

## Tabellenverzeichnis

TABELLE 1: BEDINGUNGEN ZUR OPTIMALEN KRISTALLISATION VON HEXB.....	40
TABELLE 2: DATENSAMMLUNGSSTATISTIK FÜR SCHWERATOMDATENSÄTZE VON HEXB.....	41
TABELLE 3: DATENSAMMLUNGSSTATISTIK FÜR NATIVE HEXB-DATENSÄTZE .....	42
TABELLE 4: STATISTIK DER MIRAS-PHASENBESTIMMUNG VON HEXB .....	43
TABELLE 5: STATISTIK DER DICHEMODIFIKATION UNTER NCS-MITTELUNG FÜR HEXB .....	44
TABELLE 6: STATISTIK DER MODELLVERFEINERUNG VON HEXB .....	46
TABELLE 7: EIGENSCHAFTEN DER INTERMOLEKULAREN KONTAKTSTELLEN IN HEXB-KRISTALLEN .....	56
TABELLE 8: PUNKTMUTATIONEN IN DER $\beta$ -KETTE DER HEXOSAMINIDASE BEI SANDHOFF-PATIENTEN.....	64
TABELLE 9: GYRATIONSRADIUS VON HEXB NACH GUINIER-ANALYSE.....	73
TABELLE 10: BEDINGUNGEN ZUR OPTIMALEN KRISTALLISATION VON SAPC.....	89
TABELLE 11: DATENSAMMLUNGSSTATISTIK DER SAPC-KRISTALLE .....	91
TABELLE 12: BEDINGUNGEN ZUR OPTIMALEN KRISTALLISATION VON SAPD.....	92
TABELLE 13: DATENSAMMLUNGSSTATISTIK VON SAPD- UND IODO-SAPD-KRISTALLEN.....	95
TABELLE 14: SCHRITTE DER STRUKTURLÖSUNG VON SAPD DURCH MOLEKULAREN ERSATZ.....	97
TABELLE 15: VERFEINERUNGSSTATISTIK DER SAPD- UND IODO-SAPD-MODELLE .....	98
TABELLE 16: UNTERSCHIEDE IN STRUKTUR UND B-WERT ZWISCHEN IODO-SAPD UND SAPD-KETTEN.....	101
TABELLE 17: KONTAKTFLÄCHEN IN SAPD-KRISTALLEN .....	105
TABELLE 18: KONTAKTE ZU GEBUNDENEN SULFATIONEN IN DER SAPD-KRISTALLSTRUKTUR .....	114