCTTCTGAAATGTGACCTAGAGGGTTGTGGCCTACATGC				
X05908	BQ589416	EST	AAGTCATCAGATGCTTGAACATGAAGACATGCAACATCTGCTTCGCATATTTGGGATTGGG				
X05917	BQ589691	EST	ATTGTATTCGGAGGCTACTACGTCAATGCAGACAACACGCCTCTTGTTTTTCGCTGGATT				
X05944	BQ595242	EST	TTCAACCCCCTGCGAAATTTGATAGTGACG				
X05957	GS923335	BES	TCTTTTGTGTTAACAAATGAATCAGCCTCTGGGATCACAGTTCTTGTAGACTTCAACTTCA				
X06090	GS923319	BES	CTTTCTCTCTTGAACTCGCGAAGTCATCCGAAATTCATTGTGATGTAATTAAAGGCTTAT				
X06128	GS923278	BES	CTCACATGTCAAGCTCACTAGTGAGGAAGG				
X06154	GS923259	BES	CTTTCTGTGAACATAAGAGAGCATGCAAATTTATACTGCCAATCTGGCTCTAGCGTTGCA				
X06187M	GS923248	BES	TTTTAGGCCGTTATTGGCCCCTTGTTTATTTTTGCACTACCATTTGCTAACTAAGTGACATA	ATTTAATTTGTGAGGCGCTTCACGTAGAACGGAACAATCAACCCCTCAGCAATATGCCTC			
X06252M	DX811307	BES	CGGAGGGGTACATACCAGAAGTATATACCAAAATTTCCAGTTCAATAATAGAAAAACCA	AAACTAAATATAAAAAAACGTAAATTACTTAACATGAACGAAAATTCAAAAAAAA			
X06302	DX581267	BES	GCTCTTCCTTTAACAAAGTCATGCTGGTAATCTGTAACAATCAGGCAAAAACACTCAGTC				
X06303	BQ588367	EST	ATATCTACAACACATTGTTAGTTGTCAGGCTTGTTTTGACATGGTTCCCGAGCGCTCCAC				
X06308	GS923162	BES	TTTGAGAGACACATTTCATTAAATTTAAAACGGAGGAAGTATATCCAAGTCCACGCACTA				
X06347M	BI543456	EST	TGCTTATTGTGATGGACATATCCAGTACTAGATCAGATCACCCTGATCAACGACTAGAGGTCCA	AGCATATCCAGTACTAGATCACCCTGATCA			
X06351	DX981784	BES	CGACTATCTACAGGAAGAGCTTGAAGAATACAGAAAGTTAGTAGGAAAATTGCTATATCT				
X06398	GS923141	BES	TAGCATGGGTTTTGTGACTTACATAGTAAGCTTTTGAAGGGTTAATTCTTGCTGGAAAAA				
X06529M	BQ589229	EST	CTGTCACTAAATTCAGAAATGGGTTGAGAGAAATGGCTGGTGGAATGAGGAAGATGAAT	TGATTGAGCAAATATTGCTTAGGGAAACATTAACAAGCACCCTAAAGATTATCCATCTG			
X06646M	GS923305	BES	TTATAGCATTTCTCACTTTTGTGACTGTGTAGGAAAAACTTAGAGTTTGAGTCTCCCATAG	GGAGCTTTATTATCATCTATATCAGCTAAGGCATTGTCAATTTCAGCATATGTTACCTGT			
X06673M	GS923260	BES	AGGGGGCACCTGGAGATCCTTATAATCTTTCCGAAGTAAAGATAATTGCCTGTAAAATTTGC	AGAAAGATGAAAGGTTCCCAGGTTCTGTACAAGCTCATAAACATAAAACACTTGGTCACA			
X06691	GS923271	BES	CCCCTTATGGTCTTTGTTGTAGATTATGCATAGCTCTGATGATGTGTTTTAAATGACA				
X06695	DX978199	BES	CAGTAGCTTAGCTTGTTGTGGCCAAAATAATGAGGATTTTTAATCTCTGCCTCATTTTTT				
X06700	GS923129	BES	GATACCTTATTTAAGGCTTCTTAGCTGTTATCTGCATTCTGTAGGCGTTTATTTGAACTA				
X06761	BQ584066	EST	TTAAACTCTTGGAAGCCGTTCTGAAAAACTGGCAACCGTATGAATGATGGCACCTACCGT				
X06774	ED020908	BES	CATTATTTTGCTTCACCGTGGCACTCCGAG				
X06786M	GS923282	BES	AAACTCCCTTTCATATAACTATCTATATTGGTATTTTAGGGTTCAAGGTTTTTCTCATAT	TTATTTAGTAATTTATCTAGTAGTTTGAGTTGGGAACAAGTTTAACTTTTCTATGATCAT			
X06824	GS923213	BES	GAAGATGACCCCGTTTCTCCTATTTTCTTTACTCTTATGCACGAATTAATGCTTTCCAAT				
X06840	ED020851	BES	GCAACTTGTATTCATCTCTACGTAATTTGCTTCCTGAATCAGATCAAAGGGTAAACTTTA				
X06852	GS923206	BES	GACAGAACGGTTGACTCAGATAGATGCTTA				
X06865	GS923211	BES	GAGCTCATCGTACAGCTAGTATGCAATTGTATAGTTTATATCATGTAACTTGGCTTGGTG				
X07017	BQ586412	EST	GCTTGGTGGAAAGAATTTAGAGCTAAGTGACCAAGCTATGACTGCTCTTACATTTGATGC				
X07072	ED028888	BES	ATGTGACCCTTCCAGATAATCTAAGAGAAGATGTAGAAGCAGTGCAGATTAGTGGTGGCC				
X07086	ED025606	BES	CGATTCAGAGTCTGGTCCCATCATCACTCCTGAGCAGCAAATGAAATTAGTGAAAACAAG				
X07090M	GS923250	BES	GCCCACCTCTAGTTATATGTATGTGATCCTATGATTTAGGAAATTGTTTCCTGAAATTCT	GGTTAGGATTCCTATAACTCGACGAAAACAACTCTCAATCCTATGAAATTTTGACACAAA	AACTCGACGAAAACAACTCTCAATCCTATG		
X07122	GS923160	BES	GTGCAGGCTTAGAAGGATGCAAACCATGTAAATTTCCCTTCCCCAAAGGGAGTGAGGCTAT				
X07180	GS923179	BES	CAACCGGTCAATTTCCAATGATTTTGAGTACAACGGTCATATTTTACCGTAAGAGTAAG				
X07192	GS923377	BES	GCTTCAGTATGTTTTATTTTTGTGGTGAAAATTGCATCCACACTTGCTTTGTTCGAACAA				
X07208	AW697766	EST	CTTGTTTGCCAAGCTCCTTAGAAAAGAAGAGCGTTGCAGGAACCTTATCCATGAATGTTG				
X07214	GS923193	BES	GAACTGCACCAGTTCTTCTACGTCCTCTATCATAGGAACTTCTTCATTTTCTCCTGCTT				
X07261M	ED025628	BES	GATCATCCCATTAAGGGTGTGTTCGATCAATTCATACAACTTTTGGCGTTATTCAGCTGC	GGCGTTATTCAGCTGCTTTCAATCATTATCAGGGTAAGAAATTCTCTTAACTTTTCTCAA			
X07294M	GS923375	BES	CCCCAAGACATTAATCACCTAGTTTAAAACCAAGACCCAATAATGAAACTAAATCCC	GTAACCACCATGCTCATGCAATAACCTCTACTCTTGCTTACACTTTGTTATAATATTCTA	ATGCAATAACCTCTACTCTTGCTTACACTT		
X07327	GS923355	BES	GTTGACGTGGATGCATGTTAATACGAGAAAAGATAGAGAATCCACATTGAAGAGAACTAACCA				
X07373M	GS923269	BES	TTTTCGCACCAATCCTTAAACGTAACGAGCACTTCAGTGCTGGGTTCACATCAATGTGCA	AGCATCCCTCAACCAACAGACAGGTAGCACCAGAAATGCACCTTTATAATTCCTCATTAT	ACAGACAGGTAGCACCAGAAATGCACCTTT		
X07426	ED022759	BES	AAGCCTTAAATCTCACTATGTAAATGCCTTTCTTCACATAGCCACTTTATCACCTGAAAT				
X07442	GS923216	BES	AATCTCTTGTTGACTATGTCGGCTATAGCA				
X07502	GS923238	BES	CTAGAAAACAGAAGCATACCTGCTTGCACTTTTACAAATAGCATATTCTTGATTATTGCTC				
X07509	GS923157	BES	ATCTCTGGTTGTCCTACACCGCGATTGTGT				
X07532M	ED026968	BES	GGAGGTATGACTATGGAGGTAAATTTTATGCTTCAAAGACATTTTTTGATGGTGGGAAAA	GGTCAGGGCTTCAGGTAATTGTCATTAGAACATTTGAAGTTATAGTTTGATAGTACTTCA	ATGCAGTCTATCCCTCGAGTAGTGTGGCTTAGTGCTAGTGGAAATCAATTAATGCAGTGG		

X07547M	GS923360	BES	ACAGTGGCTTTCATAAGTACTTAGATAAGCATCCGGTTTTGGAAAAGGAAACTAATAGT	TCTTTGTGGGATCTTTTTAGATTCGCCTCA	
X07596M	DX979460	BES	ATACAACTAGACCAACTTATGTGAGCTTCAATATTATTGTGAATTTGTAAGGGCGCAAAG	CCATACTTCCATCCTCATGTGTAAGTGTGAGTAGCTTTGAAAAAGTTAATGAAATTTGGA	
X07633M	GS923212	BES	CCTACGAGACGGCTCTTACATTGCTTGTTTTAAAAAATTGGTAACTTATCATCCTTTACA	GGCACATCAATACCCTACAATGCCATGACAATCTAGTTAATCAAATGTGAAAAGGTAA	
X07670	ED568082	BES	GTTTGATACCTTGAGGTATTGGTATGAGCTGTTAATTTACTTTATGGGTTTGAGGTATTG		
X07736M	BQ595428	EST	TATGACATCAATGCTAATGACTATATTTCCCTTCTATGTGCCATGGGATACAATTCAACC	TCAGAAATGCATACCCAAGTTGGAGTCCTGCAGCTGTGAAGTCTGCCCTTATGACCACAG	CAAGTTGGAGTCCTGCAGCTGTGAAGTCTG
X07742	GS923323	BES	CAAAGATCAACTAATTTAATTTTGAGTCGCCGTATCACATCTCCATCAGCTAGGGAA		
X07897	BQ592216	EST	AATTGTGGAGAAGTGACTCCGAAGGAGACTTGTGTAGTTCTGCAAGACGTTGTTCCTCTT		
X07916	GS923293	BES	CTGCTCGGCCTCATAATTCGATTCTTGAAGCTCTCTTGAGATAACTAACGGGTTAATAAT		
X07961	BQ586853	EST	GTGTGCGACAAGGGATGGCGTTCTATCAATT		
X07972	GS923145	BES	CCATAACATCCCAAAAAGTGGTTCGCATCACATTATGAAGTGTTTCAACCTTTAAAACTA		
X07976	GS923386	BES	ATAGTAACTGTCCTGCATGTAGATTAAAACCTTTTGGGTGATCCTCTCCCTTCATTACCT		
X07980M	GS923185	BES	GTTGTCGTGTTGGTCAATGGTTCGGTCTGTCTGCATTCTTGAAAGCATGGTCAT	AGTTAGAATTGTCATGTATATCTACCTTCTCCCTACCATCCAACTAATCTTCCTTATCAA	
X07983M	GS923324	BES	CAAACGATGCTATTGGTTTCAGATGCTAATTGTTTTTGAACACCTTTAGACTTGCAAGTT	TTGAACACCTTTAGACTTGCAAGTTATAACCTGTAGGCTGTAACAGTATGCATATTGACT	
X08003	GS923388	BES	CCAAAAGTATGCTCTATTGAACGAATTCCAATGGCTCAACCTAATACATGCTTGACCCAA		
X08039M	GS923178	BES	ATCTAAGGCCTTAATTTGAGTTGCGGAAGGAAAGTCTAGTGATTACATCTAGCCCATAGT	TAGAGTACTTAGCACAGTTCCCTTTAGCATTGAGTACCGATTTGAGCTCTTTTTGTGTAA	
X08087	BQ592009	EST	TGTGCCTCCGTCACGATTGATGGCTTTGAT		
X08155	GS923245	BES	CTCAGGTCTTTCTCTCGCGTTCTCCACCGG		
X08174	GS923272	BES	ACCGCGGTGCTGAGAACGACGCTAAGAACCAGTAATCAGACCATCTAGAAAAGACATCA		
X08193M	GS923152	BES	CTTGCAAAATCTGAAACAAGGAAAGAATTGAAAGTCGAATTAGGTTGCGATTCTCAATCA	GCGGAAAGTAGATGAAGAGATAGTAACCAGAAAAATTCTCCTAAAATCCAGATTGGAAGT	
X08237	GS923133	BES	GAACCAGATTCCAAGTTCTCCATTGAAGCTTGAAGAAGATTTAAAGTGGTAATTTTTCTG		
X08287M	B096308	EST	ATCTTTCCTAGCTGCCAATGGATTTGATAAAATTCCAGAGCCTATTGAGGGCTTCATCAG	TGGCTTTCTTTCTATCCAGGCTACAGTAACACAATTAAAGGCCCCCCTGAACATAAAAAA	
X08288	GS923174	BES	ATTTTCTAACTGGTTAATTCTAGCCTCCAT		
X08302	ED025930	BES	ATATTTGAGTTTCGTTTTGTTTTTCCCTCTTTTTGGTAGTAGTTTATTTACTAATGGGCA		
X08309	CF541258	EST	GGTGATGCACCAGCTATAGCCGTCGTTGGT		
X08362	GS923135	BES	ATCATTTGCGACCTTGTTAGCACACACCTA		
X08424	GS923300	BES	GGCGAGAGTACAATAATCCAAGGTTTGAGTTGCTTAAGAGGCTGTTATTTCCGTTCCTTG		
X08463	GS923164	BES	ATAGTTATTGGTGCTCCATTTCAGCTTTAG		
X08485M	DX981979	BES	GCAAACATTAGATGTGAAACCGGGACTCTA	CCAAGTCTTGTCTATAGTTGCTTGGTTAATCATGTGGGAGAGTGATTCGAGGCAGATGTT	
X08487	BQ585136	EST	ATGCCGTAACACAGCTGCTCCAAGTCCCTC		
X08531	BQ592853	EST	GTTTTCCACTCTGAAGTCGATGAAATTGCCACTTAAGAAGCTAAAGACTGCTTGCAGTCC		
X08539	GS923223	BES	ATGAACTGTTTTGGTTAAGCTGGTTGAATGA		
X08545M	BQ582799	EST	CCGCTCTTTTTCAAATGATCATAATGGGGAATCTCACCAATCGTGTTATTACCTTGTGGTA	AAGTATGGTCCTGCTGTTGATATGTGGTCAGTTGGATGTATTTTTGCGGAGCTGCTCCAT	
X08559	GS923255	BES	TCAATTTGAAAAAGGTGCATTTTCAATCCAAAATCGAAGAGAAACTTAACTTACACCCC		
X08690	GS923364	BES	TACTTTTAGCTTGACCACGATGCCATGTGAAGCATCCGTTTGAGCAGTTTATCTCTGTAA		
X08757M	GS923374	BES	TAAGCACGGAACAGGGCAGTGGCTACAACTGAAGATTAGGAAATCTAGCATATTTTTAAG	AGAGTCACCTGATAGGAGTCATCCAATCCC	
X08792	GS923137	BES	TTGTCACAAGAAGACCACTAGCATGTCATCTCTCTTCGCAGATATTGATACTGAAAGTG		
X08925	BI543347	EST	GTCTCAGACATCCAAACAGTGTTAAAAAGAGCTTGGAGCACTGGAATTGATCGAATCATC		
X08957	DX983074	BES	GGTAATTCAGCTATACTTCAAGATCAGAGGTATATATATACATAGGTCTTTCCACATAACCT		
X08973M	BQ586836	EST	TTATATTGAAGTCGTCTCTGCCGGAATCTGTTTCCTTGTTCACTTCGCGTGGTCATGAGT	TCCTGCCGGAATCTGTTTCCTTGTTCACTT	AGTGCTAACCGTTCTCGCAAGCATCAGAGTGATGTAGTTTGGTTAGTGGCAATGATTTTG
X09024M	GS923267	BES	CCAAATCCTCATTTGGGCGAGTGATGAAAGCGAAGTACTTTCCGAATTGTGACTTTCGTG	GGCGAGTGATGAAAGCGAAGTACTTTCCGA	
X09040	BQ606602	EST	TCCAACGTCCAAAATGTGCTTGTATCTTCA		
X09080	GS923349	BES	GTTTTAAGTTGAAGTGATGATTCTAAGGGGAAATAGGGTTACTAGGGATGAGCGCGAATA		
X09125M	ED023136	BES	CAAGTACGGTTGATCAATTATCAACAAATAATGTGTTATGTATGAAGAAACAGGGGTTCC	CAACCCCAAACCAAAAGTATCCAATATGCTCAATTCATATATATTTTTTGGCGCTGCTCG	
X09201	GS923361	BES	CCACTTTTCAGGAAGAATTTTACCTAACTACGCTACTATGTCAATTAATTGTGTAAGCTC		
X09204M	ED025212	BES	GTAACTAAAGATTTTGATGGTCAAAAATACATGTTGGGAGTCTTAAAAATCATTCAAAAAA	AAACACTAATGACAATATCTCTTATTTTTATGATGTATGACAGTATGAGTGGGGTTCATT	
X09236	BQ587256	EST	AAACTGCAGAAAAACTTGACTTCAGAAGACTTACTACCCTCTTTGTGGGGATAAATGCAAG		
X09243	ED031910	BES	ACAATCTAATTCAAATATTCAGATCATCTCAGAGAAAAGATTTTGAAGAGAGTTGAAGAGG		
X09268	GS923184	BES	TTTTTTCCCTGAACTTGCTTCCTTTCCCCCTCGTATTACCTGCGTAGTTGAGACTTGTGA		
X09273	GS923253	BES	CTAAAGGTCCTTGTTGATATTGATGTATGGTTCTTATCCTGGCATATCTGTAGTAAAGTG		
X09275	GS923273	BES	GGACTAGGTCACATTGAACAAACCAATTAAATCCTTGTGTCTTTTGTTCCTCTTCTTTAT		
X09329	GS923140	BES	TTTCTTTGGTAAACATGTCTAACTCTACACTCCACAAGCTCCTGTATCTTCTTTACAGTA		
X09334	ED024582	BES	GGTTAGGTTTTCGTTTTCCGGTTTACAGGTTGTTTAGTTTCCTTTTTCTTTCGCTGGTCT		
X09433	ED029008	BES	ACATCTTGCTGGCATCTCAATCTATGCGAAGAAAACACGGATCGAGTGTCTACTCGGATA		
X09445M	GS923217	BES	GGTTCACAGCAACATCATCACGAACCCTCTCCTCATCATAAAGAATCATAGTGTCATTCT	CAAACTGATTACCTTGCAAATACTCACCTGGATAAATAACTTGCAGCGGAATAAGAGAAA	
X09448	BQ582989	EST	TGATCGGTTTATATACTTCTCGAACTGGCTTCATGGAGATATTCGACAATATAAcATTGA		
X09466	ED570042	BES	CAGATATTGAGAGTTGAGACCCATACCTAAACCGTATCCATATTTGAAAGTTCATGAACA		
X09471	DX979748	BES	GCAATATTAAATGCACCATACACTGAGGCTGAGATCACGAAGGCCTATTTTCTATTTCCA		
X09487	GS923177	BES	GTACTTGCGCATCACAAACCCTCATAGAAA		
X09576	GS923202	BES	CAAACATTAGAAAAACCCTAAACTAAATATAAACAATATTAAGAGAATTTCTTTTTAGGC		
X09580M	GS923114	BES	GATAGGTTGGGATTTGTGGAACCATGCTTAAGAAATGAAATTTTCAGATAGGTGGGTGACT	TTTCCAAGCTTCAAGAGTCAAAGGAATTGGAGGGGTTACAGATAGCTAGAAGAGCCCCTA	AGTCCAAACACGCCGAAAAAATTCAGGAAAATCATGAGAAAACCTCTGGGAGTGTTGGAT
X09581	GS923210	BES	GTGCTAGATGGGAGGAATTTATGACAAGTTATTTTTGCAATTAGACCCTACAGGGTTTAAT		
X09686	ED029397	BES	GAATTAGTAATGAGGATGTGCGTGAGTAAAGTATTGAGAAGTTTGAGCAAAAGTGGCAGGC		
X09756M	ED568595	BES	GGAAATAAGATCCAACTGGTATGCTGGACCTTGAAGTTCAAAACAACCAAAATCAAAG	GAAGAATTGAGTAAATTATCTGATTTGTCGTTGCCATTTTAGGATAGAGTTTGAGCTGGA	TCTACACAAGAAATCATAATTTAGGGTATTTGAAGGTATTCTGGGGCAATGTAGAGGGTG
X09758M	GS923329	BES	GAAAGATTCAAATCTTGGCAAAGATAAAATCGTTTATTCGCAACCTCAAGAATCACCAGA	GCTCTGATACCATATAAAGAAATGGAGCTTCAGGAATGAAAAAAGACTTTCATTGAATCG	AAGCTGACTAGGATTCTTACATAATTTATGATATATAACTTATAGTGGAAACATTCATTA
X09802	DX581055	BES	GGCTTTATAGCCGGAGTATATATATACAACCAAAATTAATTTTAAGCCTCAGCCTATCTC		
X09810	GS923146	BES	ACTTTCCGCCTTCCGATTTTTCCACATCCAA		
X09813	GS923143	BES	TAATGACTATCATCTTTTTCTTGTTTGCATGTGCCTTACTCTCAATGGCTAAAGTCATGT		
X09815	BQ592240	EST	TACATCGGAGCGTCAATTTGTCCAGCTTCTTCACCAAGGTTACCCTGTTGTTGTTGCTTT		
X09856	DX981953	BES	AAGGAGAGGAAATCTAACCCTCCATCTCTGTGCTAACATCAGCTCACGATCTTTCTCT		
X09913	BQ594396	EST	TGCCATATCCACAAAGCAGCTTCCTTATCCTACGAGTTCGTTTGAAATGGTACAATTGTTC		
X09915	BQ586591	EST	TAAGTATACAAAAACTCCTCTCTGAAATCTGCGACAATCTGCGCGCCTCAATCGCGCATTTCGT		
X10005	CK136353	EST	CTGGCCAAGCTGTTTTGGCAAGCTCCTTGAAAAGAAGAGCGTTGAAGGACCTTATCATGAA		
X10031	GS923306	BES	TTTTTCTTGGAGCTTGTTATGCAGGTGGGT		
X10050M	GS923163	BES	AATTCCATCTGGCGAATGCCAAGGCCTCCCCAACCTTTTGGCAGTTGAATGTCTTTTAAAG	AATTCCATCTGGCGAATGCCAAGGCCTCCCCAACCTTTTGGCAGTTGAATGTCTTTTAAAG	
X10220	DX579429	BES	TCTTCTAGAACCTGTTGAAAAAAGGGGTTATAAGAGTTATCGGGGATGGAAAATGACCG		
X10226	ED026269	BES	CGGTTGAGAGCTTCAGCAATGAGCACAAAT		
X10230	GS923322	BES	TCAATTACTCCCCTAACAGAAATTATTGAAGCCAAACAAAAATATCTGACCGCTGCAGTAA		
X10275	GS923336	BES	GGAGCGAAATGAAACTAGATTTTGACGTTAAAACCAACTTGACTCGATTATAAATATGGC		
X10324	ED025523	BES	GAGTTAAGATAATGTTTTTGGATTACCCTGATCGAACGGGATGAGTGAACAAAGCAGATC		
X10341	BQ589753	EST	TAAAAATATCGATGCTTGCAAAGAGCTCGCTGACATGACCCGTACTTCTCTTGCTCCTAA		
X10350	DX979582	BES	TTTGTGCATTTTATGTGTTTCCTATCAATTAGCAACCAATAAATCATGAAAAATCCTTAAT		
X10404	BQ488413	EST	GTAGATACTGGAAGAACTGTGGTTTGCACAATTCACCAACCTAAGTATTGATATCTTTGAA		
X10414	GS923376	BES	GGGAGGTGGGTATCGCTCATACACATACCTTTAGGTTTAAAATTAAAAGAAAAACATATC		
X10451	ED025928	BES	AATATTAATAAGAGTGCCATTGAAGTGGCAGGAAGATAGAAGACCGCAAATAGCGATCCA		
X10453	ED029011	BES	GTGTGTTTATTAATCAGATTTAGCTTTTTCCTATCCCCTTCCTCAACCCATAGAAAATTG		
X10461M	GS923219	BES	TGCTGCTAATTATCTGGTTTATTTATTTATTGATCTCTTAATTCTGGTTTATTATTTATTGA	GTAGTTTCTTACGAGGGGAAGGGATGTAGC	
X10477	CF542899	EST	GCTCAGGAGTGTGTTTTTGAGACTAGTATT		
X10538	BQ583225	EST	AATGGTATGGCTTGAAGCAGCTCTTCCACTGGGTATTATCGCCGGTATGATGTGCATTAT		
X10554	ED031153	BES	CGGTGCCTCATGATATTGGATCACACTAAGTTAATATGCTAAAAGTTCGTTATTACTC		
X10592M	BQ588298	EST	GATGGAGAAGTCAGATGCTTATAAGAAATTATCTGGGTCCAGCAAGAAATGGGATGGTGG	GGTCCAGCAAGAAATGGGATGGTGGTGGCC	
X10599	BQ589010	EST	TGGAGATGGAAcGAcCCTCTGTCATTGTTCT		
X10645M	GS923314	BES	GGTTCTATGTTAGTTTTCGTCGTGAGAAAGTCGTGCTAAGTGTTATCATTATATTTTACATG	TTCGTCGTGAGAAAGTCGTGCTAAGTGTTA	CACCACATGATTAGTTTGTCCATATATATTGGTCCCAAAAAGAAGCCAAGTCATCAAAAA
X10698	BQ489378	EST	AAGAATGCATACGCTACGATGATGTACATGGGAACACCTAGAGACACTACGAGTTCTACGTG		
X10731	GS923196	BES	TAATTGAGCTCTCTTTCAAGACGAAGTTCTTACTATGGAGTGGTATTCGTGTTGGTACGG		
X10744M	GS923134	BES	CTGGTATGTGAATATTTTGAGTTTTGCTGTTGTGGAGCATCTAAGACAGACATTCATTCATA	TGGGTCCTTTGCTAGGGTCCTGTCCTACAAAGTTCAGTAACTAAAAGTTGTTTTAGTTTT	
X10852	BQ490030	EST	AACAGAGAAGGCGATCTTCTCTTCTCATGCGCCAAGGATCATAATCCTACTGTTTGGTAC		
X10998	DX981226	BES	TACATTCACCATAAGTCCAATCCTTAAGGCAAATTATAGCTTCAACAGTAGACGACTTTA		
X11028M	BI543672	EST	TGTTTATAAAAACTCTGGCAGCTAGGACTTTTCCGTGCTGGTTCTATGAGCCTTCGTCA	TCTGGCAGCTAGGACTTTCCGTGCTGGTTC	
X11098	DX979398	BES	AGGTTCTACCATGTGTATGTCAGATAGCTAGAGCTAAGAAGCACAACGGCTCATAAAAAA		
X11109	DX580115	BES	CATTAATCATGCCTCGTGTCTTCAGCCAGG		
X11152	BQ593111	EST	ACGTAATGGTGTCTTTCAACTGGTGCAGCACTGTCATTCTTTGGAGATATTGAGATGTGG		
X11158M	GS923123	BES	AGCTTGTGGCTTCTCTTTCCTTCCCATGATATTACCCCTTCGATTAAGCAAAGTTAAA	GGAGGCTTGTTGCTATCATTTTCTAATACTTGATTTCCCTCCCTCATGAAAGTCTTGTAA	
X11164	BQ585329	EST	GTTGGTTTTGCAGGATACATTTGCTCAAGAAACTGCTGTCATGGTTGAAGACCCCAATAT		
X11218	GS923241	BES	TGCTCAAGCCTGACTTTATCGAACTCCATT		
X11247	GS923125	BES	GATCCTCTGAAGGATGATTACAAATAACACACTCAAGAGGAACAAAAATATGACTCATCT		
X11275	GS923154	BES	GCTTCCCAACTCTTTTGTGTGCATGTGATGGTAAAGATTTCATGGTAATATATTTGAAGT		
X11361M	DX980260	BES	AATCTATGACAGACATTCAACTTAATTTCCTTGATAACTTTCTCAGGTCTTCGCACTGCC	CATGTTTCTTCCTGAATATGACACATAGGACAGCATGCCTCTTGCACTACACCATAAACA	
X11393	GS923371	BES	CCAATCACACCCTTCGTCCTGTTTTGTCAAGATTTTTGAAATAATCTTGCACACTACTGGA		
X11418M	GS923232	BES	TTGGGATAGCTCTATTACTCAGATGTCCAGCATTTCAAGAAACTGCAGCAAAGATAGACG	TACTCAGATGTCCAGCATTTCAAGAAACTG	
X11426	ED029375	BES	TTTATTTTGTGGCTGAAACCAATCAACTTTTCATTGTTATTGTTATAAAAAATATTTGA		
X11443	DX981475	BES	TCTATTGTTGGTTATACAACAAAGGCTCCAAACTACTGCTAAATTAGCTGCTATTTGGTA		
X11453	CF543675	EST	AACGTGCTTGCACAGATGATCGTGATTGG		
X11497	GS923295	BES	AGCTTGAAGTCGAAGTAAATGTGTAGAAGAAGAGTCTTAATGTTAAACTTGTTCTGGAATCG		
X11513	GS923286	BES	TTGGACAATTCAATTTTACATGTGTTGATTTTATTATTTCCATTTTTGTGTTAATAAAAAC		
X11526	BI643071	EST	TAGTGATACCCTGGATGTTGTCTCTCAACACCTTTCTGTGCCTCTTTGCGCCACCCCTTC		
X11586M	GS923315	BES	CCAAGTCCATTGCCTGCATACCATGACTGT	TGCTGAAATGGTTTGAACTGCAAGAGCCAT	
X11633	ED568042	BES	AGTGCCTGTCTTCATTTAGCTGCCGTCAATCAAAGATTTTGTTTGATCTCAGGTTCAAAA		
X11641	GS923122	BES	GAAGCTCAAAAGCTTATATATATCTTGTGTAAGATTTCCGAGGTATAAGACCTCTGTTCT		
X11663	GS923266	BES	CAACTCGTGCCACTCTAGGGATGAATCTCA		
X11779	ED026248	BES	AGCTAGCAGGGCTGTCTGATAGGGTGTTCA		
X11785	GS923105	BES	GGACAATGATAATAGAGCATGGTACACCGA		
X11787	BQ593076	EST	TTGTGGGGAAAGACTTCCCTAGTTATATAGAATGCCAAGAAGAAGTTGATGAGGCATACA		
X11792	ED568745	BES	CTCACAGATTCAACATCCAAAACTAGCTACTACTCGTCTCATTTCATCAAATTCAAAACA		
X11858M	CF543216	EST	AATTATGAGCTATTTGTGAAGCAGTCTCTTAACATGGAGATGGCCATCATCATGGCTAGG	GTGAAGCAGTCTCTTAACATGGAGATGGCC	
X11922	BQ593565	EST	TGAGACTATCTTGGCTTCCTTGCTGTCTTGGTAGAAGATTAATGGTGTGGGATCTTAGCAG		
X11940	GS923147	BES	TGGAATTTGCAGAAGCTTGCAGAGTCCCGTGACTAATTAGTGTATGAGTATGTTATATGG		
X11981	GS923188	BES	TATTTGGAAGCAAAGCAAGCTGCAGCCTTA		
X12000	ED020869	BES	TGGCAGTCCTTCACGAACCACAACTACAAT		
X12061	GS923372	BES	GTAGTGTTCCTAGGGAAATAACAAAATTCACATGGTTATCCTTTTCGCAATCAAATTCAC		
X12161	GS923291	BES	TAGGCAGGGGAGAAGTAGTAATGTCACGTT		
X12254	GS923281	BES	CTCATCAGGAGTAACAACCCATTGTTTGCAAACGGGTACATACATTTCTTTCTCTGCCCC		
X12278	GS923280	BES	CTACAGTGAACGAGAACTACCAATGATTCTTCGTTTCATGCTGGTCCATACCACAGTTGT		
X12282	GS923192	BES	TATTAGAAGCCAACATATTAGCCACAGATTCAGGGTTAAGAAGTCCCTCAGGGAAATGAG		
X12304	ED568427	BES	TTACTTTACCATTGTCAATGTATTCCACCGAAATCTCATTTGTCGAGCTTCAAAAACTA		
X12307	BQ586772	EST	TCTAAGCTGTGGTTCACCATCATCATGTCACGGACACAAAGGATCATTTTGGGAGCATGA		
X12355	CV301819	EST	TTCATGGCGTTTCTCATCTGATGCAATAAT		
X12386	ED026837	BES	TCACCTTGGTGAGTGTGATTCCTGCTTTAGCTGAGTTATCCATTTTACGCCAAGCAAAAT		
X12393	ED024788	BES	AATTTTGTTAAATGTGGTACTACTTGGAAAAATGTTAGACCAAGAATACTAGGCAAGTAG		
X12397	GS923208	BES	GTTCGTGGCGTAGTTCAGCAGGCAAATGAT		
X12450	BQ593030	EST	CTTGGACGAGGATATCCTGCTGTGGTGAG		

X12478	GS923246	BES	TGTTGGGGCTGGAATCTTACCAACATGGCT	
X12495	GS923237	BES	TAATGATGGTGAAGTCGTTATCGAGGTTGC	
X12514	BQ594181	EST	TTGATCATACTCCTATTGAGCAAACCATGGGTGATGTGCCATCAGTGGCATCTCAGCTAT	
X12623	GS923298	BES	TAGTTACTCGTGATATACTCGTGATGAAAA	
X12665	ED031635	BES	GTTATTATCTGTTAGACTAAACTTAGCTTCTGATCAGGTTTGCAGAGATTTCATGATTGG	
X12684	GS923161	BES	TGTAGGGCAAATCGGTGTGCAAGTTCAGTG	
X12738	BQ592268	EST	ATTAGACCCTGCTGATGAAGTAGTGGAGCTCGAAAAAAGCAACATTCTTGTAATGGGCCC	
X12794	BQ586992	EST	GCACCGGCCAGGTCCACTGCCTGAGGAGTT	
X12844	CK136710	EST	AGTTTGAAAGAGGTGTAAAGATCTCTCCTTTGATTGAGAAATCTGAAAATCAACTTGCTG	
X12846M	ED569070	BES	TGGGCTCCAAAAACAATGAAGTTACTAAAATACTCTCTTTTTTCTCTTTGTTTTTAGAAA	CCTAACATATCCAATGTGTGAAACAAATACAATGCACAAATTTGTGACAGCCACCTAAAT
X12857M	BQ583062	EST	GTGCTGGTAATCCACATTTTTGGGTGAATGATGATGGTTCATACCAAGAAGAGGGACAAA	CCTGTTTGAACCCACCTAAGAACATTAAACCTGGAAACTATTGGTATGACAAAGTATCTG
X12860	GS923197	BES	AGCCTTCTTAAGGCTAGCTTTTAAGAAGGGAATGTTCCAAGAGAATAGGTAATGGG	
X12871M	ED029786	BES	TCAAACCATTCCAAAGGCCCTCCCTATAAAGAGTCAAACAGCAGTATGATTTCTACAAAT	GGCCCTCCCTATAAAGAGTCAAACAGCAGT
X12879	BQ587997	EST	TCTACTGATATGCTTGCCAAGTATCCTGATCGAGTTCCTGTGATTGCTGAGAAATATTCA	
X12880	GS923275	BES	ACTTACTGGACTTAGCTAGAAGCGAGGAGAGATCCCTAATTCATGAACATTTTTGTGGGTGT	
X12931	GS923156	BES	TTGATTTTTCCAAAAGGTATTGTATTAATTTGGGGTTGGTATGAGTGGTTAAGGGTCTCTC	
X12993	GS923203	BES	ACATCTCTCTTGTAGCTCATCAAACATCATGAATTCAGATCGATACTTATCCTTCCAAGTG	
X13016	BQ496072	EST	TATGTAGTTTCCTCTGTATCCTGAAAGCATGGCATCTGCAGTTCTTGTACAGAACCAGCGC	
X13090	GS923316	BES	GCAGGTATTGCATAGTATACCAACAATTTACCAAAAACCCTATAAAACGCGAAGCTTTTA	
X13105	AW119345	EST	CCTAGTCCTGCTATGATGTATGCACACTCTTATGAGCAATTCAGGCATTCTGTTTTCCAG	
X13122	GS923220	BES	GGCACCTAGTAAGTAAACTTATCTTCTCAGTTCCAATGCCTTATCTGAGGGTGTTTTAAAG	
X13124	GS923279	BES	ATATACAATCATCCCACGAATCCAATTTACAACAACAACCTCTAACCGAGAAAGGCTTGG	
X13137M	ED025311	BES	ATCAGTAAAAATTGCACCACCTCCTTCACCTGAAGAATTGACAACCTTTTGGTTTTAACT	AGCTTTTCTCTAAGCTTTACAACTTCACCGACGACAACGGGTGATATCGTCCCAGTTTTC
X13173	GS923231	BES	GCTTAACCTGATGGTCGTATGTAGTAGCAATATTTATCATGTTCGGTGATTCAAATTACA	
X13196	GS923153	BES	ACAACTTGATGACATTGTTTTGAATGACAAACGCTCTCGAACTCCCCTCACAGCTTTTTT	
X13246	GS923369	BES	GTTCTCTCTTCCACAGTGGAAAAAGTTAAAATTGGCTGGTTTGTTGTGAATAATAAGCTA	
X13308	ED026753	BES	GTCCATTAGATCGACCATAACACTCACCAATATCATTGCATTATGTAGAATTCTCAACAA	
X13320	GS923347	BES	GTAGGACCATGCCGTTGATTAGTGTAATGTGTGTGAATTTTGCAAAATCTTACATTTCTA	
X13342	DX983036	BES	GCTGCGCCATCCAATGAATTGGACTGACCAACATAAGACACAATTTCTTCTAAACGTGCC	
X13371	GS923142	BES	GATGTATTTAAAAGAGGCCAATTGGGGCTGC	
X13407	GS923367	BES	GTACCTATCTGATCCTCTTGACTTTTCAGGCAACAAAACGACGCGAAGCAGAGGAGAAA	
X13418	GS923132	BES	CGTTGTGGATAAATGCTCGTCCTTTCTAATATAGCTGCTATGTTATCTGAAATGGATTTT	
X13420	BQ586269	EST	TCATCTCAAGGAGTTTGCTGTTAAAACTTTCATGGACCTTGATGAACATCTCCTTAAGG	
X13470	ED032045	BES	TTCAGGATCAACAAGCACAGGGATACATCAC	
X13499	CK136852	EST	CCTCAGCCCGATTACGGCCTTGGACGTCTCCCGGAAATTCAATACTTTCAACGTTCGCCCT	
X13528	BU089565	EST	AATCATTTTTACGGAGACATACCTTGGATCTTACCGGGTTAGAGAACCTTGAAGAGCTCGAC	
X13564	ED030373	BES	TAATGACTATCATCTTTTTCTTGTGTGCATGTGGCTTAATCTCAATGGCTAAAGTCATGT	
X13594	ED021725	BES	CAGAAATTGTAGGAGTGGAAATCACACTCATGATAATCTTTACAAGAGGAGAAGGAAAAT	
X13633	GS923311	BES	GTGGGTGATCTAAGTAGTGGCAAAGGCTGA	
X13792	GS923169	BES	AGTTCTACGTGTTTTACGTGCATTAGGAAT	
X13825	GS923112	BES	GTTTAGTTGTCCGCAATTATTTTTGCTACC	
X13846	GS923356	BES	CTACTCCATATAAAATTATTACAGTTGGGTCCCTAACCAAGTAGTAAAACTTACGTCTGA	
X13916	GS923265	BES	GGAGCAAATTAGAACCTGTTGGAAAAATTTCATGAACGACATTCCAACAAAGCATTTTGT	
X13973	GS923148	BES	GGATCATACAGTAAGCAACTAAGCATGTTGAGGGCTAATAAATAACTTTAGAATGAGAGA	
X13976	DX979207	BES	TAATCCATCGGTGATGTACTTGGAGGCAATCGGGTGATGAATTGTTTTTTACCCTTGTAG	
X14015	GS923155	BES	AATCTGGAAACTCCGAGTTCAACAGCGCAT	
X14027M	BQ594131	EST	GGATCAAATCACCAGCTGAGATTAAGTTGATGAGAGAGGCTGCTTCAATTGCTTGTCAGG	CTGAGATTAAGTTGATGAGAGAGGCTGCTT
X14041	BQ584411	EST	AATGAGCAGATTCATCTGCGAGCAGAACTTGCAAACCCTTACAGCAACTCCAAGACAGT	
X14095	GS923262	BES	GTAGATTTCAAGTCCTCCTACCCACATTCA	
X14113	BQ589959	EST	TAAGATGAAACTCGATTTGTGGTGATACAATAGGCTATGCATTGACAGCCCCATCTGGGCA	
X14114M	GS923117	BES	TTCTCTGCAATTTTGCACTATCTCGAGCTTTTTGGTTCCGACTGACCTTGTTGTTGTGCA	CACTATCTCGAGCTTTTTGGTTCCGACTGA
X14181	BQ592851	EST	CCGAGTGGCATCAGTTTGTTTCTAAAAATCCTTCATTGTTAAAGATAATGACACTCCAAT	
X14185	BQ590434	EST	TGTGAACAGTGTTCATAGAGTGGGCTGCCATCAGATGGTTCTTCATGAGGATGAAATCCA	
X14243	BQ590348	EST	ATGACCTGGAACGCTCTGTGGATGAACTCT	
X14274	ED019871	BES	ATGAAATGTGTCAGTGTTTGGGTCCACAAT	
X14320	GS923257	BES	TATCTTCTTTTGCGCAGCTTGTCATTCAGCT	
X14356	ED019319	BES	GCTGCACATGTTTCACTTACTCAGCCAGCACAAAAATGATGATTACAAGCTGCATTTTTT	
X14360	ED024679	BES	CTTTGAACCAAAATATGATAATCATATCACATGTGTATAGTTTGGTGACTCCACTAGGGA	
X14407	ED024429	BES	GACTGAAGTGGTTCTCCCATCGACTTCCAT	
X14454	DX581000	BES	TTTTTCCAGTAAATGCCGTCATCCGATGACTCTATCTGCTATCATGTCTTCATTTCATGT	
X14458	ED029033	BES	GAGGACATTAACCTCAAAGCTGTGGCATTTCAAAGAAGTTTGTATAAACTTCTATAGAAG	
X14480	GS923284	BES	CCCCTGCTCAATCACAAATACATGTTAAGTTAGTACCAGGATCACTCAAGAAAATAATAACAT	
X14515	DX978797	BES	TTGTTATTGTCTAAGCGTCGTAGCTTAGTTGAAGGGGAATAGGAGTGGGCTCCTCAGCATTA	
X14523	BQ585258	EST	GCCTCGAGTCTTTTATGATGTCACCCTTGCTCTGAAAATGCTCAACTTATGCATCTTTTC	
X14567	GS923312	BES	AGAAAGGAATGAAATTCAGGGAAGACATGACACCTGCAAGCATAGTTTCCAATTCTGGAACA	
X14650	GS923243	BES	TAGTAATACCGCAAAAAGGTCCAAGAACACAGCTAATAATATACTCCCTTCCATTTCCTGA	
X14652	GS923172	BES	TATGCCCATAACCATGACATTGTGAACATC	
X14688	GS923256	BES	ATCTTTTTCTTGTTTGCATGTGCCTTAATC	
X14867	GS923199	BES	GCATGGACATAGCTTGGAACCCTGGGAAA	
X14880	ED570253	BES	TAGAGGAGAGGAAAGTTGGAAGTATCTGGCTTGTAATGGACCTCTGGAATCTGGATGAGA	
X14881	GS923378	BES	GTGGCTGTAAAGATTCAATCTTGGTTAGAACTTTAAGAGAATCGAAGAGTTGAGGAGAA	
X14937	GS923264	BES	GTAGATTTCAAGTCCTCCTACCCACATTCA	
X14991M	BQ585353	EST	TTCGACGTGGTAAAAAGCAACTTGATCAGC	GTGGTAAAAAGCAACTTGATCAGCTCAAGAATAGTGATACTGTTAGTTTGTCATCTATGA
X15055	GS923109	BES	GTTATTACATCTCTCCCAAGCATCAAATCTTTTGTTCCAATATCAGGAACCTCCAAACT	
X15108	GS923345	BES	AGGGTAATTAAGTCAAATTTGCTGGGAGACACCATAACTCCCCCCTTCCCTTATATAATAG	
X15128	GS923307	BES	ATCCATTTTAGCCCATTCCATATGCACATTTGATCGATGGTGGCATTTTGTTTGGATTGAA	
X15196	BQ582663	EST	TCTCCTCCTTCGACCAAAACCATGATGGTCGCGTCGTGATTTCTTCGAATCAAGCACATGAT	
X15292	GS923158	BES	GTCATCGAAAGAAGTCGTTCTTACGCCTTTTATATTGAACTTATCAGGTACCTTATCAAT	
X15347	GS923136	BES	GGAGACAAGATGAAACATTGAAACATATGATGCTAACCCCATATATACAGGTTTCAAAAG	
X15376	GS923332	BES	GTGATACTTTACATTGAGAGTCTGTATTCACTTCGGATACAAAGGAATAGTATGGTCTTT	
X15385	ED568241	BES	GGAGCAAGTATGGTGAGCTTAGGGTTTGAG	
X15388	GS923343	BES	CGTTGTCAACCTTTAGACATTACTCTATCATCACTCTCGTATTTTTCATGAGATTGGATA	
X15453	GS923167	BES	GAGCTGGGATTTTGGAAATTAATTGCTCAT	
X15476	BQ588349	EST	AAAACTGATGGAGAAACCATCCAGTGGCTC	
X15495	DX811302	BES	CCTCGCAGTTTGGCCGTTCATGTGGTTCTGTCCAGCAATCTACAATTGAATTACACAATT	
X15567	GS923127	BES	GTCATGGAGAGTGTAGTGTAATATCATTCACAGTGAGGTTATTTTGCTTAGTTTCATAG	
X15573	BQ487907	EST	TGATGTAGCAAGATCCGAAAATGCAGTTCA	
X15575	GS923180	BES	CATGAAAAGTCTGCTATAGATAATTGATGTGTTTCTGTAGTTGCAGTGTGTCTGTTTAAG	
X15600	GS923296	BES	TCCCGAACCAGCCTTCATCCTCCTCAATG	
X15630	ED030141	BES	ACACCTTTTTCCTCCCTCGTGGTAAATGAC	
X15684	ED569761	BES	TTGAGGGAGAAGCCGAGAGGCAAGAGTGGAGATGAAGGTGTTGATATGAGGTTGTGAAGGT	
X15688	ED026901	BES	GAGAAAATAGTCTTCAGGTGTACTATAAATATTCTCCTTTCTATCTCCTCATCGTATGTG	
X15701M	BU096233	EST	TCCAAACCAGGAAACATTGTCGAGACACTCATTTTTAGGTCCAAATGGACTTCGTCGTCAGTGGCAAGGAC	AAACATTGTCGAGACACTCATTTTTAGGTCCAAATGGACTTCGTCGTCA
X15705	BE590311	EST	TCACAACCCAACTGGCGTTGACCCAACAAT	

*: Markers with "M" as last digit, resulted from merging of screening results of oligonucleotides originating from the same source sequence