

Eigene Arbeiten

Material

Bakterienstämme

Insgesamt wurden 26 bovine STEC-Stämme untersucht, die nahezu alle aus Durchfallgeschehen bei Kälbern aus Mitteleuropa isoliert wurden. Daneben dienten die K-12 Laborstämme DH5 α und MG1655 – für die Housekeeping-Gene - sowie der EHEC-Stamm EDL 933 (O157:H7) – für die Virulenzgene - als Kontrollstämme. Die Serovaren (Tabelle 1) sind unterschiedlich mit nur einem O157:H7-Stamm, allen gemeinsam ist jedoch der Besitz eines LEE über den Nachweis des *eae*- und *espB*-Locus, des 60 Mbp großen Virulenzplasmids über den genotypischen Nachweis des Hly_{EHEC} sowie die Bildung eines oder mehrerer Shiga-Toxine (Stx1, Stx2 oder Stx2-Varianten).

Tabelle 1 – verwendete Stämme

Stamm	Virulenz-faktoren	Herkunft	Klin. Status	Probe	Wirt	Serovar
IHIT0072	<i>stx2c</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Berlin	Gesund	Fäzes	Kuh	O157:H7
IHIT0084	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Bayern	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	On.t.:H ⁺
303/89	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Bayern	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O153:H ⁺
IHIT5671	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Belgien	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O145:H ⁺
IHIT0597	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Belgien	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O157:NM
413/89-1	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Bayern	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O26:NM
537/89-1	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Bayern	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O84:NM

Fortsetzung

Tabelle 1 Fortsetzung – verwendete Stämme

Stamm	Virulenz-faktoren	Herkunft	Klin. Status	Probe	Wirt	Serovar
72/90-56	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Bayern	Gesund	Fäzes	Kalb	O5:K ⁻
IHIT0304	<i>stx2</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O145:H28
IHIT0554	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Belgien	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	On.t.:NM
IHIT0578	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Belgien	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O15:H11
IHIT0608	<i>stx2bo</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Belgien	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	On.t.:H ⁺
IHIT1190	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O92:NM
IHIT1703	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O111:H2
IHIT1968	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O119:H25
IHIT2087	<i>stx2</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kuh	O26:H11
IHIT2115	<i>stx2</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O4:NM
IHIT2169	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	On.t.:H11
IHIT2430	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O80:NM
IHIT3000	<i>stx1</i> , <i>stx2</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Gesund	Fäzes	Kalb	O150:NM
IHIT3641	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O17,77:H18
IHIT3669	<i>stx1</i> , LEE	Hessen	Gesund	Fäzes	Kalb	O84:H2

Fortsetzung

Tabelle 1 Fortsetzung – verwendete Stämme

Stamm	Virulenzfaktoren	Herkunft	Klin. Status	Probe	Wirt	Serovar
RW1372	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O103:H2
RW1374	<i>stx1</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kuh	O103:H2
RW1911	<i>stx2c</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Rheinland-Pfalz	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O118:H16
RW2297	<i>stx1</i> , <i>stx2</i> , Hly _{EHEC} , LEE	Hessen	Diarrhöe	Fäzes	Kalb	O118:H16
DH5 α	Laborstämme	Referenzstamm	-	-	-	K-12
MG1655	Laborstämme	Referenzstamm			-	K-12
CT18	<i>S.typhi</i>	Referenzstamm	Diarrhöe	Fäzes	Mensch	<u>O9, O12:Hd</u>